From [redacted] **Fri May 19 17:00:22 2000**
From: Rachel Drysdale (Genetics) [redacted]
To: [redacted]
Cc:
Subject: Helping FlyBase: new genes and Synaptic Vesicle Cycle Proteins
Date: Fri, 19 May 2000 16:50:11 +0100

P. Verstreken and H. Bellen

FBrf 0131218

Dear Hugo,

I am curating your Viewpoint from Neuron:
Lloyd et al, 2000, Neuron 26(1): 45--50.

Below is a list of genes from Table 1 that were not previously known - presumably you know the correspondences between them and the CG annotations. (Since all the Computed Genes have been entered in our genes file we prefer to avoid making duplicate records for the same gene). If you could let me know the correspondences I would be most grateful. I can hazard a guess (using GadFly etc) but don't want to get it wrong because that would be extremely unhelpful.

Many of the names in the list can be used more or less as is for gene symbols (* marks the symbol I should use). Others (no mark) I can use what you have given, though in many cases (e.g. endophilin) a symbol would be nicer. There are also several for which you have not given anything for me to go on for the symbol (noted in list). Your symbols/names will become valid and relegate the CG symbols to synonymy.

CASK	*Cask	
exo70		
exo84		
MINT	*Mint	
3 homologs of Neurexin		(one is Nrx = CG6827)
P71		
dsec5	*sec5	
dsec6	*sec6	
dsec8	*sec8	
dsec15	*sec15	
gamma-SNAP-2		
HRS	*Hrs	
dunc-13-4A	*unc-13-4A	
dunc-13-4B	*unc-13-4B	
VPS45	*Vps45	
snapin		
tomosyn		
VAP-33-1	*Vap-33-1	
VAP-33-2	*Vap-33-2	
3 homologs of Calcineurin A		(one is CanA1 = CG1455)
CIRL	*Cirl	
5 homologs of Frequenin		(one is Frq = CG5907)
SYT3	*Syt3	
SYT7	*Syt7	
3 other synaptotagmins		(which need symbols)
SYX6/10	*Syx6/10	
SYX7	*Syx7	
SYX16	*Syx16	
26 homologs of Rab1-14		(which need symbols)
rab3-GAP		
rab3-GEF		
rabphilin-3A		
RIM	*Rim	
SCAMP	*Scamp	
8 homologs of SV2/SVOP		(which need symbols)
synaptogyrin		
AP-1-gamma		
AP-1-sigma		
AP-2-sigma		
AP-3-sigma		
10 Arf genes		(which need symbols)
auxillin		
dynamin-2		
endophilin		
EPS-15	*Eps-15	
epsin-2		
synaptojanin		
4 other synaptojanins		(which need symbols)
syndapin		

Your mail will be curated as a personal communication to FlyBase, and linked to the Neuron Viewpoint article.

From [redacted] **Tue Aug 29 18:45:43 2000**
From: Hugo Bellen [redacted]
To: Rachel Drysdale (Genetics) [redacted]
Subject: Re: Helping FlyBase: new genes and Synaptic Vesicle Cycle Proteins
Date: Tue, 29 Aug 2000 12:51:51 -0500

hi rachel,

Unfortunately, the CG numbers for the genes we mentioned in our Neuron paper were not available when we were doing our screen of the genome. We have tried to find a way to reblast the vertebrate sequences to the CG sequence database to correlate each homolog we mentioned with a CG number, but this has proven very difficult. We list over 150 genes in that paper, and it would take over a week of work to assign each gene a CG number, one by one. We have saved all our blast results, so we can send those to you if it would help assign CG numbers. Because most genes are very homologous to the vertebrate gene, and we have listed the cytology for each Drosophila homologue, it should not be too difficult to use Gadfly to correlate each homologue with its CG number.

Do you want the BLAST results?

Sincerely,
>Dear Hugo,
>
>did you get a chance to look at this yet? We are working hard on
>making aassociations between CG genes and otherwise-known genes and
>this is a group where the associations are knowable. I have not yet
>put the record for your paper into the FlyBase dataset, but will do so
>soon, without the correlations if necessary.
>
>Rachel.
>----- Begin Included Message -----
>
> >From [redacted] Fri May 19 17:00:22 2000
>Envelope-to: [redacted]
>Delivery-date: Fri, 19 May 2000 17:00:22 +0100
>To: [redacted]
>Subject: Helping FlyBase: new genes and Synaptic Vesicle Cycle Proteins
>Cc: [redacted]
>X-Sun-Charset: US-ASCII
>From: Rachel Drysdale (Genetics) [redacted]
>Date: Fri, 19 May 2000 16:50:11 +0100
>Content-Length: 2638
>
>Dear Hugo,
>
>I am curating your Viewpoint from Neuron:
>Lloyd et al, 2000, Neuron 26(1): 45--50.
>
>Below is a list of genes from Table 1 that were not previously known -
>presumably you know the correspondences between them and the CG
>annotations. (Since all the Computed Genes have been entered in our
>genes file we prefer to avoid making duplicate records for the same
>gene). If you could let me know the correspondences I would be most
>grateful. I can hazard a guess (using GadFly etc) but don't want to
>get it wrong because that would be extremely unhelpful.
>
>Many of the names in the list can be used more or less as is for gene
>symbols (* marks the symbol I should use). Others (no mark) I can use
>what you have given, though in many cases (e.g. endophilin) a symbol
>would be nicer. There are also several for which you have not given
>anything for me to go on for the symbol (noted in list). Your
>symbols/names will become valid and relegate the CG symbols to
>synonymy.
>
>	CASK	*Cask
>	exo70
>	exo84
>	MINT	*Mint
>	3 homologs of Neurexin	(one is Nrx = CG6827)
>	P71
>	dsec5	*sec5
>	dsec6	*sec6
>	dsec8	*sec8
>	dsec15	*sec15
>	gamma-SNAP-2
>	HRS	*Hrs
>	dunc-13-4A	*unc-13-4A
>	dunc-13-4B	*unc-13-4B

From [redacted] **Wed Aug 30 10:18:16 2000**
From: Rachel Drysdale (Genetics) [redacted]
To: [redacted]
Cc: [redacted]
Subject: Re: Helping FlyBase: new genes and Synaptic Vesicle Cycle Proteins
Date: Wed, 30 Aug 2000 10:24:58 +0100

Dear Hugo,

Thank you for getting back to me. I think that it would be a shame for us not to have a go at linking the new genes from your article with the CGs. So yes please, if you could send me the BLAST results we will take the time to try to make the links. The thing that this information will give us that was not in the paper will be exactly which vertebrate sequence you used for finding the fly homolog. If we don't tackle this then it is most unlikely that the genes named in your paper will ever be recognised by people working on them in the future, and they will sit in the database for ever more having nothing added to them. Even if we can't manage all 150 then any that we _can_ do will be helpful.

We will curate whatever you send us as a personal communication from you (and anyone else that was involved). Don't worry about tidying up what you have - I can work on it at this end, but would run it by you when I have finished for final approval. As it happens, I won't be able to get to this til next month (since it will be quite a big job), and in the meantime will process the curation record for your paper independently.

How does that sound?

cheers,

Rachel.

>From [redacted] Tue Aug 29 18:45:43 2000
Envelope-to: [redacted]
Delivery-date: Tue, 29 Aug 2000 18:45:43 +0100
Mime-Version: 1.0
Date: Tue, 29 Aug 2000 12:51:51 -0500
To: Rachel Drysdale (Genetics) [redacted]
From: Hugo Bellen [redacted]
Subject: Re: Helping FlyBase: new genes and Synaptic Vesicle Cycle Proteins

hi rachel,

Unfortunately, the CG numbers for the genes we mentioned in our Neuron paper were not available when we were doing our screen of the genome. We have tried to find a way to reblast the vertebrate sequences to the CG sequence database to correlate each homolog we mentioned with a CG number, but this has proven very difficult. We list over 150 genes in that paper, and it would take over a week of work to assign each gene a CG number, one by one. We have saved all our blast results, so we can send those to you if it would help assign CG numbers. Because most genes are very homologous to the vertebrate gene, and we have listed the cytology for each Drosophila homologue, it should not be too difficult to use Gadfly to correlate each homologue with its CG number.

Do you want the BLAST results?

Sincerely,

From [redacted] **Tue Sep 05 02:40:09 2000**
From: Patrik Verstreken [redacted]
To: [redacted]
Subject: blast search results for synaptic vesicle cycle proteins
Date: Mon, 4 Sep 2000 20:53:49 -0600

Dear Rachel,
To ease the linking of the drosophila synaptic vesicle cycle genes to their respective CG number we have conducted a tBLASTn search. We compared the vertebrate protein sequences to the gadfly database, which contains predicted gene sequences. I have attached a word document (Microsoft Word format, 12 pages long, Times 5 point font in 3 columns) which contains the first lines of those tBLASTn results. If you would need the actual alignments, you need to let us know.

patrik.

<This message contains 2 attachments (not printed)>

analyse/AP-17.na_gadfly

CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 273 3e-74
CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 140 5e-34
CG3029 : FBan0003029 : CT10190 : FBan0003029 98 4e-21
CG14813 : FBan0014813 : CT34626 : FBan0014813 42 2e-04
CG7057 : FBan0007057 : CT42529 : FBan0007057 36 0.016
CG8954 : FBan0008954 : CT25724 : FBan0008954 29 2.1
CG6696 : FBan0006696 : CT20722 : FBan0006696 29 2.1
CG14398 : FBan0014398 : CT34047 : FBan0014398 28 3.6
CG3291 : FBan0003291 : CT10981 : FBan0003291 27 4.7
CG9388 : FBan0009388 : CT26661 : FBan0009388 27 6.2
CG3131 : FBan0003131 : CT10494 : FBan0003131 27 8.1
CG11534 : FBan0011534 : CT36427 : FBan0011534 27 8.1
CG4878 : FBan0004878 : CT15671 : FBan0004878 27 8.1

---

analyse/AP-180.na_gadfly

CG2520 : FBan0002520 : CT8341 : FBan0002520 409 e-114
CG7847 : FBan0007847 : CT23724 : FBan0007847 34 0.41
CG10137 : FBan0010137 : CT28521 : FBan0010137 32 1.2
CG6993 : FBan0006993 : CT20586 : FBan0006993 32 1.6
CG9727 : FBan0009727 : CT27410 : FBan0009727 32 1.6
CG13777 : FBan0013777 : CT33265 : FBan0013777 32 2.1
CG5067 : FBan0005067 : CT16255 : FBan0005067 31 2.7
CG2083 : FBan0002083 : CT6774 : FBan0002083 31 3.6
CG10055 : FBan0010055 : CT28305 : FBan0010055 31 4.7
CG8929 : FBan0008929 : CT36861 : FBan0008929 31 4.7
CG3950 : FBan0003950 : CT13109 : FBan0003950 31 4.7
CG1447 : FBan0001447 : CT3485 : FBan0001447 30 6.1
CG2808 : FBan0002808 : CT9587 : FBan0002808 30 6.1
CG7765 : FBan0007765 : CT23616 : FBan0007765 30 6.1

---

analyse/AP-1__AP-47.na_gadfly

CG9388 : FBan0009388 : CT26661 : FBan0009388 712 0.0
CG7057 : FBan0007057 : CT42529 : FBan0007057 332 2e-91
CG3035 : FBan0003035 : CT40093 : FBan0003035 187 1e-47
CG12473 : FBan0012473 : CT32712 : FBan0012473 55 1e-07
CG14813 : FBan0014813 : CT34626 : FBan0014813 38 0.009
CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 36 0.035
CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 33 0.31
CG3524 : FBan0003524 : CT11835 : FBan0003524 31 2.0
CG16892 : FBan0016892 : CT35395 : FBan0016892 29 4.6

>CG9388 : FBan0009388 : CT26661 : FBan0009388
Length = 1735

Score = 712 bits (1818), Expect = 0.0

---

analyse/AP-2_gamma.na_gadfly

CG7807 : FBan0007807 : CT23720 : FBan0007807 289 2e-78
CG11518 : FBan0011518 : CT35373 : FBan0011518 34 0.25
CG1464 : FBan0001464 : CT3543 : FBan0001464 34 0.25
CG14221 : FBan0014221 : CT33835 : FBan0014221 33 0.43
CG1406 : FBan0001406 : CT3266 : FBan0001406 32 0.56
CG2906 : FBan0002906 : CT9908 : FBan0002906 32 0.96
CG10882 : FBan0010882 : CT30467 : FBan0010882 31 2.2
CG15504 : FBan0015504 : CT35617 : FBan0015504 31 2.2
CG2069 : FBan0002069 : CT6702 : FBan0002069 30 3.7
CG5734 : FBan0005734 : CT18028 : FBan0005734 29 4.9
CG5718 : FBan0005718 : CT17979 : FBan0005718 29 6.4
CG5522 : FBan0005522 : CT17188 : FBan0005522 29 6.4
CG10622 : FBan0010622 : CT29754 : FBan0010622 29 6.4
CG11436 : FBan0011436 : CT9537 : FBan0011436 29 6.4

---

analyse/AP-3.na_gadfly

CG3035 : FBan0003035 : CT40093 : FBan0003035 623 e-179
CG9388 : FBan0009388 : CT26661 : FBan0009388 188 5e-48
CG7057 : FBan0007057 : CT42529 : FBan0007057 161 8e-40
CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 37 0.027
CG12473 : FBan0012473 : CT32712 : FBan0012473 36 0.035
CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 30 3.5
CG7894 : FBan0007894 : CT23737 : FBan0007894 29 5.9
CG11266 : FBan0011266 : CT31405 : FBan0011266 29 7.8
CG8945 : FBan0008945 : CT25686 : FBan0008945 29 7.8

>CG3035 : FBan0003035 : CT40093 : FBan0003035
Length = 1491

Score = 623 bits (1589), Expect = e-179

---

analyse/AP17_delta.na_gadfly

CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 184 2e-47
CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 82 1e-16
CG3029 : FBan0003029 : CT10190 : FBan0003029 50 6e-07
CG9388 : FBan0009388 : CT26661 : FBan0009388 27 4.8
CG7404 : FBan0007404 : CT22787 : FBan0007404 26 6.3
CG3035 : FBan0003035 : CT40093 : FBan0003035 26 6.3

>CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056
Length = 469

Score = 184 bits (462), Expect = 2e-47
Identities = 100/104 (96%), Positives = 101/104 (96%), Gaps = 38/104 (36%)

Query: 1
MIRFILIQNRAGKTRLAKWYMQFDDDEKQKLIBEVHAVVTVRDAKHT----------
--- 47

---

analyse/AP17_small_sub_unit.na_gadfly

CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 273 3e-74
CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 140 5e-34
CG3029 : FBan0003029 : CT10190 : FBan0003029 98 4e-21
CG14813 : FBan0014813 : CT34626 : FBan0014813 42 2e-04
CG7057 : FBan0007057 : CT42529 : FBan0007057 36 0.016
CG8954 : FBan0008954 : CT25724 : FBan0008954 29 2.1
CG6696 : FBan0006696 : CT20722 : FBan0006696 29 2.1
CG14398 : FBan0014398 : CT34047 : FBan0014398 28 3.6
CG3291 : FBan0003291 : CT10981 : FBan0003291 27 4.7
CG9388 : FBan0009388 : CT26661 : FBan0009388 27 6.2
CG3131 : FBan0003131 : CT10494 : FBan0003131 27 8.1
CG11534 : FBan0011534 : CT36427 : FBan0011534 27 8.1
CG4878 : FBan0004878 : CT15671 : FBan0004878 27 8.1

---

analyse/AP180.na_gadfly

CG2520 : FBan0002520 : CT8341 : FBan0002520 409 e-114
CG7847 : FBan0007847 : CT23724 : FBan0007847 34 0.41
CG10137 : FBan0010137 : CT28521 : FBan0010137 32 1.2
CG6993 : FBan0006993 : CT20586 : FBan0006993 32 1.6
CG9727 : FBan0009727 : CT27410 : FBan0009727 32 1.6
CG13777 : FBan0013777 : CT33265 : FBan0013777 32 2.1
CG5067 : FBan0005067 : CT16255 : FBan0005067 31 2.7
CG2083 : FBan0002083 : CT6774 : FBan0002083 31 3.6
CG10055 : FBan0010055 : CT28305 : FBan0010055 31 4.7
CG8929 : FBan0008929 : CT36861 : FBan0008929 31 4.7
CG3950 : FBan0003950 : CT13109 : FBan0003950 31 4.7
CG1447 : FBan0001447 : CT3485 : FBan0001447 30 6.1
CG2808 : FBan0002808 : CT9587 : FBan0002808 30 6.1
CG7765 : FBan0007765 : CT23616 : FBan0007765 30 6.1

---

analyse/AP1_gamma1.na_gadfly

CG9113 : FBan0009113 : CT26074 : FBan0009113 737 0.0
CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260 230 2e-60
CG10986 : FBan0010986 : CT30781 : FBan0010986 165 1e-40
CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 78 2e-14
CG6223 : FBan0006223 : CT19258 : FBan0006223 40 0.005
CG14172 : FBan0014172 : CT33776 : FBan0014172 35 0.16
CG13388 : FBan0013388 : CT32734 : FBan0013388 35 0.21
CG3373 : FBan0003373 : CT11347 : FBan0003373 32 1.1
CG18394 : FBan0018394 : CT28980 : FBan0018394 31 3.2
CG4713 : FBan0004713 : CT15187 : FBan0004713 31 4.1
CG12424 : FBan0012424 : CT31991 : FBan0012424 30 7.1
CG18076 : FBan0018076 : CT39520 : FBan0018076 30 7.1
CG14510 : FBan0014510 : CT34228 : FBan0014510 29 9.3
CG1501 : FBan0001501 : CT3759 : FBan0001501 29 9.3

---

analyse/AP1_gamma2.na_gadfly

CG9113 : FBan0009113 : CT26074 : FBan0009113 605 e-173
CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260 220 2e-57
CG10986 : FBan0010986 : CT30781 : FBan0010986 132 8e-31
CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 59 8e-09
CG11197 : FBan0011197 : CT27980 : FBan0011197 47 5e-05
CG11427 : FBan0011427 : CT9509 : FBan0011427 44 4e-04
CG10805 : FBan0010805 : CT30278 : FBan0010805 31 2.3
CG11188 : FBan0011188 : CT31254 : FBan0011188 29 8.9

>CG9113 : FBan0009113 : CT26074 : FBan0009113
Length = 3214

Score = 605 bits (1543), Expect = e-173
Identities = 313/583 (53%), Positives = 407/583 (69%), Gaps = 6/583 (1%)

---

analyse/AP1_mu2.na_gadfly

CG9388 : FBan0009388 : CT26661 : FBan0009388 663 0.0
CG7057 : FBan0007057 : CT42529 : FBan0007057 334 5e-92
CG3035 : FBan0003035 : CT40093 : FBan0003035 193 2e-49
CG12473 : FBan0012473 : CT32712 : FBan0012473 59 4e-09
CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 39 0.005
CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 36 0.035
CG3524 : FBan0003524 : CT11835 : FBan0003524 31 1.2
CG11092 : FBan0011092 : CT31031 : FBan0011092 29 4.5
CG3493 : FBan0003493 : CT11783 : FBan0003493 29 6.0
CG7092 : FBan0007092 : CT21921 : FBan0007092 29 7.8

>CG9388 : FBan0009388 : CT26661 : FBan0009388
Length = 1735

---

analyse/AP1_sigma_1A.na_gadfly

CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 254 3e-68
CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 146 9e-36
CG3029 : FBan0003029 : CT10190 : FBan0003029 96 1e-20
CG7057 : FBan0007057 : CT42529 : FBan0007057 41 4e-04
CG3035 : FBan0003035 : CT40093 : FBan0003035 36 0.014
CG3948 : FBan0003948 : CT13124 : FBan0003948 34 0.071
CG9388 : FBan0009388 : CT26661 : FBan0009388 33 0.12
CG14258 : FBan0014258 : CT33878 : FBan0014258 29 1.8
CG4878 : FBan0004878 : CT15671 : FBan0004878 28 4.1
CG5659 : FBan0005659 : CT17874 : FBan0005659 27 5.4
CG8649 : FBan0008649 : CT25044 : FBan0008649 27 7.0
CG10524 : FBan0010524 : CT8675 : FBan0010524 27 9.2

>CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864

---

analyse/AP1_sigma_1B.na_gadfly

CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 263 4e-71
CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 144 4e-35
CG3029 : FBan0003029 : CT10190 : FBan0003029 92 1e-19
CG7057 : FBan0007057 : CT42529 : FBan0007057 41 4e-04
CG3035 : FBan0003035 : CT40093 : FBan0003035 38 0.005
CG9388 : FBan0009388 : CT26661 : FBan0009388 31 0.47
CG3948 : FBan0003948 : CT13124 : FBan0003948 30 0.80
CG1768 : FBan0001768 : CT4728 : FBan0001768 28 4.1
CG4878 : FBan0004878 : CT15671 : FBan0004878 27 7.0
CG15591 : FBan0015591 : CT35710 : FBan0015591 27 7.0
CG6117 : FBan0006117 : CT19108 : FBan0006117 27 9.1

>CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864
Length = 743

---

analyse/AP2-AP50_.na_gadfly

CG7057 : FBan0007057 : CT42529 : FBan0007057 778 0.0
CG9388 : FBan0009388 : CT26661 : FBan0009388 335 3e-92
CG3035 : FBan0003035 : CT40093 : FBan0003035 178 8e-45
CG12473 : FBan0012473 : CT32712 : FBan0012473 58 1e-08
CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 43 3e-04
CG5954 : FBan0005954 : CT18705 : FBan0005954 32 0.93
CG7241 : FBan0007241 : CT22337 : FBan0007241 31 1.2
CG14813 : FBan0014813 : CT34626 : FBan0014813 31 2.1
CG16974 : FBan0016974 : CT35580 : FBan0016974 29 8.1
CG1598 : FBan0001598 : CT4243 : FBan0001598 29 8.1

>CG7057 : FBan0007057 : CT42529 : FBan0007057
Length = 1921

---

analyse/AP2-alpha2.na_gadfly

CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260 1285 0.0
CG9113 : FBan0009113 : CT26074 : FBan0009113 231 1e-60
CG10986 : FBan0010986 : CT30781 : FBan0010986 158 2e-38
CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 82 1e-15
CG1915 : FBan0001915 : CT5932 : FBan0001915 31 3.6
CG6890 : FBan0006890 : CT21344 : FBan0006890 30 8.2

>CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260
Length = 3836

Score = 1285 bits (3290), Expect = 0.0
Identities = 643/933 (68%), Positives = 750/933 (79%), Gaps = 3/933 (0%)

Query: 6
KGDGMRGLAVFISDIRNCKSKEAAEIKRINKELANRSKPKGDKALDGYSKKKY
VCKLLFI 65

---

analyse/AP2-beta.na_gadfly

CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 1273 0.0
CG11427 : FBan0011427 : CT9509 : FBan0011427 240 3e-63
CG10986 : FBan0010986 : CT30781 : FBan0010986 87 6e-17
CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260 79 1e-14
CG6223 : FBan0006223 : CT19258 : FBan0006223 77 5e-14
CG9113 : FBan0009113 : CT26074 : FBan0009113 67 6e-11
CG11197 : FBan0011197 : CT27980 : FBan0011197 38 0.037
CG5155 : FBan0005155 : CT16511 : FBan0005155 32 1.6
CG11819 : FBan0011819 : CT36931 : FBan0011819 31 2.8
CG17291 : FBan0017291 : CT32725 : FBan0017291 31 2.8
CG7100 : FBan0007100 : CT21941 : FBan0007100 31 4.8
CG4589 : FBan0004589 : CT14848 : FBan0004589 31 4.8
CG3723 : FBan0003723 : CT12407 : FBan0003723 30 8.3
CG1059 : FBan0001059 : CT1191 : FBan0001059 30 8.3

---

analyse/AP2.na_gadfly

CG7057 : FBan0007057 : CT42529 : FBan0007057 778 0.0
CG9388 : FBan0009388 : CT26661 : FBan0009388 335 3e-92
CG3035 : FBan0003035 : CT40093 : FBan0003035 178 8e-45
CG12473 : FBan0012473 : CT32712 : FBan0012473 58 1e-08
CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 43 3e-04
CG5954 : FBan0005954 : CT18705 : FBan0005954 32 0.93
CG7241 : FBan0007241 : CT22337 : FBan0007241 31 1.2
CG14813 : FBan0014813 : CT34626 : FBan0014813 31 2.1
CG16974 : FBan0016974 : CT35580 : FBan0016974 29 8.1
CG1598 : FBan0001598 : CT4243 : FBan0001598 29 8.1

>CG7057 : FBan0007057 : CT42529 : FBan0007057
Length = 1921

---

analyse/AP3_beta1.na_gadfly

CG11427 : FBan0011427 : CT9509 : FBan0011427 806 0.0
CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 272 1e-72
CG6223 : FBan0006223 : CT19258 : FBan0006223 74 4e-13
CG12188 : FBan0012188 : CT9493 : FBan0012188 35 0.29
CG7999 : FBan0007999 : CT24025 : FBan0007999 33 1.1
CG9856 : FBan0009856 : CT27816 : FBan0009856 32 1.5
CG12800 : FBan0012800 : CT38889 : FBan0012800 32 2.5
CG12031 : FBan0012031 : CT22300 : FBan0012031 30 7.4
CG5270 : FBan0005270 : CT16801 : FBan0005270 30 7.4
CG5535 : FBan0005535 : CT17514 : FBan0005535 30 9.7

>CG11427 : FBan0011427 : CT9509 : FBan0011427
Length = 3741

---

analyse/AP3_beta3A.na_gadfly

CG11427 : FBan0011427 : CT9509 : FBan0011427 806 0.0
CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 272 1e-72
CG6223 : FBan0006223 : CT19258 : FBan0006223 74 4e-13
CG12188 : FBan0012188 : CT9493 : FBan0012188 35 0.29
CG7999 : FBan0007999 : CT24025 : FBan0007999 33 1.1
CG9856 : FBan0009856 : CT27816 : FBan0009856 32 1.5

②

CG12800 : FBan0012800 : CT38889 : FBan0012800 32 2.5
CG12031 : FBan0012031 : CT2300 : FBan0012031 30 7.4
CG5270 : FBan0005270 : CT16801 : FBan0005270 30 7.4
CG5535 : FBan0005535 : CT17514 : FBan0005535 30 9.7

>CG11427 : FBan0011427 : CT9509 : FBan0011427
Length = 3741

---

analyse/AP3_beta3B.na_gadfly

CG11427 : FBan0011427 : CT9509 : FBan0011427 829 0.0
CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 265 8e-71
CG6223 : FBan0006223 : CT19258 : FBan0006223 68 2e-11
CG10488 : FBan0010488 : CT29422 : FBan0010488 34 0.64
CG2244 : FBan0002244 : CT7168 : FBan0002244 32 1.9
CG4444 : FBan0004444 : CT14446 : FBan0004444 31 3.2
CG15732 : FBan0015732 : CT35969 : FBan0015732 31 5.5
CG5700 : FBan0005700 : CT17960 : FBan0005700 30 7.2
CG13798 : FBan0013798 : CT33293 : FBan0013798 30 7.2
CG2212 : FBan0002212 : CT7332 : FBan0002212 30 7.2
CG12525 : FBan0012525 : CT33782 : FBan0012525 30 7.2

>CG11427 : FBan0011427 : CT9509 : FBan0011427
Length = 3741

---

analyse/AP3_delta.na_gadfly

CG10986 : FBan0010986 : CT30781 : FBan0010986 860 0.0
CG11197 : FBan0011197 : CT27980 : FBan0011197 469 e-132
CG9113 : FBan0009113 : CT26074 : FBan0009113 169 1e-41
CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260 161 3e-39
CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 79 1e-14
CG6223 : FBan0006223 : CT19258 : FBan0006223 78 4e-14
CG5824 : FBan0005824 : CT18277 : FBan0005824 33 1.2
CG17349 : FBan0017349 : CT32310 : FBan0017349 32 2.1
CG4817 : FBan0004817 : CT15471 : FBan0004817 31 3.6
CG12132 : FBan0012132 : CT7740 : FBan0012132 31 4.7
CG6625 : FBan0006625 : CT20594 : FBan0006625 30 8.0

>CG10986 : FBan0010986 : CT30781 : FBan0010986
Length = 2691

---

analyse/AP3_sigma1.na_gadfly

CG3029 : FBan0003029 : CT10190 : FBan0003029 285 1e-77
CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 116 1e-26
CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 111 3e-25
CG3292 : FBan0003292 : CT10743 : FBan0003292 34 0.070
CG8070 : FBan0008070 : CT8068 : FBan0008070 32 0.35
CG11679 : FBan0011679 : CT25680 : FBan0011679 29 1.8
CG12138 : FBan0012138 : CT7814 : FBan0012138 28 5.3
CG7242 : FBan0007242 : CT22341 : FBan0007242 27 9.0

>CG3029 : FBan0003029 : CT10190 : FBan0003029
Length = 633

Score = 285 bits (722), Expect = 1e-77
Identities = 142/182 (78%), Positives = 164/182 (90%), Gaps = 19/182 (10%)

---

analyse/AP3_sigma2.na_gadfly

CG3029 : FBan0003029 : CT10190 : FBan0003029 288 1e-78
CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 119 1e-27
CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 112 2e-25
CG8070 : FBan0008070 : CT8068 : FBan0008070 33 0.16
CG13492 : FBan0013492 : CT32860 : FBan0013492 29 2.4
CG3981 : FBan0003981 : CT13223 : FBan0003981 27 7.0
CG12138 : FBan0012138 : CT7814 : FBan0012138 27 7.0

>CG3029 : FBan0003029 : CT10190 : FBan0003029
Length = 633

Score = 288 bits (730), Expect = 1e-78
Identities = 143/182 (78%), Positives = 165/182 (90%), Gaps = 19/182 (10%)

---

analyse/AP3_sigma3A.na_gadfly

CG3029 : FBan0003029 : CT10190 : FBan0003029 285 1e-77
CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 116 1e-26
CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 111 3e-25
CG3292 : FBan0003292 : CT10743 : FBan0003292 34 0.070
CG8070 : FBan0008070 : CT8068 : FBan0008070 32 0.35
CG11679 : FBan0011679 : CT25680 : FBan0011679 29 1.8
CG12138 : FBan0012138 : CT7814 : FBan0012138 28 5.3
CG7242 : FBan0007242 : CT22341 : FBan0007242 27 9.0

>CG3029 : FBan0003029 : CT10190 : FBan0003029
Length = 633

Score = 285 bits (722), Expect = 1e-77
Identities = 142/182 (78%), Positives = 164/182 (90%), Gaps = 19/182 (10%)

---

analyse/AP3_sigma3B.na_gadfly

CG3029 : FBan0003029 : CT10190 : FBan0003029 288 1e-78
CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 119 1e-27
CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 112 2e-25
CG8070 : FBan0008070 : CT8068 : FBan0008070 33 0.16
CG13492 : FBan0013492 : CT32860 : FBan0013492 29 2.4
CG3981 : FBan0003981 : CT13223 : FBan0003981 27 7.0
CG12138 : FBan0012138 : CT7814 : FBan0012138 27 7.0

>CG3029 : FBan0003029 : CT10190 : FBan0003029
Length = 633

Score = 288 bits (730), Expect = 1e-78
Identities = 143/182 (78%), Positives = 165/182 (90%), Gaps = 19/182 (10%)

---

analyse/ARF-GEF.na_gadfly

CG11628 : FBan0011628 : CT7581 : FBan0011628 495 e-140
CG7578 : FBan0007578 : CT23175 : FBan0007578 182 3e-46
CG10577 : FBan0010577 : CT29666 : FBan0010577 142 4e-34
CG8487 : FBan0008487 : CT24821 : FBan0008487 128 6e-30
CG6941 : FBan0006941 : CT21505 : FBan0006941 101 1e-21
CG12393 : FBan0012393 : CT26168 : FBan0012393 51 1e-06
CG12467 : FBan0012467 : CT32681 : FBan0012467 48 1e-05
CG10020 : FBan0010020 : CT28217 : FBan0010020 46 4e-05
CG6939 : FBan0006939 : CT21495 : FBan0006939 46 4e-05
CG2092 : FBan0002092 : CT6816 : FBan0002092 45 8e-05
CG14366 : FBan0014366 : CT34002 : FBan0014366 45 1e-04
CG6708 : FBan0006708 : CT19296 : FBan0006708 43 3e-04
CG6742 : FBan0006742 : CT20939 : FBan0006742 42 5e-04
CG5004 : FBan0005004 : CT16056 : FBan0005004 40 0.003

---

analyse/ARP.na_gadfly

CG7039 : FBan0007039 : CT21767 : FBan0007039 269 1e-72
CG7197 : FBan0007197 : CT22219 : FBan0007197 119 2e-27
CG8385 : FBan0008385 : CT24565 : FBan0008385 113 7e-26
CG7435 : FBan0007435 : CT22853 : FBan0007435 109 1e-24
CG6560 : FBan0006560 : CT20357 : FBan0006560 109 1e-24
CG8156 : FBan0008156 : CT21197 : FBan0008156 103 8e-23
CG11027 : FBan0011027 : CT30867 : FBan0011027 103 1e-22
CG6025 : FBan0006025 : CT18906 : FBan0006025 99 1e-21
CG17819 : FBan0017819 : CT39518 : FBan0017819 98 4e-21
CG7891 : FBan0007891 : CT23867 : FBan0007891 88 5e-18
CG7735 : FBan0007735 : CT23523 : FBan0007735 86 1e-17
CG2219 : FBan0002219 : CT7292 : FBan0002219 84 3e-17
CG7073 : FBan0007073 : CT21873 : FBan0007073 85 4e-17
CG3320 : FBan0003320 : CT11153 : FBan0003320 59 2e-09

---

analyse/AT3-mut-human-NP_036227.na_gadfly

CG3035 : FBan0003035 : CT40093 : FBan0003035 623 e-179
CG9388 : FBan0009388 : CT26661 : FBan0009388 188 5e-48
CG7057 : FBan0007057 : CT42529 : FBan0007057 161 8e-40
CG5864 : FBan0005864 : CT18395 : FBan0005864 37 0.027
CG12473 : FBan0012473 : CT32712 : FBan0012473 36 0.035
CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 30 3.5
CG7894 : FBan0007894 : CT23737 : FBan0007894 29 5.9
CG11266 : FBan0011266 : CT31406 : FBan0011266 29 7.8
CG8945 : FBan0008945 : CT25686 : FBan0008945 29 7.8

>CG3035 : FBan0003035 : CT40093 : FBan0003035
Length = 1491

Score = 623 bits (1589), Expect = e-179

---

analyse/CAPS.na_gadfly

CG17881 : FBan0017881 : CT39782 : FBan0017881 1019 0.0
CG18026 : FBan0018026 : CT40344 : FBan0018026 386 e-107
CG11628 : FBan0011628 : CT7581 : FBan0011628 37 0.089
CG9205 : FBan0009205 : CT26302 : FBan0009205 36 0.12
CG14366 : FBan0014366 : CT34002 : FBan0014366 36 0.12
CG8684 : FBan0008684 : CT25078 : FBan0008684 32 1.7
CG5517 : FBan0005517 : CT17460 : FBan0005517 32 3.0
CG15792 : FBan0015792 : CT9199 : FBan0015792 31 6.7
CG8818 : FBan0008818 : CT25380 : FBan0008818 30 8.7

>CG17881 : FBan0017881 : CT39782 : FBan0017881
Length = 2329

Score = 1019 bits (2605), Expect = 0.0

---

analyse/CASK.na_gadfly

CG6703 : FBan0006703 : CT20820 : FBan0006703 614 e-176
CG13412 : FBan0013412 : CT32768 : FBan0013412 485 e-137
CG9326 : FBan0009326 : CT3801 : FBan0009326 317 1e-86
CG18069 : FBan0018069 : CT40499 : FBan0018069 282 8e-76
CG13219 : FBan0013219 : CT32463 : FBan0013219 243 3e-64
CG1617 : FBan0001617 : CT4306 : FBan0001617 218 1e-56
CG1495 : FBan0001495 : CT3727 : FBan0001495 194 2e-49
CG1830 : FBan0001830 : CT5552 : FBan0001830 191 1e-48
CG1479 : FBan0001479 : CT3598 : FBan0001479 180 3e-45
CG6114 : FBan0006114 : CT19136 : FBan0006114 155 1e-37
CG10895 : FBan0010895 : CT30511 : FBan0010895 154 2e-37
CG7125 : FBan0007125 : CT22025 : FBan0007125 154 2e-37
CG17596 : FBan0017596 : CT34367 : FBan0017596 153 4e-37
CG8201 : FBan0008201 : CT37131 : FBan0008201 148 2e-35

---

analyse/CASK_A.na_gadfly

CG13412 : FBan0013412 : CT32768 : FBan0013412 478 e-135
CG18069 : FBan0018069 : CT40499 : FBan0018069 273 2e-73
CG6703 : FBan0006703 : CT20820 : FBan0006703 209 5e-54
CG1495 : FBan0001495 : CT3727 : FBan0001495 188 1e-47
CG1830 : FBan0001830 : CT5552 : FBan0001830 187 2e-47
CG1479 : FBan0001479 : CT3598 : FBan0001479 172 5e-43
CG6114 : FBan0006114 : CT19136 : FBan0006114 150 2e-36
CG10895 : FBan0010895 : CT30511 : FBan0010895 150 3e-36
CG7125 : FBan0007125 : CT22025 : FBan0007125 149 4e-36
CG17596 : FBan0017596 : CT34367 : FBan0017596 147 2e-35
CG8201 : FBan0008201 : CT37131 : FBan0008201 143 3e-34
CG8485 : FBan0008485 : CT24819 : FBan0008485 141 1e-33
CG17216 : FBan0017216 : CT38153 : FBan0017216 141 2e-33
CG6715 : FBan0006715 : CT20848 : FBan0006715 140 3e-33

---

analyse/CASK_B.na_gadfly

CG6703 : FBan0006703 : CT20820 : FBan0006703 598 e-171
CG13412 : FBan0013412 : CT32768 : FBan0013412 483 e-136
CG9326 : FBan0009326 : CT3801 : FBan0009326 303 2e-82
CG18069 : FBan0018069 : CT40499 : FBan0018069 279 4e-75
CG13219 : FBan0013219 : CT32463 : FBan0013219 224 2e-58
CG1617 : FBan0001617 : CT4306 : FBan0001617 199 8e-51
CG1495 : FBan0001495 : CT3727 : FBan0001495 194 2e-49
CG1830 : FBan0001830 : CT5552 : FBan0001830 191 1e-48
CG1479 : FBan0001479 : CT3598 : FBan0001479 178 1e-44
CG6114 : FBan0006114 : CT19136 : FBan0006114 155 1e-37
CG10895 : FBan0010895 : CT30511 : FBan0010895 154 2e-37
CG7125 : FBan0007125 : CT22025 : FBan0007125 154 2e-37
CG17596 : FBan0017596 : CT34367 : FBan0017596 153 4e-37
CG8201 : FBan0008201 : CT37131 : FBan0008201 148 2e-35

---

analyse/CSP.na_gadfly

CG6395 : FBan0006395 : CT36297 : FBan0006395 169 8e-43
CG5001 : FBan0005001 : CT15884 : FBan0005001 90 1e-18
CG10578 : FBan0010578 : CT29670 : FBan0010578 89 2e-18
CG7130 : FBan0007130 : CT22047 : FBan0007130 89 3e-18
CG8448 : FBan0008448 : CT37123 : FBan0008448 85 3e-17
CG9828 : FBan0009828 : CT27734 : FBan0009828 82 2e-16
CG8863 : FBan0008863 : CT36737 : FBan0008863 81 6e-16
CG5504 : FBan0005504 : CT17450 : FBan0005504 77 7e-15
CG4164 : FBan0004164 : CT13772 : FBan0004164 75 4e-14
CG3061 : FBan0003061 : CT10290 : FBan0003061 74 8e-14
CG17187 : FBan0017187 : CT38124 : FBan0017187 74 8e-14
CG7133 : FBan0007133 : CT22051 : FBan0007133 68 6e-12
CG2790 : FBan0002790 : CT9445 : FBan0002790 66 2e-11
CG2239 : FBan0002239 : CT6858 : FBan0002239 65 3e-11

---

analyse/DNAJ2.na_gadfly

CG8863 : FBan0008863 : CT36737 : FBan0008863 432 e-121
CG9828 : FBan0009828 : CT27734 : FBan0009828 241 5e-64
CG4164 : FBan0004164 : CT13772 : FBan0004164 135 4e-32
CG5001 : FBan0005001 : CT15884 : FBan0005001 105 4e-23
CG10578 : FBan0010578 : CT29670 : FBan0010578 94 2e-19
CG2887 : FBan0002887 : CT7106 : FBan0002887 92 7e-19
CG12020 : FBan0012020 : CT1741 : FBan0012020 69 6e-12
CG5504 : FBan0005504 : CT17450 : FBan0005504 68 8e-12
CG7387 : FBan0007387 : CT22743 : FBan0007387 62 5e-10
CG8448 : FBan0008448 : CT37123 : FBan0008448 56 5e-08
CG7130 : FBan0007130 : CT22047 : FBan0007130 55 1e-07
CG11035 : FBan0011035 : CT9253 : FBan0011035 53 3e-07
CG7133 : FBan0007133 : CT22051 : FBan0007133 50 3e-06
CG6395 : FBan0006395 : CT36297 : FBan0006395 50 3e-06

---

analyse/DNAJ3.na_gadfly

CG8863 : FBan0008863 : CT36737 : FBan0008863 339 2e-93
CG9828 : FBan0009828 : CT27734 : FBan0009828 247 1e-65
CG4164 : FBan0004164 : CT13772 : FBan0004164 180 1e-45
CG5001 : FBan0005001 : CT15884 : FBan0005001 141 6e-34
CG2887 : FBan0002887 : CT7106 : FBan0002887 132 5e-31
CG10578 : FBan0010578 : CT29670 : FBan0010578 102 5e-22
CG5504 : FBan0005504 : CT17450 : FBan0005504 95 9e-20
CG6395 : FBan0006395 : CT36297 : FBan0006395 77 2e-14
CG12020 : FBan0012020 : CT1741 : FBan0012020 73 4e-13
CG8448 : FBan0008448 : CT37123 : FBan0008448 73 4e-13
CG7130 : FBan0007130 : CT22047 : FBan0007130 69 6e-12
CG17187 : FBan0017187 : CT38124 : FBan0017187 66 6e-11
CG11035 : FBan0011035 : CT9253 : FBan0011035 64 2e-10
CG14650 : FBan0014650 : CT34422 : FBan0014650 63 3e-10

---

analyse/DNAJ7.na_gadfly

CG5001 : FBan0005001 : CT15884 : FBan0005001 97 1e-20
CG10578 : FBan0010578 : CT29670 : FBan0010578 95 4e-20
CG5504 : FBan0005504 : CT17450 : FBan0005504 92 4e-19
CG2887 : FBan0002887 : CT7106 : FBan0002887 87 1e-17
CG3061 : FBan0003061 : CT10290 : FBan0003061 83 1e-16
CG8863 : FBan0008863 : CT36737 : FBan0008863 81 7e-16
CG4164 : FBan0004164 : CT13772 : FBan0004164 78 4e-15
CG8448 : FBan0008448 : CT37123 : FBan0008448 76 2e-14
CG7130 : FBan0007130 : CT22047 : FBan0007130 75 4e-14
CG6395 : FBan0006395 : CT36297 : FBan0006395 70 1e-12
CG9828 : FBan0009828 : CT27734 : FBan0009828 69 2e-12
CG4599 : FBan0004599 : CT14862 : FBan0004599 67 1e-11
CG8476 : FBan0008476 : CT24774 : FBan0008476 66 2e-11
CG11035 : FBan0011035 : CT9253 : FBan0011035 66 2e-11

---

analyse/DOC2.na_gadfly

CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 186 2e-47
CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 152 4e-37
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 145 4e-35
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 119 4e-27
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 95 9e-20
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 87 2e-17
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 85 8e-17
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 75 1e-13
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 70 3e-12
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 66 4e-11
CG7555 : FBan0007555 : CT23113 : FBan0007555 62 6e-10
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 57 2e-08
CG11621 : FBan0011621 : CT41611 : FBan0011621 53 4e-07
CG8608 : FBan0008608 : CT14550 : FBan0008608 51 2e-06

---

analyse/EEA1_human_-NP_003557.na_gadfly
Query: 1290 DERRALLERCLEGEGEIEKLQTKVLELQRKLDNTTA----
VQELGRENQSLQ----IKHT 1341
+A + R T ++ T
Sbjct: 1601 PAAKA*ARA--
RAPEATAG*SRPPARSGRGGREATTGAHPKTTRTGGTTATRARRAAPQT 1774

Query: 1342 QALNRKWAEDNEV 1354

Sbjct: 1775 ARRTGGTGSPKPC 1813

Score = 36.4 bits (82), Expect = 0.12
Identities = 7/172 (4%), Positives = 26/172 (15%), Gaps = 5/172 (2%)

Query: 152
FNIKQMKDLFEQKAAQLATEIADIKSKYDEERSLREAAEQKVTRLTEELNKEA
TVIQDLK 211
+ ++ ++
Sbjct: 1685 GREATTGAHPKTTRTG-----
GTTATRARRAAPQTARRTGGTGSPKPCQASG---*REAT 1840
---

analyse/HRS-2.na_gadfly

CG2903 : FBan0002903 : CT42396 : FBan0002903	423	e-118
CG3529 : FBan0003529 : CT11853 : FBan0003529	92	1e-18
CG6521 : FBan0006521 : CT20283 : FBan0006521	78	3e-14
CG9011 : FBan0009011 : CT25832 : FBan0009011	75	3e-13
CG6051 : FBan0006051 : CT18965 : FBan0006051	71	4e-12
CG5168 : FBan0005168 : CT16529 : FBan0005168	67	4e-11
CG14782 : FBan0014782 : CT34592 : FBan0014782	61	3e-09
CG4030 : FBan0004030 : CT13294 : FBan0004030	56	1e-07
CG6355 : FBan0006355 : CT19856 : FBan0006355	55	1e-07
CG5270 : FBan0005270 : CT16801 : FBan0005270	55	2e-07
CG15667 : FBan0015667 : CT35851 : FBan0015667	51	4e-06
CG6001 : FBan0006001 : CT18840 : FBan0006001	50	8e-06
CG3530 : FBan0003530 : CT41365 : FBan0003530	49	1e-05
CG12968 : FBan0012968 : CT32160 : FBan0012968	42	0.001

analyse/Munc13-1.na_gadfly

CG2999 : FBan0002999 : CT10103 : FBan0002999	1723	0.0
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518	84	6e-16
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622	68	7e-11
CG11819 : FBan0011819 : CT36931 : FBan0011819	60	1e-08
CG7125 : FBan0007125 : CT22025 : FBan0007125	55	4e-07
CG6939 : FBan0006939 : CT21495 : FBan0006939	54	6e-07
CG3208 : FBan0003208 : CT10763 : FBan0003208	54	8e-07
CG7555 : FBan0007555 : CT23113 : FBan0007555	51	6e-06
CG15078 : FBan0015078 : CT34953 : FBan0015078	50	1e-05
CG5875 : FBan0005875 : CT18423 : FBan0005875	50	2e-05
CG1954 : FBan0001954 : CT4834 : FBan0001954	50	2e-05
CG8608 : FBan0008608 : CT14550 : FBan0008608	49	2e-05
CG10524 : FBan0010524 : CT8675 : FBan0010524	49	3e-05
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643	48	6e-05

analyse/Munc13-2.na_gadfly

CG2999 : FBan0002999 : CT10103 : FBan0002999	1710	0.0
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518	87	2e-16
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622	73	2e-12
CG11819 : FBan0011819 : CT36931 : FBan0011819	60	2e-08
CG6939 : FBan0006939 : CT21495 : FBan0006939	56	3e-07
CG7125 : FBan0007125 : CT22025 : FBan0007125	55	5e-07
CG3208 : FBan0003208 : CT10763 : FBan0003208	54	1e-06
CG7555 : FBan0007555 : CT23113 : FBan0007555	53	2e-06
CG8608 : FBan0008608 : CT14550 : FBan0008608	53	2e-06
CG1954 : FBan0001954 : CT4834 : FBan0001954	52	5e-06
CG15078 : FBan0015078 : CT34953 : FBan0015078	52	6e-06
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321	51	1e-05
CG5875 : FBan0005875 : CT18423 : FBan0005875	50	2e-05
CG10524 : FBan0010524 : CT8675 : FBan0010524	49	4e-05

analyse/Munc13-3.na_gadfly

CG2999 : FBan0002999 : CT10103 : FBan0002999	1578	0.0
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518	84	8e-16
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622	64	1e-09
CG11819 : FBan0011819 : CT36931 : FBan0011819	57	2e-07
CG8608 : FBan0008608 : CT14550 : FBan0008608	55	4e-07
CG3208 : FBan0003208 : CT10763 : FBan0003208	54	8e-07
CG6939 : FBan0006939 : CT21495 : FBan0006939	54	1e-06
CG7125 : FBan0007125 : CT22025 : FBan0007125	53	1e-06
CG15078 : FBan0015078 : CT34953 : FBan0015078	53	2e-06
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556	52	3e-06
CG7555 : FBan0007555 : CT23113 : FBan0007555	52	3e-06
CG10524 : FBan0010524 : CT8675 : FBan0010524	52	5e-06
CG10261 : FBan0010261 : CT28827 : FBan0010261	51	9e-06
CG1954 : FBan0001954 : CT4834 : FBan0001954	50	2e-05

analyse/Munc13-4.na_gadfly

CG8608 : FBan0008608 : CT14550 : FBan0008608	380	e-105
CG11819 : FBan0011819 : CT36931 : FBan0011819	189	6e-48
CG2999 : FBan0002999 : CT10103 : FBan0002999	72	2e-12
CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139	59	2e-08
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381	58	3e-08
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020	52	3e-06
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343	46	9e-05
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556	43	0.001
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518	40	0.007
CG15078 : FBan0015078 : CT34953 : FBan0015078	38	0.033
CG6668 : FBan0006668 : CT20689 : FBan0006668	34	0.38
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622	34	0.49
CG7555 : FBan0007555 : CT23113 : FBan0007555	34	0.49
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559	34	0.65

analyse/NSF.na_gadfly

CG9931 : FBan0009931 : CT27876 : FBan0009931	855	0.0
CG1618 : FBan0001618 : CT41661 : FBan0001618	843	0.0
CG2331 : FBan0002331 : CT7768 : FBan0002331	176	4e-44
CG8571 : FBan0008571 : CT15413 : FBan0008571	165	1e-40
CG5776 : FBan0005776 : CT18120 : FBan0005776	150	3e-36
CG2241 : FBan0002241 : CT5882 : FBan0002241	149	5e-36
CG6760 : FBan0006760 : CT20911 : FBan0006760	147	2e-35
CG1489 : FBan0001489 : CT3729 : FBan0001489	147	2e-35
CG5289 : FBan0005289 : CT16771 : FBan0005289	146	6e-35
CG3455 : FBan0003455 : CT11623 : FBan0003455	145	1e-34
CG16916 : FBan0016916 : CT35131 : FBan0016916	141	1e-33
CG7257 : FBan0007257 : CT22391 : FBan0007257	136	4e-32
CG1341 : FBan0001341 : CT3016 : FBan0001341	134	2e-31
CG10370 : FBan0010370 : CT29122 : FBan0010370	132	7e-31

analyse/P71.na_gadfly

CG6159 : FBan0006159 : CT19340 : FBan0006159	565	e-161
CG12047 : FBan0012047 : CT3445 : FBan0012047	34	0.31
CG6057 : FBan0006057 : CT18959 : FBan0006057	34	0.41
CG13777 : FBan0013777 : CT33265 : FBan0013777	32	0.92
CG8609 : FBan0008609 : CT14556 : FBan0008609	31	2.1
CG15792 : FBan0015792 : CT9199 : FBan0015792	31	2.1
CG17100 : FBan0017100 : CT34464 : FBan0017100	31	2.7
CG3872 : FBan0003872 : CT12859 : FBan0003872	30	6.1
CG2309 : FBan0002309 : CT7705 : FBan0002309	30	6.1
CG10543 : FBan0010543 : CT29580 : FBan0010543	30	6.1
CG6129 : FBan0006129 : CT19231 : FBan0006129	30	6.1

>CG6159 : FBan0006159 : CT19340 : FBan0006159
Length = 2297
---

analyse/Rsec6.na_gadfly

CG5341 : FBan0005341 : CT16986 : FBan0005341	425	e-119
CG5931 : FBan0005931 : CT18611 : FBan0005931	34	0.43
CG17450 : FBan0017450 : CT34184 : FBan0017450	31	2.9
CG4767 : FBan0004767 : CT15347 : FBan0004767	31	2.9
CG11757 : FBan0011757 : CT35120 : FBan0011757	31	2.9
CG13162 : FBan0013162 : CT32403 : FBan0013162	31	2.9
CG16903 : FBan0016903 : CT37506 : FBan0016903	30	6.5
CG14183 : FBan0014183 : CT33792 : FBan0014183	30	6.5
CG4589 : FBan0004589 : CT14848 : FBan0004589	30	6.5
CG13634 : FBan0013634 : CT33028 : FBan0013634	29	8.5
CG18637 : FBan0018637 : CT42252 : FBan0018637	29	8.5
CG18076 : FBan0018076 : CT39520 : FBan0018076	29	8.5

>CG5341 : FBan0005341 : CT16986 : FBan0005341
---

analyse/Rsec8.na_gadfly

CG2095 : FBan0002095 : CT6770 : FBan0002095	496	e-140
CG12734 : FBan0012734 : CT2162 : FBan0012734	40	0.006
CG1597 : FBan0001597 : CT4233 : FBan0001597	34	0.57
CG7156 : FBan0007156 : CT22115 : FBan0007156	32	2.2
CG8590 : FBan0008590 : CT24639 : FBan0008590	32	2.2
CG6488 : FBan0006488 : CT20211 : FBan0006488	31	4.9
CG8902 : FBan0008902 : CT25510 : FBan0008902	30	6.5
CG18012 : FBan0018012 : CT39246 : FBan0018012	30	8.5
CG5514 : FBan0005514 : CT17470 : FBan0005514	30	8.5

>CG2095 : FBan0002095 : CT6770 : FBan0002095
Length = 2970

Score = 496 bits (1263), Expect = e-140
---

analyse/SCAMP.na_gadfly

CG9195 : FBan0009195 : CT26276 : FBan0009195	214	6e-56
CG15804 : FBan0015804 : CT24163 : FBan0015804	31	0.94
CG2559 : FBan0002559 : CT8649 : FBan0002559	30	2.1
CG8624 : FBan0008624 : CT15057 : FBan0008624	30	2.8
CG9527 : FBan0009527 : CT26956 : FBan0009527	29	3.6
CG9865 : FBan0009865 : CT27844 : FBan0009865	29	3.6
CG5300 : FBan0005300 : CT16873 : FBan0005300	29	4.8
CG3446 : FBan0003446 : CT11597 : FBan0003446	29	6.3
CG14355 : FBan0014355 : CT33990 : FBan0014355	28	8.2
CG10666 : FBan0010666 : CT29880 : FBan0010666	28	8.2

>CG9195 : FBan0009195 : CT26276 : FBan0009195
Length = 1447
---

analyse/SCAMP1.na_gadfly

CG9195 : FBan0009195 : CT26276 : FBan0009195	214	6e-56
CG15804 : FBan0015804 : CT24163 : FBan0015804	31	0.94
CG2559 : FBan0002559 : CT8649 : FBan0002559	30	2.1
CG8624 : FBan0008624 : CT15057 : FBan0008624	30	2.8
CG9527 : FBan0009527 : CT26956 : FBan0009527	29	3.6
CG9865 : FBan0009865 : CT27844 : FBan0009865	29	3.6
CG5300 : FBan0005300 : CT16873 : FBan0005300	29	4.8
CG3446 : FBan0003446 : CT11597 : FBan0003446	29	6.3
CG14355 : FBan0014355 : CT33990 : FBan0014355	28	8.2
CG10666 : FBan0010666 : CT29880 : FBan0010666	28	8.2

>CG9195 : FBan0009195 : CT26276 : FBan0009195
Length = 1447
---

analyse/SCAMP2.na_gadfly

CG9195 : FBan0009195 : CT26276 : FBan0009195	192	3e-49
CG5300 : FBan0005300 : CT16873 : FBan0005300	36	0.027
CG2252 : FBan0002252 : CT7506 : FBan0002252	34	0.18
CG12063 : FBan0012063 : CT4480 : FBan0012063	32	0.69
CG10019 : FBan0010019 : CT28215 : FBan0010019	29	3.5
CG9213 : FBan0009213 : CT26322 : FBan0009213	29	4.6
CG8127 : FBan0008127 : CT24290 : FBan0008127	29	4.6
CG3308 : FBan0003308 : CT11109 : FBan0003308	29	6.0
CG3953 : FBan0003953 : CT13136 : FBan0003953	28	7.9
CG9865 : FBan0009865 : CT27844 : FBan0009865	28	7.9

>CG9195 : FBan0009195 : CT26276 : FBan0009195
Length = 1447
---

analyse/SCAMP3.na_gadfly

CG9195 : FBan0009195 : CT26276 : FBan0009195	175	3e-44
CG2559 : FBan0002559 : CT8649 : FBan0002559	28	8.4

>CG9195 : FBan0009195 : CT26276 : FBan0009195
Length = 1447

Score = 175 bits (440), Expect = 3e-44
Identities = 109/311 (35%), Positives = 149/311 (47%), Gaps = 12/311 (3%)

Query: 17 LDNPFQDPAVQHRPSQQYA---
TLDVYNPFENREXXXXXXXXXXXXXXXXXXXXSVQS 73
LDNPF DPA+ Q R Q A +L+ YNPFE +
Sbjct: 147
LDNPFADPAIQQARRLQSGAALVSLEDYNPFEEQAKPQLQINSTNTAAVVQPL-
------ 305

Query: 74
SRKLSPTEPRNYGSYXXXXXXXXXXXXXXXXXXXELNRTAEELDRRERELQH
VALGGAGTR 133
---

analyse/SNAP-25.na_gadfly

CG9474 : FBan0009474 : CT26836 : FBan0009474	246	9e-66
CG17676 : FBan0017676 : CT39055 : FBan0017676	68	6e-12
CG11173 : FBan0011173 : CT31220 : FBan0011173	61	8e-10
CG1326 : FBan0001326 : CT2942 : FBan0001326	37	0.011
CG14084 : FBan0014084 : CT33673 : FBan0014084	35	0.032
CG4843 : FBan0004843 : CT15467 : FBan0004843	33	0.16
CG13774 : FBan0013774 : CT33262 : FBan0013774	32	0.28
CG17884 : FBan0017884 : CT39799 : FBan0017884	32	0.37
CG18076 : FBan0018076 : CT39520 : FBan0018076	32	0.37
CG18637 : FBan0018637 : CT42252 : FBan0018637	32	0.37
CG10915 : FBan0010915 : CT30561 : FBan0010915	31	0.48
CG5020 : FBan0005020 : CT15940 : FBan0005020	31	0.48
CG17177 : FBan0017177 : CT38112 : FBan0017177	31	0.82
CG6147 : FBan0006147 : CT19312 : FBan0006147	30	1.1

analyse/STAM.na_gadfly

CG6521 : FBan0006521 : CT20283 : FBan0006521	354	1e-97
CG3529 : FBan0003529 : CT11853 : FBan0003529	101	2e-21
CG2903 : FBan0002903 : CT42396 : FBan0002903	84	2e-16
CG10083 : FBan0010083 : CT28375 : FBan0010083	68	1e-11
CG15694 : FBan0015694 : CT35895 : FBan0015694	63	5e-10
CG6033 : FBan0006033 : CT18920 : FBan0006033	62	1e-09
CG3637 : FBan0003637 : CT12161 : FBan0003637	61	2e-09
CG8179 : FBan0008179 : CT20243 : FBan0008179	61	2e-09
CG1099 : FBan0001099 : CT1515 : FBan0001099	58	2e-08
CG11316 : FBan0011316 : CT31585 : FBan0011316	54	2e-07
CG10043 : FBan0010043 : CT28235 : FBan0010043	53	3e-07
CG9749 : FBan0009749 : CT27553 : FBan0009749	53	5e-07
CG2272 : FBan0002272 : CT7573 : FBan0002272	52	7e-07
CG1977 : FBan0001977 : CT41026 : FBan0001977	52	9e-07

analyse/SV2.na_gadfly

CG3168 : FBan0003168 : CT10637 : FBan0003168	188	1e-47
CG6529 : FBan0006529 : CT20303 : FBan0006529	107	2e-23
CG14691 : FBan0014691 : CT34477 : FBan0014691	102	6e-22
CG3690 : FBan0003690 : CT12383 : FBan0003690	97	3e-20
CG13655 : FBan0013655 : CT33071 : FBan0013655	96	8e-20
CG15221 : FBan0015221 : CT35158 : FBan0015221	87	5e-17
CG4324 : FBan0004324 : CT14064 : FBan0004324	83	7e-16
CG12036 : FBan0012036 : CT2472 : FBan0012036	71	3e-12
CG12783 : FBan0012783 : CT36841 : FBan0012783	62	2e-09
CG6331 : FBan0006331 : CT19810 : FBan0006331	59	1e-08
CG13610 : FBan0013610 : CT32995 : FBan0013610	58	2e-08
CG8925 : FBan0008925 : CT25634 : FBan0008925	55	1e-07
CG7458 : FBan0007458 : CT22947 : FBan0007458	54	3e-07
CG1208 : FBan0001208 : CT2170 : FBan0001208	53	6e-07

analyse/SV2C.na_gadfly

CG3168 : FBan0003168 : CT10637 : FBan0003168	228	8e-60
CG6529 : FBan0006529 : CT20303 : FBan0006529	132	9e-31
CG15221 : FBan0015221 : CT35158 : FBan0015221	109	6e-24
CG13655 : FBan0013655 : CT33071 : FBan0013655	107	2e-23
CG14691 : FBan0014691 : CT34477 : FBan0014691	107	3e-23
CG3690 : FBan0003690 : CT12383 : FBan0003690	106	5e-23
CG4324 : FBan0004324 : CT14064 : FBan0004324	98	3e-20
CG12036 : FBan0012036 : CT2472 : FBan0012036	87	4e-17
CG6331 : FBan0006331 : CT19810 : FBan0006331	75	1e-13
CG12783 : FBan0012783 : CT36841 : FBan0012783	70	4e-12
CG13610 : FBan0013610 : CT32995 : FBan0013610	63	7e-10
CG1213 : FBan0001213 : CT2180 : FBan0001213	62	9e-10
CG8654 : FBan0008654 : CT25029 : FBan0008654	62	1e-09
CG7458 : FBan0007458 : CT22947 : FBan0007458	61	3e-09

analyse/SV2RP.na_gadfly

CG4324 : FBan0004324 : CT14064 : FBan0004324 407 e-114
CG3168 : FBan0003168 : CT10637 : FBan0003168 146 2e-35
CG8654 : FBan0008654 : CT25029 : FBan0008654 119 5e-27
CG6331 : FBan0006331 : CT19810 : FBan0006331 114 1e-25
CG13610 : FBan0013610 : CT32995 : FBan0013610 111 1e-24
CG7458 : FBan0007458 : CT22947 : FBan0007458 102 6e-22
CG7442 : FBan0007442 : CT22915 : FBan0007442 99 6e-21
CG4630 : FBan0004630 : CT14968 : FBan0004630 98 1e-20
CG15221 : FBan0015221 : CT35158 : FBan0015221 96 4e-20
CG6126 : FBan0006126 : CT19169 : FBan0006126 87 4e-17
CG3790 : FBan0003790 : CT12673 : FBan0003790 85 8e-17
CG6600 : FBan0006600 : CT20540 : FBan0006600 81 2e-15
CG6006 : FBan0006006 : CT18835 : FBan0006006 75 1e-13
CG12036 : FBan0012036 : CT24272 : FBan0012036 73 3e-13

---

analyse/VAMP.na_gadfly

CG17248 : FBan0017248 : CT41002 : FBan0017248 113 5e-26
CG12210 : FBan0012210 : CT11143 : FBan0012210 109 6e-25
CG7359 : FBan0007359 : CT22657 : FBan0007359 36 0.009
CG17927 : FBan0017927 : CT39920 : FBan0017927 32 0.13
CG7765 : FBan0007765 : CT23616 : FBan0007765 28 1.9
CG14234 : FBan0014234 : CT33852 : FBan0014234 26 9.6
CG3456 : FBan0003456 : CT11643 : FBan0003456 26 9.6

>CG17248 : FBan0017248 : CT41002 : FBan0017248
Length = 1578

Score = 113 bits (279), Expect = 5e-26
Identities = 6/75 (8%), Positives = 14/75 (18%)

---

analyse/VAMP1.na_gadfly

CG17248 : FBan0017248 : CT41002 : FBan0017248 113 5e-26
CG12210 : FBan0012210 : CT11143 : FBan0012210 109 6e-25
CG7359 : FBan0007359 : CT22657 : FBan0007359 36 0.009
CG17927 : FBan0017927 : CT39920 : FBan0017927 32 0.13
CG7765 : FBan0007765 : CT23616 : FBan0007765 28 1.9
CG14234 : FBan0014234 : CT33852 : FBan0014234 26 9.6
CG3456 : FBan0003456 : CT11643 : FBan0003456 26 9.6

>CG17248 : FBan0017248 : CT41002 : FBan0017248
Length = 1578

Score = 113 bits (279), Expect = 5e-26
Identities = 6/75 (8%), Positives = 14/75 (18%)

---

analyse/VAMP1b.na_gadfly

CG17248 : FBan0017248 : CT41002 : FBan0017248 113 5e-26
CG12210 : FBan0012210 : CT11143 : FBan0012210 109 6e-25
CG1599 : FBan0001599 : CT4201 : FBan0001599 47 3e-06
CG7359 : FBan0007359 : CT22657 : FBan0007359 38 0.003
CG17927 : FBan0017927 : CT39920 : FBan0017927 32 0.12
CG7765 : FBan0007765 : CT23616 : FBan0007765 28 1.8
CG3456 : FBan0003456 : CT11643 : FBan0003456 26 9.1
CG14234 : FBan0014234 : CT33852 : FBan0014234 26 9.1

>CG17248 : FBan0017248 : CT41002 : FBan0017248
Length = 1578

Score = 113 bits (279), Expect = 5e-26
Identities = 55/73 (75%), Positives = 63/73 (85%)

---

analyse/VAMP2.na_gadfly

CG17248 : FBan0017248 : CT41002 : FBan0017248 114 2e-26
CG12210 : FBan0012210 : CT11143 : FBan0012210 107 2e-24
CG1599 : FBan0001599 : CT4201 : FBan0001599 45 1e-05
CG7359 : FBan0007359 : CT22657 : FBan0007359 37 0.004
CG14361 : FBan0014361 : CT33997 : FBan0014361 26 6.7

>CG17248 : FBan0017248 : CT41002 : FBan0017248
Length = 1578

Score = 114 bits (283), Expect = 2e-26
Identities = 56/71 (78%), Positives = 62/71 (86%)

Query: 26
LTSNRRLQQTQAQVDEVVDIMRVNVDKVLERDQKLSELDDRADALQAGASQ
FETSAAKLK 85
+ + +RLQQTQAQVDEVVDIMR NV+KVLERD KLSELDDRADALQ
GASQFE A KLK
---

analyse/VAMP3.na_gadfly

CG17248 : FBan0017248 : CT41002 : FBan0017248 107 2e-24
CG12210 : FBan0012210 : CT11143 : FBan0012210 104 2e-23
CG1599 : FBan0001599 : CT4201 : FBan0001599 45 1e-05
CG7359 : FBan0007359 : CT22657 : FBan0007359 38 0.002
CG11727 : FBan0011727 : CT36779 : FBan0011727 27 2.6
CG1815 : FBan0001815 : CT5476 : FBan0001815 27 4.5
CG6040 : FBan0006040 : CT18854 : FBan0006040 26 6.0
CG14361 : FBan0014361 : CT33997 : FBan0014361 26 6.0
CG3138 : FBan0003138 : CT10516 : FBan0003138 26 6.0
CG7736 : FBan0007736 : CT41649 : FBan0007736 26 7.8
CG5130 : FBan0005130 : CT16443 : FBan0005130 26 7.8

>CG17248 : FBan0017248 : CT41002 : FBan0017248
Length = 1578

---

analyse/VAMP4.na_gadfly

CG1599 : FBan0001599 : CT4201 : FBan0001599 63 1e-10
CG17248 : FBan0017248 : CT41002 : FBan0017248 62 1e-10
CG1515 : FBan0001515 : CT3893 : FBan0001515 44 4e-05
CG7773 : FBan0007773 : CT23624 : FBan0007773 27 7.8

>CG1599 : FBan0001599 : CT4201 : FBan0001599
Length = 941

Score = 62.8 bits (150), Expect = 1e-10
Identities = 28/62 (45%), Positives = 44/62 (70%)

Query: 51
DKIKHVQNQVDEVIDVMPENITKVIERGERLDELQDKSESLSDNATAFSNRSK
QLRRQMW 110
D I V Q+DE+ D+M +NI + +RGE+L+ L +K+E+LS+N+ AF S+ L RQM+
Sbjct: 654
DTISRVHGQIDELKDIMVKNIDSLRDRGEKLELLVNKTENLSNNSVAFRKASRN
LARQMF 833

---

analyse/VAMP5_myobrevin.na_gadfly

CG12210 : FBan0012210 : CT11143 : FBan0012210 53 6e-08
CG17248 : FBan0017248 : CT41002 : FBan0017248 50 5e-07
CG1599 : FBan0001599 : CT4201 : FBan0001599 45 1e-05
CG7359 : FBan0007359 : CT22657 : FBan0007359 35 0.019

>CG12210 : FBan0012210 : CT11143 : FBan0012210
Length = 521

Score = 53.1 bits (125), Expect = 6e-08
Identities = 28/67 (41%), Positives = 42/67 (61%)

Query: 5
ELERCQQQANEVTEIMRNNPGKVLERGVKLAELQQRSDQLLDMSSTFNKTTQ
NLAQKKCW 64
+L++ Q + +EV IMR N KVLER KL+EL +R+DQL +S F + L +K+ W
Sbjct: 201
KLQQTQAKVDEVVGIMRVNVEKVLERDQKLSELGERADQLEQGASQFEQQA
GKLKRKQWW 380

---

analyse/VAMP8_endobrevin.na_gadfly

CG1599 : FBan0001599 : CT4201 : FBan0001599 58 2e-09
CG12210 : FBan0012210 : CT11143 : FBan0012210 51 2e-07
CG17248 : FBan0017248 : CT41002 : FBan0017248 50 5e-07
CG11575 : FBan0011575 : CT35380 : FBan0011575 27 3.9
CG1451 : FBan0001451 : CT3529 : FBan0001451 26 6.8
CG12524 : FBan0012524 : CT33766 : FBan0012524 26 6.8
CG15792 : FBan0015792 : CT9199 : FBan0015792 25 8.9

>CG1599 : FBan0001599 : CT4201 : FBan0001599
Length = 941

Score = 57.8 bits (137), Expect = 2e-09
Identities = 24/66 (36%), Positives = 44/66 (66%)

---

analyse/VAP-33.na_gadfly

CG5014 : FBan0005014 : CT16060 : FBan0005014 143 1e-34
CG7919 : FBan0007919 : CT23926 : FBan0007919 95 5e-20
CG10977 : FBan0010977 : CT30763 : FBan0010977 60 1e-09
CG14965 : FBan0014965 : CT34811 : FBan0014965 38 0.006
CG10500 : FBan0010500 : CT29476 : FBan0010500 36 0.031
CG6686 : FBan0006686 : CT20738 : FBan0006686 29 2.3
CG11206 : FBan0011206 : CT31278 : FBan0011206 29 2.3
CG12114 : FBan0012114 : CT6766 : FBan0012114 29 4.0
CG5526 : FBan0005526 : CT17220 : FBan0005526 27 9.0

>CG5014 : FBan0005014 : CT16060 : FBan0005014
Length = 1365

Score = 143 bits (357), Expect = 1e-34

---

analyse/a-SNAP.na_gadfly

CG6625 : FBan0006625 : CT20594 : FBan0006625 349 1e-96
CG8777 : FBan0008777 : CT25306 : FBan0008777 30 2.3
CG6045 : FBan0006045 : CT18886 : FBan0006045 29 3.9
CG3791 : FBan0003791 : CT12681 : FBan0003791 29 5.1
CG10689 : FBan0010689 : CT29950 : FBan0010689 29 5.1
CG5242 : FBan0005242 : CT16753 : FBan0005242 28 6.7
CG15694 : FBan0015694 : CT35895 : FBan0015694 28 6.7

>CG6625 : FBan0006625 : CT20594 : FBan0006625
Length = 2045

Score = 349 bits (886), Expect = 1e-96
Identities = 169/259 (65%), Positives = 211/259 (82%)

---

analyse/agrin.na_gadfly
>CG4823 : FBan0004823 : CT15397 : FBan0004823
Length = 2516

Score = 42.6 bits (98), Expect = 0.002
Identities = 102/364 (28%), Positives = 145/364 (39%), Gaps = 67/364 (18%)

Query: 148 CSPGSTCVPSADGQTASC--LCPTTCPGAPDGTVC----------
GSDGVDYPSE 190
C + C +D T+C LC+ F +G C GSD+ E
Sbjct: 387
CDRENDCADGSDESTSQCRGLCSSLMFMCKNGEQCIHREFMCDGDQDCRDGS
DEL----E 554

Query: 191 CQLLSHACASQEHIFKKFNGPCDPCQQGSMSDLNHICR-------
VNPRTRHPEMLLRPEN 243
C SHC+ +E K GCP MDN CR N R E
Sbjct: 555 CGR-SHTCSPEEFACKSGEGECIPLSW-
MCDQNKDCRDGSDEAQCNRTCRSDEFTCGNGR 728

Query: 244 CPAQHTPICGD-----DGVTYEN-----DCVMSRIGATRGLLL--QKVRSG-
-QCQTRDQ 289

---

analyse/alpha_adaptin_A.na_gadfly

CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260 1229 0.0
CG9113 : FBan0009113 : CT26074 : FBan0009113 237 3e-62
CG10986 : FBan0010986 : CT30781 : FBan0010986 139 6e-33
CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 75 2e-13
CG4217 : FBan0004217 : CT13868 : FBan0004217 31 5.0
CG8250 : FBan0008250 : CT24459 : FBan0008250 31 5.0
CG8014 : FBan0008014 : CT8028 : FBan0008014 30 8.5

>CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260
Length = 3836

Score = 1229 bits (3146), Expect = 0.0
Identities = 639/972 (65%), Positives = 735/972 (74%), Gaps = 6/972 (0%)

---

analyse/alpha_adaptin_C.na_gadfly

CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260 1285 0.0
CG9113 : FBan0009113 : CT26074 : FBan0009113 231 1e-60
CG10986 : FBan0010986 : CT30781 : FBan0010986 158 2e-38
CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 82 1e-15
CG1915 : FBan0001915 : CT5932 : FBan0001915 31 3.6
CG6890 : FBan0006890 : CT21344 : FBan0006890 30 8.2

>CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260
Length = 3836

Score = 1285 bits (3290), Expect = 0.0
Identities = 643/933 (68%), Positives = 751/933 (79%), Gaps = 3/933 (0%)

Query: 6
KGEGVMRGLAVFISDIRNCKSKEAEIKRINKELANIRSKFKGDKALDGYSKKKY
VCKLLH 65

---

analyse/amphiphysin.na_gadfly

CG8604 : FBan0008604 : CT25009 : FBan0008604 198 7e-51
CG2272 : FBan0002272 : CT7573 : FBan0002272 50 6e-06
CG6521 : FBan0006521 : CT20283 : FBan0006521 39 0.012
CG8282 : FBan0008282 : CT24499 : FBan0008282 36 0.059
CG11316 : FBan0011316 : CT31585 : FBan0011316 35 0.13
CG15694 : FBan0015694 : CT35895 : FBan0015694 35 0.17
CG17927 : FBan0017927 : CT39920 : FBan0017927 34 0.39
CG5020 : FBan0005020 : CT15940 : FBan0005020 33 0.51
CG1326 : FBan0001326 : CT2942 : FBan0001326 32 0.87
CG10043 : FBan0010043 : CT28235 : FBan0010043 32 0.87
CG3849 : FBan0003849 : CT12865 : FBan0003849 32 1.1
CG1212 : FBan0001212 : CT42517 : FBan0001212 31 2.0
CG12241 : FBan0012241 : CT13892 : FBan0012241 31 2.0
CG5939 : FBan0005939 : CT18593 : FBan0005939 31 2.0

---

analyse/amphiphysin_I.na_gadfly

CG8604 : FBan0008604 : CT25009 : FBan0008604 199 5e-51
CG2272 : FBan0002272 : CT7573 : FBan0002272 51 2e-06
CG12781 : FBan0012781 : CT36793 : FBan0012781 47 3e-05
CG6521 : FBan0006521 : CT20283 : FBan0006521 42 0.001
CG6599 : FBan0006599 : CT20534 : FBan0006599 40 0.004
CG10014 : FBan0010014 : CT28209 : FBan0010014 39 0.006
CG13648 : FBan0013648 : CT33044 : FBan0013648 38 0.015
CG13388 : FBan0013388 : CT32734 : FBan0013388 38 0.025
CG7434 : FBan0007434 : CT22861 : FBan0007434 37 0.033
CG6296 : FBan0006296 : CT19710 : FBan0006296 37 0.033
CG9850 : FBan0009850 : CT27800 : FBan0009850 37 0.033
CG8282 : FBan0008282 : CT24499 : FBan0008282 36 0.056
CG3637 : FBan0003637 : CT12161 : FBan0003637 36 0.073
CG5965 : FBan0005965 : CT18729 : FBan0005965 36 0.073

---

analyse/amphiphysin_II.na_gadfly

CG8604 : FBan0008604 : CT25009 : FBan0008604 236 4e-62
CG4898 : FBan0004898 : CT15051 : FBan0004898 40 0.003
CG3451 : FBan0003451 : CT7898 : FBan0003451 40 0.004
CG1099 : FBan0001099 : CT1515 : FBan0001099 39 0.010
CG9749 : FBan0009749 : CT27553 : FBan0009749 38 0.017
CG1264 : FBan0001264 : CT2577 : FBan0001264 38 0.022
CG12781 : FBan0012781 : CT36793 : FBan0012781 37 0.029
CG7709 : FBan0007709 : CT21049 : FBan0007709 37 0.039
CG1648 : FBan0001648 : CT4368 : FBan0001648 37 0.039
CG4316 : FBan0004316 : CT14127 : FBan0004316 36 0.051
CG15021 : FBan0015021 : CT34875 : FBan0015021 36 0.087
CG15694 : FBan0015694 : CT35895 : FBan0015694 35 0.11
CG2272 : FBan0002272 : CT7573 : FBan0002272 35 0.11
CG6181 : FBan0006181 : CT8573 : FBan0006181 35 0.11

---

analyse/amphiphysin_IIb.na_gadfly

CG8604 : FBan0008604 : CT25009 : FBan0008604 192 3e-49
CG4898 : FBan0004898 : CT15051 : FBan0004898 41 0.002
CG3451 : FBan0003451 : CT7898 : FBan0003451 40 0.004
CG7875 : FBan0007875 : CT7074 : FBan0007875 39 0.005
CG5462 : FBan0005462 : CT17324 : FBan0005462 39 0.007
CG8181 : FBan0008181 : CT8573 : FBan0008181 39 0.009
CG1099 : FBan0001099 : CT1515 : FBan0001099 39 0.009
CG9749 : FBan0009749 : CT27553 : FBan0009749 38 0.015
CG7649 : FBan0007649 : CT23341 : FBan0007649 38 0.019
CG1264 : FBan0001264 : CT2577 : FBan0001264 38 0.019
CG15021 : FBan0015021 : CT34875 : FBan0015021 36 0.044
CG3637 : FBan0003637 : CT12161 : FBan0003637 36 0.044
CG15547 : FBan0015547 : CT35663 : FBan0015547 36 0.075

CG15694 : FBan0015694 : CT35895 : FBan0015694 36 0.075

analyse/amphiphysin_IIc1.na_gadfly

CG8604 : FBan0008604 : CT25009 : FBan0008604 198 5e-51
CG1133 : FBan0001133 : CT1819 : FBan0001133 50 4e-06
CG15021 : FBan0015021 : CT34875 : FBan0015021 45 1e-04
CG14421 : FBan0014421 : CT34078 : FBan0014421 45 1e-04
CG11300 : FBan0011300 : CT31533 : FBan0011300 43 4e-04
CG2668 : FBan0002668 : CT9039 : FBan0002668 43 6e-04
CG15694 : FBan0015694 : CT35895 : FBan0015694 42 7e-04
CG7709 : FBan0007709 : CT21049 : FBan0007709 42 7e-04
CG3630 : FBan0003630 : CT12189 : FBan0003630 42 0.001
CG8192 : FBan0008192 : CT21927 : FBan0008192 42 0.001
CG3637 : FBan0003637 : CT12161 : FBan0003637 41 0.002
CG4898 : FBan0004898 : CT15051 : FBan0004898 41 0.002
CG3451 : FBan0003451 : CT7898 : FBan0003451 40 0.004
CG1652 : FBan0001652 : CT4372 : FBan0001652 39 0.005

analyse/amphiphysin_IIc2.na_gadfly

CG8604 : FBan0008604 : CT25009 : FBan0008604 190 2e-48
CG1133 : FBan0001133 : CT1819 : FBan0001133 50 4e-06
CG15021 : FBan0015021 : CT34875 : FBan0015021 45 1e-04
CG14421 : FBan0014421 : CT34078 : FBan0014421 45 1e-04
CG11300 : FBan0011300 : CT31533 : FBan0011300 43 4e-04
CG2668 : FBan0002668 : CT9039 : FBan0002668 43 5e-04
CG7709 : FBan0007709 : CT21049 : FBan0007709 42 7e-04
CG8192 : FBan0008192 : CT21927 : FBan0008192 42 0.001
CG3630 : FBan0003630 : CT12189 : FBan0003630 42 0.001
CG3637 : FBan0003637 : CT12161 : FBan0003637 41 0.002
CG15694 : FBan0015694 : CT35895 : FBan0015694 41 0.002
CG4898 : FBan0004898 : CT15051 : FBan0004898 41 0.002
CG3451 : FBan0003451 : CT7898 : FBan0003451 40 0.003
CG10284 : FBan0010284 : CT28889 : FBan0010284 39 0.005

analyse/amphiphysin_IId.na_gadfly

CG8604 : FBan0008604 : CT25009 : FBan0008604 208 9e-54
CG4898 : FBan0004898 : CT15051 : FBan0004898 47 3e-05
CG15780 : FBan0015780 : CT36044 : FBan0015780 43 6e-04
CG7875 : FBan0007875 : CT7074 : FBan0007875 42 0.001
CG15021 : FBan0015021 : CT34875 : FBan0015021 41 0.002
CG7709 : FBan0007709 : CT21049 : FBan0007709 41 0.002
CG11835 : FBan0011835 : CT33127 : FBan0011835 41 0.002
CG3451 : FBan0003451 : CT7898 : FBan0003451 40 0.004
CG1099 : FBan0001099 : CT1515 : FBan0001099 39 0.009
CG4795 : FBan0004795 : CT40330 : FBan0004795 39 0.009
CG7360 : FBan0007360 : CT22675 : FBan0007360 39 0.009
CG7055 : FBan0007055 : CT21811 : FBan0007055 38 0.012
CG9749 : FBan0009749 : CT27553 : FBan0009749 38 0.016
CG1264 : FBan0001264 : CT2577 : FBan0001264 38 0.021

analyse/arf-1.na_gadfly

CG6025 : FBan0006025 : CT18906 : FBan0006025 273 4e-74
CG8385 : FBan0008385 : CT24565 : FBan0008385 210 6e-55
CG8156 : FBan0008156 : CT21197 : FBan0008156 200 4e-52
CG11027 : FBan0011027 : CT30867 : FBan0011027 200 4e-52
CG7197 : FBan0007197 : CT22219 : FBan0007197 171 3e-43
CG6560 : FBan0006560 : CT20357 : FBan0006560 154 4e-38
CG7435 : FBan0007435 : CT22853 : FBan0007435 145 2e-35
CG2219 : FBan0002219 : CT7292 : FBan0002219 111 4e-25
CG7891 : FBan0007891 : CT23867 : FBan0007891 110 7e-25
CG7735 : FBan0007735 : CT23523 : FBan0007735 108 3e-24
CG7073 : FBan0007073 : CT21873 : FBan0007073 104 5e-23
CG7039 : FBan0007039 : CT21767 : FBan0007039 102 1e-22
CG17819 : FBan0017819 : CT39518 : FBan0017819 90 6e-19
CG3320 : FBan0003320 : CT1153 : FBan0003320 58 3e-09

analyse/arf-2.na_gadfly

CG7435 : FBan0007435 : CT22853 : FBan0007435 291 2e-79
CG6560 : FBan0006560 : CT20357 : FBan0006560 172 1e-43
CG11027 : FBan0011027 : CT30867 : FBan0011027 171 2e-43
CG8385 : FBan0008385 : CT24565 : FBan0008385 169 8e-43
CG8156 : FBan0008156 : CT21197 : FBan0008156 157 3e-39
CG7197 : FBan0007197 : CT22219 : FBan0007197 157 6e-39
CG6025 : FBan0006025 : CT18906 : FBan0006025 155 2e-38
CG7039 : FBan0007039 : CT21767 : FBan0007039 121 4e-28
CG7891 : FBan0007891 : CT23867 : FBan0007891 106 1e-23
CG2219 : FBan0002219 : CT7292 : FBan0002219 102 2e-23
CG7735 : FBan0007735 : CT23523 : FBan0007735 100 8e-22
CG17819 : FBan0017819 : CT39518 : FBan0017819 90 1e-20
CG7073 : FBan0007073 : CT21873 : FBan0007073 93 1e-19
CG11356 : FBan0011356 : CT31678 : FBan0011356 54 5e-08

analyse/arf-3.na_gadfly

CG6560 : FBan0006560 : CT20357 : FBan0006560 212 1e-55
CG7435 : FBan0007435 : CT22853 : FBan0007435 159 1e-39
CG8385 : FBan0008385 : CT24565 : FBan0008385 148 3e-36
CG7197 : FBan0007197 : CT22219 : FBan0007197 143 6e-35
CG6025 : FBan0006025 : CT18906 : FBan0006025 143 7e-35
CG11027 : FBan0011027 : CT30867 : FBan0011027 140 6e-34
CG8156 : FBan0008156 : CT21197 : FBan0008156 138 2e-33
CG2219 : FBan0002219 : CT7292 : FBan0002219 100 3e-24
CG17819 : FBan0017819 : CT39518 : FBan0017819 105 2e-23
CG7735 : FBan0007735 : CT23523 : FBan0007735 103 7e-23
CG7039 : FBan0007039 : CT21767 : FBan0007039 101 4e-22
CG7891 : FBan0007891 : CT23867 : FBan0007891 92 3e-19
CG7073 : FBan0007073 : CT21873 : FBan0007073 84 6e-17
CG4921 : FBan0004921 : CT15786 : FBan0004921 52 3e-07

analyse/arf-4.na_gadfly

CG11027 : FBan0011027 : CT30867 : FBan0011027 315 1e-86
CG8385 : FBan0008385 : CT24565 : FBan0008385 305 9e-84
CG8156 : FBan0008156 : CT21197 : FBan0008156 243 4e-65
CG6025 : FBan0006025 : CT18906 : FBan0006025 201 2e-52
CG7197 : FBan0007197 : CT22219 : FBan0007197 178 3e-45
CG6560 : FBan0006560 : CT20357 : FBan0006560 158 2e-39
CG7435 : FBan0007435 : CT22853 : FBan0007435 151 3e-37
CG2219 : FBan0002219 : CT7292 : FBan0002219 135 1e-36
CG7039 : FBan0007039 : CT21767 : FBan0007039 112 1e-25
CG7891 : FBan0007891 : CT23867 : FBan0007891 101 3e-22
CG7735 : FBan0007735 : CT23523 : FBan0007735 98 5e-21
CG7073 : FBan0007073 : CT21873 : FBan0007073 96 2e-20
CG17819 : FBan0017819 : CT39518 : FBan0017819 95 3e-20
CG14791 : FBan0014791 : CT42172 : FBan0014791 55 3e-08

analyse/arf-5.na_gadfly

CG7197 : FBan0007197 : CT22219 : FBan0007197 285 2e-77
CG8385 : FBan0008385 : CT24565 : FBan0008385 188 2e-48
CG11027 : FBan0011027 : CT30867 : FBan0011027 173 7e-44
CG8156 : FBan0008156 : CT21197 : FBan0008156 169 1e-42
CG6025 : FBan0006025 : CT18906 : FBan0006025 168 2e-42
CG6560 : FBan0006560 : CT20357 : FBan0006560 138 2e-33
CG7435 : FBan0007435 : CT22853 : FBan0007435 134 3e-32
CG2219 : FBan0002219 : CT7292 : FBan0002219 102 4e-26
CG7039 : FBan0007039 : CT21767 : FBan0007039 104 3e-23
CG7735 : FBan0007735 : CT23523 : FBan0007735 104 4e-23
CG17819 : FBan0017819 : CT39518 : FBan0017819 92 2e-19
CG7891 : FBan0007891 : CT23867 : FBan0007891 86 2e-17
CG7073 : FBan0007073 : CT21873 : FBan0007073 84 5e-17
CG9575 : FBan0009575 : CT17720 : FBan0009575 51 4e-07

analyse/arf-6.na_gadfly

CG8156 : FBan0008156 : CT21197 : FBan0008156 351 2e-97
CG8385 : FBan0008385 : CT24565 : FBan0008385 264 2e-71
CG11027 : FBan0011027 : CT30867 : FBan0011027 251 2e-67
CG6025 : FBan0006025 : CT18906 : FBan0006025 189 1e-48
CG7197 : FBan0007197 : CT22219 : FBan0007197 177 4e-45
CG6560 : FBan0006560 : CT20357 : FBan0006560 162 1e-40
CG2219 : FBan0002219 : CT7292 : FBan0002219 136 5e-38
CG7435 : FBan0007435 : CT22853 : FBan0007435 145 2e-35
CG7891 : FBan0007891 : CT23867 : FBan0007891 122 2e-28
CG7039 : FBan0007039 : CT21767 : FBan0007039 111 4e-25
CG7735 : FBan0007735 : CT23523 : FBan0007735 104 5e-23
CG7073 : FBan0007073 : CT21873 : FBan0007073 95 2e-20
CG17819 : FBan0017819 : CT39518 : FBan0017819 89 2e-18
CG9575 : FBan0009575 : CT17720 : FBan0009575 61 7e-10

analyse/auxilin.na_gadfly

CG1107 : FBan0001107 : CT40880 : FBan0001107 214 2e-55
CG5671 : FBan0005671 : CT40892 : FBan0005671 96 9e-20
CG6395 : FBan0006395 : CT36297 : FBan0006395 39 0.012
CG5001 : FBan0005001 : CT15884 : FBan0005001 37 0.047
CG4599 : FBan0004599 : CT14862 : FBan0004599 35 0.18
CG8448 : FBan0008448 : CT37123 : FBan0008448 34 0.31
CG10578 : FBan0010578 : CT29670 : FBan0010578 34 0.31
CG8863 : FBan0008863 : CT36737 : FBan0008863 33 0.92
CG8531 : FBan0008531 : CT24915 : FBan0008531 32 1.2
CG4164 : FBan0004164 : CT13772 : FBan0004164 32 1.6
CG12722 : FBan0012722 : CT35976 : FBan0012722 31 2.7
CG3061 : FBan0003061 : CT10290 : FBan0003061 31 2.7
CG7207 : FBan0007207 : CT22237 : FBan0007207 31 2.7
CG10375 : FBan0010375 : CT29144 : FBan0010375 31 4.7

analyse/b-SNAP.na_gadfly

CG6625 : FBan0006625 : CT20594 : FBan0006625 365 e-101
CG7765 : FBan0007765 : CT23616 : FBan0007765 30 2.3
CG7457 : FBan0007457 : CT13960 : FBan0007457 29 3.9
CG2009 : FBan0002009 : CT6427 : FBan0002009 29 5.1
CG7383 : FBan0007383 : CT22725 : FBan0007383 28 6.7

>CG6625 : FBan0006625 : CT20594 : FBan0006625
Length = 2045

Score = 365 bits (927), Expect = e-101
Identities = 174/290 (60%), Positives = 224/290 (77%)

Query: 1
MDNAGKERERAVQLMAEAEKRVKASHSFLRGLFGGNTRIEEACEMYTRAANM
FKMAKNWSA 60
+D B++A+QLMAEAEK++ FL LFGG+ ++E+A E Y RA
NMFKM+KNW+

analyse/beta_adaptin.na_gadfly

CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 1273 0.0
CG11427 : FBan0011427 : CT9509 : FBan0011427 240 3e-63
CG10986 : FBan0010986 : CT30781 : FBan0010986 87 6e-17
CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260 79 1e-14
CG6223 : FBan0006223 : CT19258 : FBan0006223 77 5e-14
CG9113 : FBan0009113 : CT26074 : FBan0009113 67 6e-11
CG11197 : FBan0011197 : CT27980 : FBan0011197 38 0.037
CG5155 : FBan0005155 : CT16511 : FBan0005155 32 1.6
CG11819 : FBan0011819 : CT36931 : FBan0011819 31 2.8
CG17291 : FBan0017291 : CT32725 : FBan0017291 31 2.8
CG7100 : FBan0007100 : CT21941 : FBan0007100 31 4.8
CG4589 : FBan0004589 : CT14848 : FBan0004589 31 4.8
CG3723 : FBan0003723 : CT12407 : FBan0003723 30 8.3
CG1059 : FBan0001059 : CT1191 : FBan0001059 30 8.3

analyse/beta_adaptin_na_gadfly

CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 1266 0.0
CG11427 : FBan0011427 : CT9509 : FBan0011427 169 9e-42
CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260 88 3e-17
CG10986 : FBan0010986 : CT30781 : FBan0010986 83 5e-16
CG6223 : FBan0006223 : CT19258 : FBan0006223 73 6e-13
CG9113 : FBan0009113 : CT26074 : FBan0009113 69 1e-11
CG11197 : FBan0011197 : CT27980 : FBan0011197 42 0.002
CG1059 : FBan0001059 : CT1191 : FBan0001059 33 0.94
CG3941 : FBan0003941 : CT41031 : FBan0003941 31 4.8
CG17291 : FBan0017291 : CT32725 : FBan0017291 31 4.8
CG2069 : FBan0002069 : CT6702 : FBan0002069 31 4.8
CG5370 : FBan0005370 : CT17064 : FBan0005370 30 8.2
CG6582 : FBan0006582 : CT20430 : FBan0006582 30 8.2
CG7839 : FBan0007839 : CT23793 : FBan0007839 30 8.2

analyse/beta_adaptin_2.na_gadfly

CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 1273 0.0
CG11427 : FBan0011427 : CT9509 : FBan0011427 240 3e-63
CG10986 : FBan0010986 : CT30781 : FBan0010986 87 6e-17
CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260 79 1e-14
CG6223 : FBan0006223 : CT19258 : FBan0006223 77 5e-14
CG9113 : FBan0009113 : CT26074 : FBan0009113 67 6e-11
CG11197 : FBan0011197 : CT27980 : FBan0011197 38 0.037
CG5155 : FBan0005155 : CT16511 : FBan0005155 32 1.6
CG11819 : FBan0011819 : CT36931 : FBan0011819 31 2.8
CG17291 : FBan0017291 : CT32725 : FBan0017291 31 2.8
CG7100 : FBan0007100 : CT21941 : FBan0007100 31 4.8
CG4589 : FBan0004589 : CT14848 : FBan0004589 31 4.8
CG3723 : FBan0003723 : CT12407 : FBan0003723 30 8.3
CG1059 : FBan0001059 : CT1191 : FBan0001059 30 8.3

analyse/calcineurin_2Balpha.na_gadfly

CG9819 : FBan0009819 : CT27722 : FBan0009819 823 0.0
CG9842 : FBan0009842 : CT27780 : FBan0009842 820 0.0
CG1455 : FBan0001455 : CT3539 : FBan0001455 765 0.0
CG10138 : FBan0010138 : CT10817 : FBan0010138 231 8e-61
CG9156 : FBan0009156 : CT26196 : FBan0009156 225 5e-59
CG6593 : FBan0006593 : CT20458 : FBan0006593 224 1e-58
CG2096 : FBan0002096 : CT6778 : FBan0002096 223 2e-58
CG5650 : FBan0005650 : CT17842 : FBan0005650 222 4e-58
CG1596 : FBan0001596 : CT3517 : FBan0001596 220 2e-57
CG7109 : FBan0007109 : CT21977 : FBan0007109 219 3e-57
CG12217 : FBan0012217 : CT11529 : FBan0012217 216 2e-56
CG8822 : FBan0008822 : CT25390 : FBan0008822 216 3e-56
CG8402 : FBan0008402 : CT24679 : FBan0008402 214 9e-56
CG11597 : FBan0011597 : CT36560 : FBan0011597 209 4e-54

analyse/calcineurin_2Bbeta.na_gadfly

CG9842 : FBan0009842 : CT27780 : FBan0009842 798 0.0
CG9819 : FBan0009819 : CT27722 : FBan0009819 797 0.0
CG1455 : FBan0001455 : CT3539 : FBan0001455 755 0.0
CG10138 : FBan0010138 : CT10817 : FBan0010138 226 3e-59
CG9156 : FBan0009156 : CT26196 : FBan0009156 222 5e-58
CG1596 : FBan0001596 : CT3517 : FBan0001596 220 2e-57
CG7109 : FBan0007109 : CT21977 : FBan0007109 219 3e-57
CG2096 : FBan0002096 : CT6778 : FBan0002096 219 5e-57
CG6593 : FBan0006593 : CT20458 : FBan0006593 218 6e-57
CG5650 : FBan0005650 : CT17842 : FBan0005650 218 6e-57
CG12217 : FBan0012217 : CT11529 : FBan0012217 213 2e-55
CG8402 : FBan0008402 : CT24679 : FBan0008402 213 2e-55
CG11597 : FBan0011597 : CT36560 : FBan0011597 208 5e-54
CG8822 : FBan0008822 : CT25390 : FBan0008822 208 9e-54

analyse/calcineurin_Aalpha.na_gadfly

CG9819 : FBan0009819 : CT27722 : FBan0009819 823 0.0
CG9842 : FBan0009842 : CT27780 : FBan0009842 820 0.0
CG1455 : FBan0001455 : CT3539 : FBan0001455 765 0.0
CG10138 : FBan0010138 : CT10817 : FBan0010138 231 8e-61
CG9156 : FBan0009156 : CT26196 : FBan0009156 225 5e-59
CG6593 : FBan0006593 : CT20458 : FBan0006593 224 1e-58
CG2096 : FBan0002096 : CT6778 : FBan0002096 223 2e-58
CG5650 : FBan0005650 : CT17842 : FBan0005650 222 4e-58
CG1596 : FBan0001596 : CT3517 : FBan0001596 220 2e-57
CG7109 : FBan0007109 : CT21977 : FBan0007109 219 3e-57
CG12217 : FBan0012217 : CT11529 : FBan0012217 216 2e-56
CG8822 : FBan0008822 : CT25390 : FBan0008822 216 3e-56
CG8402 : FBan0008402 : CT24679 : FBan0008402 214 9e-56
CG11597 : FBan0011597 : CT36560 : FBan0011597 209 4e-54

analyse/calcineurin_Abeta.na_gadfly

CG9842 : FBan0009842 : CT27780 : FBan0009842 798 0.0
CG9819 : FBan0009819 : CT27722 : FBan0009819 797 0.0
CG1455 : FBan0001455 : CT3539 : FBan0001455 755 0.0
CG10138 : FBan0010138 : CT10817 : FBan0010138 226 3e-59
CG9156 : FBan0009156 : CT26196 : FBan0009156 222 5e-58
CG1596 : FBan0001596 : CT3517 : FBan0001596 220 2e-57
CG7109 : FBan0007109 : CT21977 : FBan0007109 219 3e-57
CG2096 : FBan0002096 : CT6778 : FBan0002096 219 5e-57
CG6593 : FBan0006593 : CT20458 : FBan0006593 218 6e-57
CG5650 : FBan0005650 : CT17842 : FBan0005650 218 6e-57
CG12217 : FBan0012217 : CT11529 : FBan0012217 213 2e-55
CG8402 : FBan0008402 : CT24679 : FBan0008402 213 2e-55
CG11597 : FBan0011597 : CT36560 : FBan0011597 208 5e-54
CG8822 : FBan0008822 : CT25390 : FBan0008822 208 9e-54

analyse/calcineurin_B.na_gadfly

CG11217 : FBan0011217 : CT31322 : FBan0011217 303 8e-83
CG4209 : FBan0004209 : CT13882 : FBan0004209 301 3e-82

(6)

CG2185 : FBan0002185 : CT7158 : FBan0002185 127 8e-30
CG9236 : FBan0009236 : CT26386 : FBan0009236 96 2e-20
CG8472 : FBan0008472 : CT41685 : FBan0008472 90 1e-18
CG7641 : FBan0007641 : CT23307 : FBan0007641 81 7e-16
CG3896 : FBan0003896 : CT12657 : FBan0003896 78 6e-15
CG5744 : FBan0005744 : CT42314 : FBan0005744 78 6e-15
CG9073 : FBan0009073 : CT26048 : FBan0009073 77 1e-14
CG5907 : FBan0005907 : CT18333 : FBan0005907 76 2e-14
CG10022 : FBan0010022 : CT28219 : FBan0010022 75 5e-14
CG17769 : FBan0017769 : CT39380 : FBan0017769 73 2e-13
CG7930 : FBan0007930 : CT23822 : FBan0007930 73 2e-13
CG11638 : FBan0011638 : CT36619 : FBan0011638 72 3e-13

---

analyse/cdk5.na_gadfly

CG8203 : FBan0008203 : CT21909 : FBan0008203 480 e-136
CG5363 : FBan0005363 : CT17042 : FBan0005363 342 2e-94
CG10579 : FBan0010579 : CT1695 : FBan0010579 312 2e-85
CG10498 : FBan0010498 : CT29424 : FBan0010498 303 1e-82
CG3319 : FBan0003319 : CT11155 : FBan0003319 250 1e-66
CG1362 : FBan0001362 : CT3088 : FBan0001362 242 3e-64
CG4268 : FBan0004268 : CT13850 : FBan0004268 235 3e-62
CG7597 : FBan0007597 : CT23101 : FBan0007597 228 5e-60
CG5179 : FBan0005179 : CT16479 : FBan0005179 221 4e-58
CG5072 : FBan0005072 : CT15896 : FBan0005072 214 6e-56
CG7236 : FBan0007236 : CT22313 : FBan0007236 203 9e-53
CG4588 : FBan0004588 : CT14854 : FBan0004588 192 2e-49
CG6800 : FBan0006800 : CT21089 : FBan0006800 190 7e-49
CG10572 : FBan0010572 : CT29648 : FBan0010572 187 8e-48

---

analyse/cdk5_catalytic_su.na_gadfly

CG8203 : FBan0008203 : CT21909 : FBan0008203 477 e-135
CG5363 : FBan0005363 : CT17042 : FBan0005363 340 6e-94
CG10579 : FBan0010579 : CT1695 : FBan0010579 309 1e-84
CG10498 : FBan0010498 : CT29424 : FBan0010498 301 3e-82
CG3319 : FBan0003319 : CT11155 : FBan0003319 248 3e-66
CG1362 : FBan0001362 : CT3088 : FBan0001362 242 2e-64
CG4268 : FBan0004268 : CT13850 : FBan0004268 236 1e-62
CG7597 : FBan0007597 : CT23101 : FBan0007597 228 3e-60
CG5179 : FBan0005179 : CT16479 : FBan0005179 222 2e-58
CG5072 : FBan0005072 : CT15896 : FBan0005072 215 2e-56
CG7236 : FBan0007236 : CT22313 : FBan0007236 204 5e-53
CG4588 : FBan0004588 : CT14854 : FBan0004588 193 1e-49
CG10572 : FBan0010572 : CT29648 : FBan0010572 189 3e-48
CG6800 : FBan0006800 : CT21089 : FBan0006800 188 3e-48

---

analyse/cdk5_regulatory_su.na_gadfly

CG6703 : FBan0006703 : CT20820 : FBan0006703 598 e-171
CG13412 : FBan0013412 : CT32768 : FBan0013412 483 e-136
CG9326 : FBan0009326 : CT3801 : FBan0009326 305 2e-82
CG18069 : FBan0018069 : CT40499 : FBan0018069 279 4e-75
CG13219 : FBan0013219 : CT32463 : FBan0013219 224 2e-58
CG1617 : FBan0001617 : CT4306 : FBan0001617 199 8e-51
CG1495 : FBan0001495 : CT3727 : FBan0001495 194 2e-49
CG1830 : FBan0001830 : CT5552 : FBan0001830 191 1e-48
CG1479 : FBan0001479 : CT3598 : FBan0001479 178 1e-44
CG6114 : FBan0006114 : CT19136 : FBan0006114 155 1e-37
CG10895 : FBan0010895 : CT30511 : FBan0010895 154 2e-37
CG7125 : FBan0007125 : CT22025 : FBan0007125 154 2e-37
CG17596 : FBan0017596 : CT34367 : FBan0017596 153 4e-37
CG8201 : FBan0008201 : CT37131 : FBan0008201 148 2e-35

---

analyse/cdk5_regulatory_su2.na_gadfly

CG5387 : FBan0005387 : CT17100 : FBan0005387 201 4e-52
CG2051 : FBan0002051 : CT6633 : FBan0002051 30 3.0

>CG5387 : FBan0005387 : CT17100 : FBan0005387
Length = 1845

Score = 201 bits (507), Expect = 4e-52
Identities = 95/156 (60%), Positives = 122/156 (77%)

Query: 175
RRVIVQASTGELLRCLRDFVCRSCYRLKELSPGELVGWFRGVDRSLLLQGWQ
DQAFITPA 234
R+ ++QAST ELL+CL F+ C RL G+ V W R VDRSLLLQGWQD AFI PA
Sbjct: 1139
RKTVIQASTSELLKCLGMFLHCKCQRLNNFDAGDAVMWLRAVDRSLLLQGW
QDVAFINPA 1318

Query: 235
NLVFVYLLCRESLSGDELASAAELQAAFLTCLYLAYSYMGNEISYPLKPFLVEP
DKERFW 294

---

analyse/clathrin_heavy_chain.na_gadfly

CG9012 : FBan0009012 : CT25886 : FBan0009012 2729 0.0
CG6197 : FBan0006197 : CT19436 : FBan0006197 38 0.039
CG11012 : FBan0011012 : CT30837 : FBan0011012 33 1.7
CG12499 : FBan0012499 : CT33360 : FBan0012499 31 5.1
CG10183 : FBan0010183 : CT28645 : FBan0010183 31 5.1
CG10392 : FBan0010392 : CT9123 : FBan0010392 31 6.7
CG18352 : FBan0018352 : CT41704 : FBan0018352 31 8.7
CG18256 : FBan0018256 : CT41371 : FBan0018256 31 8.7

>CG9012 : FBan0009012 : CT25886 : FBan0009012
Length = 5668

Score = 2729 bits (6997), Expect = 0.0
Identities = 1318/1657 (79%), Positives = 1489/1657 (89%), Gaps = 1/1657 (0%)

---

analyse/clathrin_light_chain.na_gadfly

CG6948 : FBan0006948 : CT21529 : FBan0006948 119 1e-27
CG2469 : FBan0002469 : CT8157 : FBan0002469 33 0.16
CG6450 : FBan0006450 : CT20088 : FBan0006450 33 0.16
CG1775 : FBan0001775 : CT5334 : FBan0001775 32 0.27
CG3760 : FBan0003760 : CT12563 : FBan0003760 32 0.27
CG16743 : FBan0016743 : CT34737 : FBan0016743 31 0.62
CG7243 : FBan0007243 : CT22339 : FBan0007243 31 0.81
CG1099 : FBan0001099 : CT1515 : FBan0001099 30 1.8
CG3191 : FBan0003191 : CT10198 : FBan0003191 29 2.4
CG11815 : FBan0011815 : CT33479 : FBan0011815 29 2.4
CG6606 : FBan0006606 : CT20536 : FBan0006606 29 3.1
CG2702 : FBan0002702 : CT9219 : FBan0002702 29 4.1
CG15740 : FBan0015740 : CT35985 : FBan0015740 29 4.1
CG17387 : FBan0017387 : CT34433 : FBan0017387 28 5.3

---

analyse/clathrin_light_chain_B.na_gadfly

CG6948 : FBan0006948 : CT21529 : FBan0006948 118 2e-27
CG8919 : FBan0008919 : CT25618 : FBan0008919 36 0.028
CG2469 : FBan0002469 : CT8157 : FBan0002469 33 0.19
CG15792 : FBan0015792 : CT9199 : FBan0015792 32 0.32
CG14998 : FBan0014998 : CT34851 : FBan0014998 31 0.55
CG17604 : FBan0017604 : CT15287 : FBan0017604 31 0.72
CG3996 : FBan0003996 : CT13269 : FBan0003996 31 0.72
CG4496 : FBan0004496 : CT14635 : FBan0004496 31 0.72
CG11005 : FBan0011005 : CT8955 : FBan0011005 30 1.6
CG10061 : FBan0010061 : CT28319 : FBan0010061 30 1.6
CG1099 : FBan0001099 : CT1515 : FBan0001099 29 2.1
CG8740 : FBan0008740 : CT8625 : FBan0008740 29 2.1
CG8161 : FBan0008161 : CT24354 : FBan0008161 29 2.8
CG14438 : FBan0014438 : CT34100 : FBan0014438 29 3.6

---

analyse/complexin.na_gadfly
effective search space: 635071805
effective search space used: 635071805
frameshift window, decay const: 50, 0.1
T: 13
A: 40
X1: 16 (7.3 bits)
X2: 38 (14.8 bits)
X3: 64 (24.9 bits)
S1: 41 (21.6 bits)
S2: 56 (26.2 bits)

---

analyse/complexin_2.na_gadfly
effective search space: 661240184
effective search space used: 661240184
frameshift window, decay const: 50, 0.1
T: 13
A: 40
X1: 16 (7.3 bits)
X2: 38 (14.8 bits)
X3: 64 (24.9 bits)
S1: 42 (22.0 bits)
S2: 56 (26.2 bits)

---

analyse/dap160___EHSH1.na_gadfly

CG1099 : FBan0001099 : CT1515 : FBan0001099 233 7e-61
CG16932 : FBan0016932 : CT10310 : FBan0016932 130 5e-30
CG11316 : FBan0011316 : CT31585 : FBan0011316 98 3e-20
CG3727 : FBan0003727 : CT42218 : FBan0003727 95 2e-19
CG3451 : FBan0003451 : CT7898 : FBan0003451 84 4e-16
CG6521 : FBan0006521 : CT20283 : FBan0006521 72 2e-12
CG6148 : FBan0006148 : CT19156 : FBan0006148 69 2e-11
CG6192 : FBan0006192 : CT19416 : FBan0006192 66 1e-10
CG9749 : FBan0009749 : CT27553 : FBan0009749 66 2e-10
CG6033 : FBan0006033 : CT18920 : FBan0006033 65 3e-10
CG8179 : FBan0008179 : CT20243 : FBan0008179 65 9e-10
CG4684 : FBan0004684 : CT15077 : FBan0004684 62 2e-09
CG4909 : FBan0004909 : CT15776 : FBan0004909 59 1e-08
CG10043 : FBan0010043 : CT28235 : FBan0010043 59 2e-08

---

analyse/delta_adaptin-human-AAC51761.na_gadfly

CG10986 : FBan0010986 : CT30781 : FBan0010986 850 0.0
CG11197 : FBan0011197 : CT27980 : FBan0011197 475 e-134
CG9113 : FBan0009113 : CT26074 : FBan0009113 166 5e-41
CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260 154 3e-37
CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 75 3e-13
CG6223 : FBan0006223 : CT19258 : FBan0006223 74 6e-13
CG1845 : FBan0001845 : CT5659 : FBan0001845 34 0.52
CG7349 : FBan0017349 : CT32310 : FBan0017349 32 2.0
CG4817 : FBan0004817 : CT15471 : FBan0004817 31 3.4
CG12132 : FBan0012132 : CT7740 : FBan0012132 31 4.5
CG6625 : FBan0006625 : CT20594 : FBan0006625 30 7.7
CG4132 : FBan0004132 : CT13672 : FBan0004132 30 7.7
CG5477 : FBan0005477 : CT17370 : FBan0005477 30 7.7

---

analyse/doc2_beta.na_gadfly

CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 204 1e-52
CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 164 1e-40
CG2381 : FBan0002381 : CT7940 : FBan0002381 148 4e-36
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 124 8e-29
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 97 2e-20
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 94 2e-19
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 93 3e-19
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 79 4e-15
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 71 1e-12
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 69 6e-12
CG10617 : FBan0010617 : CT29744 : FBan0010617 66 4e-11
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 64 2e-10
CG11621 : FBan0011621 : CT41611 : FBan0011621 57 2e-08
CG16976 : FBan0016976 : CT34795 : FBan0016976 51 1e-06

---

analyse/dynamin_2.na_gadfly

CG18102 : FBan0018102 : CT40657 : FBan0018102 975 0.0
CG3210 : FBan0003210 : CT42400 : FBan0003210 443 e-124
CG8479 : FBan0008479 : CT24795 : FBan0008479 115 9e-26
CG11628 : FBan0011628 : CT7581 : FBan0011628 38 0.020
CG4399 : FBan0004399 : CT14236 : FBan0004399 31 3.4
CG13582 : FBan0013582 : CT32964 : FBan0013582 31 4.4
CG4767 : FBan0004767 : CT15347 : FBan0004767 30 5.8

>CG18102 : FBan0018102 : CT40657 : FBan0018102
Length = 3808

Score = 975 bits (2492), Expect = 0.0
Identities = 493/700 (70%), Positives = 579/700 (82%), Gaps = 11/700 (1%)

---

analyse/dynamin_2A_alpha.na_gadfly

CG18102 : FBan0018102 : CT40657 : FBan0018102 975 0.0
CG3210 : FBan0003210 : CT42400 : FBan0003210 443 e-124
CG8479 : FBan0008479 : CT24795 : FBan0008479 115 9e-26
CG11628 : FBan0011628 : CT7581 : FBan0011628 38 0.020
CG4399 : FBan0004399 : CT14236 : FBan0004399 31 3.4
CG13582 : FBan0013582 : CT32964 : FBan0013582 31 4.4
CG4767 : FBan0004767 : CT15347 : FBan0004767 30 5.8

>CG18102 : FBan0018102 : CT40657 : FBan0018102
Length = 3808

Score = 975 bits (2492), Expect = 0.0
Identities = 493/700 (70%), Positives = 579/700 (82%), Gaps = 11/700 (1%)

---

analyse/dynamin_2B_alpha.na_gadfly

CG18102 : FBan0018102 : CT40657 : FBan0018102 972 0.0
CG3210 : FBan0003210 : CT42400 : FBan0003210 446 e-125
CG8479 : FBan0008479 : CT24795 : FBan0008479 115 9e-26
CG11628 : FBan0011628 : CT7581 : FBan0011628 38 0.020
CG4399 : FBan0004399 : CT14236 : FBan0004399 31 3.4
CG13582 : FBan0013582 : CT32964 : FBan0013582 31 4.4

>CG18102 : FBan0018102 : CT40657 : FBan0018102
Length = 3808

Score = 972 bits (2486), Expect = 0.0
Identities = 492/700 (70%), Positives = 578/700 (82%), Gaps = 11/700 (1%)

Query: 6
MEELIPLVNKLQDAFSSIGQSCHLDLPQIAVVGGQSAGKSSVLENFVGRDFLPR
GSGIVT 65

---

analyse/dynamin_3.na_gadfly

CG18102 : FBan0018102 : CT40657 : FBan0018102 984 0.0
CG3210 : FBan0003210 : CT42400 : FBan0003210 431 e-121
CG8479 : FBan0008479 : CT24795 : FBan0008479 114 3e-25
CG11628 : FBan0011628 : CT7581 : FBan0011628 34 0.29
CG18185 : FBan0018185 : CT41086 : FBan0018185 33 0.65
CG8661 : FBan0008661 : CT25092 : FBan0008661 30 5.6
CG9492 : FBan0009492 : CT26882 : FBan0009492 30 7.4
CG11494 : FBan0011494 : CT36341 : FBan0011494 29 9.6

>CG18102 : FBan0018102 : CT40657 : FBan0018102
Length = 3808

Score = 984 bits (2515), Expect = 0.0
Identities = 493/698 (70%), Positives = 578/698 (82%), Gaps = 10/698 (1%)

---

analyse/dynamin_3B_beta.na_gadfly

CG18102 : FBan0018102 : CT40657 : FBan0018102 975 0.0
CG3210 : FBan0003210 : CT42400 : FBan0003210 420 e-117
CG8479 : FBan0008479 : CT24795 : FBan0008479 114 3e-25
CG11628 : FBan0011628 : CT7581 : FBan0011628 34 0.30
CG9492 : FBan0009492 : CT26882 : FBan0009492 30 7.5
CG17923 : FBan0017923 : CT39930 : FBan0017923 30 7.5
CG8661 : FBan0008661 : CT25092 : FBan0008661 30 7.5

>CG18102 : FBan0018102 : CT40657 : FBan0018102
Length = 3808

Score = 975 bits (2494), Expect = 0.0
Identities = 493/708 (69%), Positives = 578/708 (81%), Gaps = 10/708 (1%)

---

analyse/endophilin.na_gadfly

CG14296 : FBan0014296 : CT39614 : FBan0014296 346 1e-95
CG9834 : FBan0009834 : CT27754 : FBan0009834 85 5e-17
CG4909 : FBan0004909 : CT15776 : FBan0004909 66 5e-11
CG2226 : FBan0002226 : CT7392 : FBan0002226 62 7e-10
CG6033 : FBan0006033 : CT18920 : FBan0006033 61 2e-09
CG10083 : FBan0010083 : CT28375 : FBan0010083 58 1e-08
CG10043 : FBan0010043 : CT28235 : FBan0010043 57 1e-08
CG3451 : FBan0003451 : CT7898 : FBan0003451 57 2e-08
CG6521 : FBan0006521 : CT20283 : FBan0006521 53 2e-07
CG12241 : FBan0012241 : CT13892 : FBan0012241 52 6e-07
CG9749 : FBan0009749 : CT27553 : FBan0009749 51 1e-06
CG3637 : FBan0003637 : CT12161 : FBan0003637 51 1e-06
CG7129 : FBan0007129 : CT22037 : FBan0007129 51 1e-06
CG4684 : FBan0004684 : CT15077 : FBan0004684 50 2e-06

---

analyse/endophilin2.na_gadfly

CG14296 : FBan0014296 : CT39614 : FBan0014296 346 1e-95
CG9834 : FBan0009834 : CT27754 : FBan0009834 85 5e-17
CG4909 : FBan0004909 : CT15776 : FBan0004909 66 5e-11
CG2226 : FBan0002226 : CT7392 : FBan0002226 62 7e-10
CG6033 : FBan0006033 : CT18920 : FBan0006033 61 2e-09
CG10083 : FBan0010083 : CT28375 : FBan0010083 58 1e-08
CG10043 : FBan0010043 : CT28235 : FBan0010043 57 1e-08
CG3451 : FBan0003451 : CT7898 : FBan0003451 57 2e-08
CG6521 : FBan0006521 : CT20283 : FBan0006521 53 2e-07
CG12241 : FBan0012241 : CT13892 : FBan0012241 52 6e-07
CG9749 : FBan0009749 : CT27553 : FBan0009749 51 1e-06
CG3637 : FBan0003637 : CT12161 : FBan0003637 51 1e-06
CG7129 : FBan0007129 : CT22037 : FBan0007129 51 1e-06
CG4684 : FBan0004684 : CT15077 : FBan0004684 50 2e-06

analyse/endophilin_2.na_gadfly

CG14296 : FBan0014296 : CT39614 : FBan0014296 334 4e-92
CG9834 : FBan0009834 : CT27754 : FBan0009834 83 3e-16
CG4909 : FBan0004909 : CT15776 : FBan0004909 66 4e-11
CG6033 : FBan0006033 : CT18920 : FBan0006033 65 6e-11
CG2226 : FBan0002226 : CT7392 : FBan0002226 61 1e-09
CG3451 : FBan0003451 : CT7898 : FBan0003451 60 3e-09
CG12241 : FBan0012241 : CT13892 : FBan0012241 58 8e-09
CG10043 : FBan0010043 : CT28235 : FBan0010043 55 5e-08
CG11316 : FBan0011316 : CT31585 : FBan0011316 52 5e-07
CG3637 : FBan0003637 : CT12161 : FBan0003637 52 6e-07
CG10083 : FBan0010083 : CT28375 : FBan0010083 52 8e-07
CG9749 : FBan0009749 : CT27553 : FBan0009749 49 4e-06
CG7129 : FBan0007129 : CT22037 : FBan0007129 49 4e-06
CG1099 : FBan0001099 : CT1515 : FBan0001099 49 5e-06

analyse/endophilin_3.na_gadfly

CG14296 : FBan0014296 : CT39614 : FBan0014296 342 2e-94
CG9834 : FBan0009834 : CT27754 : FBan0009834 80 2e-15
CG4909 : FBan0004909 : CT15776 : FBan0004909 64 1e-10
CG6033 : FBan0006033 : CT18920 : FBan0006033 62 7e-10
CG3451 : FBan0003451 : CT7898 : FBan0003451 60 3e-09
CG10083 : FBan0010083 : CT28375 : FBan0010083 57 2e-08
CG2226 : FBan0002226 : CT7392 : FBan0002226 56 4e-08
CG6521 : FBan0006521 : CT20283 : FBan0006521 54 1e-07
CG10043 : FBan0010043 : CT28235 : FBan0010043 54 1e-07
CG3637 : FBan0003637 : CT12161 : FBan0003637 53 3e-07
CG12241 : FBan0012241 : CT13892 : FBan0012241 53 3e-07
CG11316 : FBan0011316 : CT31585 : FBan0011316 53 3e-07
CG7129 : FBan0007129 : CT22037 : FBan0007129 52 4e-07
CG9749 : FBan0009749 : CT27553 : FBan0009749 50 3e-06

analyse/eps15.na_gadfly

CG16932 : FBan0016932 : CT10310 : FBan0016932 170 4e-42
CG1099 : FBan0001099 : CT1515 : FBan0001099 99 1e-20
CG6148 : FBan0006148 : CT19156 : FBan0006148 94 3e-19
CG6192 : FBan0006192 : CT19416 : FBan0006192 63 3e-09
CG8472 : FBan0008472 : CT41655 : FBan0008472 32 1.5
CG11217 : FBan0011217 : CT31322 : FBan0011217 31 2.6
CG6375 : FBan0006375 : CT19846 : FBan0006375 31 3.5
CG6272 : FBan0006272 : CT19628 : FBan0006272 31 3.5
CG9279 : FBan0009279 : CT26433 : FBan0009279 31 3.5
CG4355 : FBan0004355 : CT14210 : FBan0004355 31 4.5
CG10022 : FBan0010022 : CT28219 : FBan0010022 31 4.5
CG4717 : FBan0004717 : CT15191 : FBan0004717 30 5.9
CG9112 : FBan0009112 : CT26136 : FBan0009112 30 5.9
CG14438 : FBan0014438 : CT34100 : FBan0014438 30 5.9

analyse/epsin_2.na_gadfly

CG8532 : FBan0008532 : CT15780 : FBan0008532 309 4e-84
CG13854 : FBan0013854 : CT33368 : FBan0013854 150 3e-36
CG7709 : FBan0007709 : CT21049 : FBan0007709 40 0.004
CG12071 : FBan0012071 : CT4774 : FBan0012071 36 0.049
CG12722 : FBan0012722 : CT35976 : FBan0012722 36 0.065
CG2818 : FBan0002818 : CT9610 : FBan0002818 32 0.73
CG5289 : FBan0005289 : CT16771 : FBan0005289 32 0.73
CG12237 : FBan0012237 : CT13344 : FBan0012237 32 0.73
CG6544 : FBan0006544 : CT41976 : FBan0006544 32 0.73
CG4303 : FBan0004303 : CT3427 : FBan0004303 32 0.96
CG6871 : FBan0006871 : CT21282 : FBan0006871 32 0.96
CG12628 : FBan0012628 : CT35150 : FBan0012628 32 1.3
CG1859 : FBan0001859 : CT5726 : FBan0001859 32 1.3
CG15319 : FBan0015319 : CT35306 : FBan0015319 32 1.3

analyse/epsin_2a.na_gadfly

CG8532 : FBan0008532 : CT15780 : FBan0008532 309 3e-84
CG13854 : FBan0013854 : CT33368 : FBan0013854 154 1e-37
CG7709 : FBan0007709 : CT21049 : FBan0007709 40 0.003
CG13910 : FBan0013910 : CT33447 : FBan0013910 36 0.085
CG17008 : FBan0017008 : CT35602 : FBan0017008 35 0.11
CG11494 : FBan0011494 : CT36341 : FBan0011494 33 0.43
CG2818 : FBan0002818 : CT9610 : FBan0002818 33 0.43
CG8831 : FBan0008831 : CT25402 : FBan0008831 33 0.56
CG10759 : FBan0010759 : CT30150 : FBan0010759 32 0.73
CG14196 : FBan0014196 : CT33809 : FBan0014196 32 0.73
CG11484 : FBan0011484 : CT36315 : FBan0011484 32 0.96
CG3820 : FBan0003820 : CT12729 : FBan0003820 32 0.96
CG3457 : FBan0003457 : CT11649 : FBan0003457 32 0.96
CG13708 : FBan0013708 : CT33170 : FBan0013708 32 1.3

analyse/epsin_2b.na_gadfly

CG8532 : FBan0008532 : CT15780 : FBan0008532 249 4e-66
CG13854 : FBan0013854 : CT33368 : FBan0013854 154 1e-37
CG7709 : FBan0007709 : CT21049 : FBan0007709 43 7e-04
CG3629 : FBan0003629 : CT37641 : FBan0003629 37 0.032
CG13910 : FBan0013910 : CT33447 : FBan0013910 36 0.094
CG17008 : FBan0017008 : CT35602 : FBan0017008 35 0.12
CG8122 : FBan0008122 : CT24286 : FBan0008122 34 0.36
CG2818 : FBan0002818 : CT9610 : FBan0002818 33 0.48
CG11494 : FBan0011494 : CT36341 : FBan0011494 33 0.48
CG8831 : FBan0008831 : CT25402 : FBan0008831 33 0.62
CG14196 : FBan0014196 : CT33809 : FBan0014196 32 0.82
CG10759 : FBan0010759 : CT30150 : FBan0010759 32 0.82
CG11484 : FBan0011484 : CT36315 : FBan0011484 32 1.1
CG3820 : FBan0003820 : CT12729 : FBan0003820 32 1.1

analyse/epsin___liquid_facets.na_gadfly

CG8532 : FBan0008532 : CT15780 : FBan0008532 281 9e-76
CG13854 : FBan0013854 : CT33368 : FBan0013854 132 4e-31
CG15726 : FBan0015726 : CT35959 : FBan0015726 33 0.43
CG15002 : FBan0015002 : CT34855 : FBan0015002 33 0.56
CG9048 : FBan0009048 : CT25988 : FBan0009048 33 0.56
CG13620 : FBan0013620 : CT33014 : FBan0013620 32 0.73
CG2647 : FBan0002647 : CT8963 : FBan0002647 31 2.1
CG14228 : FBan0014228 : CT33843 : FBan0014228 31 2.1
CG4145 : FBan0004145 : CT12803 : FBan0004145 30 3.7
CG13214 : FBan0013214 : CT32458 : FBan0013214 30 3.7
CG1136 : FBan0001136 : CT1836 : FBan0001136 30 4.8
CG15021 : FBan0015021 : CT34875 : FBan0015021 30 4.8
CG1855 : FBan0001855 : CT5712 : FBan0001855 30 4.8
CG6528 : FBan0006528 : CT20317 : FBan0006528 29 6.3

analyse/exo70.na_gadfly

CG7127 : FBan0007127 : CT22027 : FBan0007127 351 6e-97
CG17177 : FBan0017177 : CT38112 : FBan0017177 37 0.035
CG17766 : FBan0017766 : CT39345 : FBan0017766 32 0.90
CG4925 : FBan0004925 : CT15754 : FBan0004925 32 0.90
CG13774 : FBan0013774 : CT33262 : FBan0013774 32 0.90
CG5882 : FBan0005882 : CT18467 : FBan0005882 32 1.2
CG7706 : FBan0007706 : CT23367 : FBan0007706 32 1.5
CG9932 : FBan0009932 : CT27960 : FBan0009932 30 4.5
CG4831 : FBan0004831 : CT15516 : FBan0004831 29 7.8
CG6735 : FBan0006735 : CT20566 : FBan0006735 29 7.8

>CG7127 : FBan0007127 : CT22027 : FBan0007127
Length = 2142

analyse/frequenin.na_gadfly

CG5907 : FBan0005907 : CT18333 : FBan0005907 278 2e-75
CG7641 : FBan0007641 : CT23307 : FBan0007641 256 8e-69
CG5744 : FBan0005744 : CT42314 : FBan0005744 254 2e-68
CG7646 : FBan0007646 : CT23353 : FBan0007646 157 6e-39
CG5890 : FBan0005890 : CT18485 : FBan0005890 155 2e-38
CG11105 : FBan0011105 : CT31065 : FBan0011105 105 2e-23
CG4209 : FBan0004209 : CT13882 : FBan0004209 78 5e-15
CG11217 : FBan0011217 : CT31322 : FBan0011217 76 1e-14
CG3896 : FBan0003896 : CT12657 : FBan0003896 66 1e-11
CG3131 : FBan0003131 : CT10494 : FBan0003131 64 8e-11
CG2256 : FBan0002256 : CT7514 : FBan0002256 62 2e-10
CG2185 : FBan0002185 : CT7158 : FBan0002185 62 3e-10
CG8334 : FBan0008334 : CT24583 : FBan0008334 61 4e-10
CG9236 : FBan0009236 : CT26386 : FBan0009236 57 8e-09

analyse/g-SNAP.na_gadfly

CG3988 : FBan0003988 : CT13233 : FBan0003988 148 3e-45
CG6208 : FBan0006208 : CT19468 : FBan0006208 139 3e-33
CG6625 : FBan0006625 : CT20594 : FBan0006625 31 0.82
CG2469 : FBan0002469 : CT8157 : FBan0002469 30 1.8
CG13872 : FBan0013872 : CT33398 : FBan0013872 30 2.4
CG11698 : FBan0011698 : CT36735 : FBan0011698 29 5.4
CG2708 : FBan0002708 : CT9235 : FBan0002708 29 5.4
CG2485 : FBan0002485 : CT8261 : FBan0002485 28 9.3

>CG3988 : FBan0003988 : CT13233 : FBan0003988
Length = 932

Score = 148 bits (370), Expect = 3e-45
Identities = 74/168 (44%), Positives = 112/168 (66%)

analyse/gamma_adaptin_..na_gadfly

CG9113 : FBan0009113 : CT26074 : FBan0009113 737 0.0
CG4260 : FBan0004260 : CT13966 : FBan0004260 230 2e-60
CG10986 : FBan0010986 : CT30781 : FBan0010986 165 1e-40
CG12532 : FBan0012532 : CT33851 : FBan0012532 78 2e-14
CG6223 : FBan0006223 : CT19258 : FBan0006223 40 0.005
CG14172 : FBan0014172 : CT33776 : FBan0014172 35 0.16
CG13388 : FBan0013388 : CT32734 : FBan0013388 35 0.21
CG3373 : FBan0003373 : CT11347 : FBan0003373 32 1.1
CG18394 : FBan0018394 : CT28980 : FBan0018394 31 3.2
CG4713 : FBan0004713 : CT15187 : FBan0004713 31 4.1
CG12424 : FBan0012424 : CT31991 : FBan0012424 30 7.1
CG18076 : FBan0018076 : CT39520 : FBan0018076 30 7.1
CG14510 : FBan0014510 : CT34228 : FBan0014510 29 9.3
CG1501 : FBan0001501 : CT3759 : FBan0001501 29 9.3

analyse/hsc_70.na_gadfly

CG4264 : FBan0004264 : CT13958 : FBan0004264 1005 0.0
CG8937 : FBan0008937 : CT25664 : FBan0008937 967 0.0
CG5436 : FBan0005436 : CT17248 : FBan0005436 867 0.0
CG7756 : FBan0007756 : CT23565 : FBan0007756 856 0.0

CG4147 : FBan0004147 : CT5938 : FBan0004147 734 0.0
CG8542 : FBan0008542 : CT24931 : FBan0008542 510 e-144
CG6603 : FBan0006603 : CT39144 : FBan0006603 259 5e-69
CG2918 : FBan0002918 : CT9894 : FBan0002918 181 1e-45
CG7182 : FBan0007182 : CT22181 : FBan0007182 160 3e-39
CG6489 : FBan0006489 : CT20131 : FBan0006489 102 8e-22
CG4879 : FBan0004879 : CT15495 : FBan0004879 37 0.032
CG6226 : FBan0006226 : CT19512 : FBan0006226 35 0.16
CG13003 : FBan0013003 : CT32210 : FBan0013003 33 0.63
CG14617 : FBan0014617 : CT34374 : FBan0014617 32 0.82

analyse/human_frequenin.na_gadfly

CG5907 : FBan0005907 : CT18333 : FBan0005907 275 1e-74
CG7641 : FBan0007641 : CT23307 : FBan0007641 252 1e-67
CG5744 : FBan0005744 : CT42314 : FBan0005744 252 1e-67
CG7646 : FBan0007646 : CT23353 : FBan0007646 156 3e-39
CG5890 : FBan0005890 : CT18485 : FBan0005890 152 2e-37
CG11105 : FBan0011105 : CT31065 : FBan0011105 102 1e-22
CG4209 : FBan0004209 : CT13882 : FBan0004209 75 3e-14
CG11217 : FBan0011217 : CT31322 : FBan0011217 74 6e-14
CG3896 : FBan0003896 : CT12657 : FBan0003896 64 6e-11
CG3131 : FBan0003131 : CT10494 : FBan0003131 63 1e-10
CG2185 : FBan0002185 : CT7158 : FBan0002185 61 4e-10
CG2256 : FBan0002256 : CT7514 : FBan0002256 60 1e-09
CG8334 : FBan0008334 : CT24583 : FBan0008334 59 2e-09
CG9236 : FBan0009236 : CT26386 : FBan0009236 55 3e-08

analyse/latrophilin_1.na_gadfly

CG8639 : FBan0008639 : CT8755 : FBan0008639 182 2e-45
CG11895 : FBan0011895 : CT20776 : FBan0011895 150 5e-36
CG8422 : FBan0008422 : CT24513 : FBan0008422 90 7e-18
CG6867 : FBan0006867 : CT21241 : FBan0006867 86 2e-16
CG12370 : FBan0012370 : CT24959 : FBan0012370 84 5e-16
CG15556 : FBan0015556 : CT35672 : FBan0015556 66 2e-10
CG13758 : FBan0013758 : CT33238 : FBan0013758 66 2e-10
CG17415 : FBan0017415 : CT38445 : FBan0017415 59 3e-08
CG15744 : FBan0015744 : CT35992 : FBan0015744 53 9e-07
CG6936 : FBan0006936 : CT21390 : FBan0006936 51 5e-06
CG17795 : FBan0017795 : CT16507 : FBan0017795 50 1e-05
CG6530 : FBan0006530 : CT20339 : FBan0006530 48 4e-05
CG4521 : FBan0004521 : CT14539 : FBan0004521 45 4e-04
CG4395 : FBan0004395 : CT4121 : FBan0004395 38 0.060

analyse/latrophilin_2.na_gadfly

CG8639 : FBan0008639 : CT8755 : FBan0008639 165 2e-40
CG11895 : FBan0011895 : CT20776 : FBan0011895 104 4e-22
CG6867 : FBan0006867 : CT21241 : FBan0006867 96 2e-19
CG8422 : FBan0008422 : CT24513 : FBan0008422 63 1e-09
CG15556 : FBan0015556 : CT35672 : FBan0015556 49 2e-05
CG13758 : FBan0013758 : CT33238 : FBan0013758 47 7e-05
CG12370 : FBan0012370 : CT24959 : FBan0012370 46 2e-04
CG15744 : FBan0015744 : CT35992 : FBan0015744 41 0.005
CG1737 : FBan0001737 : CT5004 : FBan0001737 34 0.52
CG12192 : FBan0012192 : CT9848 : FBan0012192 34 0.52
CG5833 : FBan0005833 : CT18303 : FBan0005833 34 0.90
CG6996 : FBan0006996 : CT21634 : FBan0006996 33 1.5
CG10969 : FBan0010969 : CT30725 : FBan0010969 32 2.0
CG7017 : FBan0007017 : CT21698 : FBan0007017 31 5.9

analyse/latrophilin_3.na_gadfly

CG8639 : FBan0008639 : CT8755 : FBan0008639 168 3e-41
CG11895 : FBan0011895 : CT20776 : FBan0011895 107 3e-23
CG6867 : FBan0006867 : CT21241 : FBan0006867 93 1e-18
CG12370 : FBan0012370 : CT24959 : FBan0012370 65 4e-10
CG8422 : FBan0008422 : CT24513 : FBan0008422 64 9e-10
CG13758 : FBan0013758 : CT33238 : FBan0013758 54 6e-07
CG11318 : FBan0011318 : CT31591 : FBan0011318 53 1e-06
CG15556 : FBan0015556 : CT35672 : FBan0015556 52 3e-06
CG17415 : FBan0017415 : CT38445 : FBan0017415 48 3e-05
CG15744 : FBan0015744 : CT35992 : FBan0015744 39 0.021
CG7577 : FBan0007577 : CT8413 : FBan0007577 36 0.14
CG5354 : FBan0005354 : CT17020 : FBan0005354 32 2.1
CG5303 : FBan0005303 : CT16641 : FBan0005303 32 2.7
CG5965 : FBan0005965 : CT18729 : FBan0005965 31 4.7

analyse/mint.na_gadfly

CG5678 : FBan0005678 : CT17902 : FBan0005678 473 e-133
CG1852 : FBan0001852 : CT5588 : FBan0001852 204 2e-52
CG1861 : FBan0001861 : CT5730 : FBan0001861 108 2e-23
CG5675 : FBan0005675 : CT17796 : FBan0005675 62 2e-09
CG5462 : FBan0005462 : CT17324 : FBan0005462 57 4e-08
CG5980 : FBan0005980 : CT18767 : FBan0005980 51 3e-06
CG7662 : FBan0007662 : CT23375 : FBan0007662 48 3e-05
CG5055 : FBan0005055 : CT16134 : FBan0005055 44 3e-04
CG1617 : FBan0001617 : CT4906 : FBan0001617 44 4e-04
CG17229 : FBan0017229 : CT38197 : FBan0017229 43 0.001
CG4117 : FBan0004117 : CT13614 : FBan0004117 42 0.002
CG11168 : FBan0011168 : CT31192 : FBan0011168 41 0.002
CG13219 : FBan0013219 : CT32463 : FBan0013219 41 0.002
CG9326 : FBan0009326 : CT3801 : FBan0009326 40 0.006

analyse/mint1.na_gadfly

CG5678 : FBan0005678 : CT17902 : FBan0005678 473 e-133
CG1852 : FBan0001852 : CT5588 : FBan0001852 204 2e-52
CG1861 : FBan0001861 : CT5730 : FBan0001861 108 2e-23
CG5675 : FBan0005675 : CT17796 : FBan0005675 62 2e-09
CG5462 : FBan0005462 : CT17324 : FBan0005462 57 4e-08
CG5980 : FBan0005980 : CT18767 : FBan0005980 51 3e-06
CG7662 : FBan0007662 : CT23375 : FBan0007662 48 3e-05
CG5055 : FBan0005055 : CT16134 : FBan0005055 44 3e-04

(8)

CG1617 : FBan0001617 : CT4306 : FBan0001617 44 4e-04
CG17229 : FBan0017229 : CT38197 : FBan0017229 43 0.001
CG4117 : FBan0004117 : CT13614 : FBan0004117 42 0.002
CG11168 : FBan0011168 : CT31192 : FBan0011168 41 0.002
CG13219 : FBan0013219 : CT32463 : FBan0013219 41 0.002
CG9326 : FBan0009326 : CT3801 : FBan0009326 40 0.006

analyse/mint2.na_gadfly

CG5678 : FBan0005678 : CT17902 : FBan0005678 469 e-132
CG1852 : FBan0001852 : CT5588 : FBan0001852 201 2e-51
CG1861 : FBan0001861 : CT5730 : FBan0001861 107 2e-23
CG5675 : FBan0005675 : CT17796 : FBan0005675 62 9e-10
CG5462 : FBan0005462 : CT17324 : FBan0005462 55 2e-07
CG7662 : FBan0007662 : CT23375 : FBan0007662 47 4e-05
CG5980 : FBan0005980 : CT18767 : FBan0005980 46 8e-05
CG1725 : FBan0001725 : CT41310 : FBan0001725 43 9e-04
CG6167 : FBan0006167 : CT19352 : FBan0006167 40 0.004
CG1617 : FBan0001617 : CT4306 : FBan0001617 40 0.006
CG5055 : FBan0005055 : CT16134 : FBan0005055 39 0.008
CG4117 : FBan0004117 : CT13614 : FBan0004117 38 0.017
CG16757 : FBan0016757 : CT8060 : FBan0016757 38 0.022
CG8122 : FBan0008122 : CT24286 : FBan0008122 38 0.029

analyse/mint3.na_gadfly

CG5678 : FBan0005678 : CT17902 : FBan0005678 383 e-106
CG1852 : FBan0001852 : CT5588 : FBan0001852 177 2e-44
CG1861 : FBan0001861 : CT5730 : FBan0001861 90 4e-18
CG5675 : FBan0005675 : CT17796 : FBan0005675 54 2e-07
CG5462 : FBan0005462 : CT17324 : FBan0005462 52 1e-06
CG4117 : FBan0004117 : CT13614 : FBan0004117 52 1e-06
CG6703 : FBan0006703 : CT20820 : FBan0006703 45 2e-04
CG9763 : FBan0009763 : CT27506 : FBan0009763 40 0.004
CG5055 : FBan0005055 : CT16134 : FBan0005055 38 0.013
CG11168 : FBan0011168 : CT31192 : FBan0011168 38 0.017
CG7662 : FBan0007662 : CT23375 : FBan0007662 38 0.022
CG17229 : FBan0017229 : CT38197 : FBan0017229 37 0.029
CG7358 : FBan0007358 : CT22673 : FBan0007358 37 0.037
CG13219 : FBan0013219 : CT32463 : FBan0013219 36 0.064

analyse/mso1.na_gadfly

CG9018 : FBan0009018 : CT25924 : FBan0009018 29 2.6
CG14366 : FBan0014366 : CT34002 : FBan0014366 29 3.4

>CG9018 : FBan0009018 : CT25924 : FBan0009018
Length = 1369

Score = 29.0 bits (63), Expect = 2.6
Identities = 21/72 (29%), Positives = 31/72 (42%)

Query: 58
ENQHPFQGEPGWLGEKEDLPNERKILDTQVKHDMKKQNSRHFSPSFSNRRKAS
SEDPMGT 117
E H G P EK+ +RK D +H K++ H S+N +E++
Sbjct: 562 EKDHGGSGKP----EKSERREKRKHED----
RHSKSKRSRHHVQGSSANSAPPT-EEVVSV 717

Query: 118 PSSNGNTPEYTP 129

analyse/neurexIIalpha-a-AAA41707_rat_.na_gadfly

CG7050 : FBan0007050 : CT21808 : FBan0007050 736 0.0
CG6827 : FBan0006827 : CT21123 : FBan0006827 129 1e-29
CG18296 : FBan0018296 : CT41507 : FBan0018296 106 1e-22
CG11895 : FBan0011895 : CT20776 : FBan0011895 99 3e-20
CG8403 : FBan0008403 : CT18665 : FBan0008403 92 2e-18
CG7100 : FBan0007100 : CT21941 : FBan0007100 90 1e-17
CG7981 : FBan0007981 : CT23996 : FBan0007981 85 3e-16
CG7527 : FBan0007527 : CT23007 : FBan0007527 85 3e-16
CG15288 : FBan0015288 : CT35236 : FBan0015288 82 4e-15
CG10275 : FBan0010275 : CT28869 : FBan0010275 77 8e-14
CG7749 : FBan0007749 : CT23445 : FBan0007749 72 3e-12
CG10236 : FBan0010236 : CT28769 : FBan0010236 71 4e-12
CG7245 : FBan0007245 : CT22349 : FBan0007245 66 2e-10
CG6383 : FBan0006383 : CT19912 : FBan0006383 66 3e-10

analyse/neurexIIbeta-a-AAA41708_rat_.na_gadfly

CG7050 : FBan0007050 : CT21808 : FBan0007050 123 3e-28
CG4145 : FBan0004145 : CT12803 : FBan0004145 42 0.001
CG14889 : FBan0014889 : CT34712 : FBan0014889 41 0.003
CG8403 : FBan0008403 : CT18665 : FBan0008403 40 0.004
CG14888 : FBan0014888 : CT34711 : FBan0014888 40 0.004
CG4038 : FBan0004038 : CT13396 : FBan0004038 39 0.011
CG10625 : FBan0010625 : CT29764 : FBan0010625 38 0.020
CG7749 : FBan0007749 : CT23445 : FBan0007749 38 0.026
CG13214 : FBan0013214 : CT32458 : FBan0013214 37 0.034
CG7421 : FBan0007421 : CT22833 : FBan0007421 37 0.034
CG9888 : FBan0009888 : CT27872 : FBan0009888 37 0.034
CG11895 : FBan0011895 : CT20776 : FBan0011895 37 0.044
CG8355 : FBan0008355 : CT37068 : FBan0008355 37 0.044
CG15040 : FBan0015040 : CT34906 : FBan0015040 37 0.044

analyse/neurexIIbeta-b-AAA41709_rat_.na_gadfly

CG7050 : FBan0007050 : CT21808 : FBan0007050 123 3e-28
CG4145 : FBan0004145 : CT12803 : FBan0004145 42 0.001
CG14889 : FBan0014889 : CT34712 : FBan0014889 41 0.003
CG14888 : FBan0014888 : CT34711 : FBan0014888 40 0.004
CG8403 : FBan0008403 : CT18665 : FBan0008403 40 0.004
CG4038 : FBan0004038 : CT13396 : FBan0004038 39 0.012
CG10625 : FBan0010625 : CT29764 : FBan0010625 38 0.020
CG7749 : FBan0007749 : CT23445 : FBan0007749 38 0.026
CG13214 : FBan0013214 : CT32458 : FBan0013214 37 0.035
CG7421 : FBan0007421 : CT22833 : FBan0007421 37 0.035
CG9888 : FBan0009888 : CT27872 : FBan0009888 37 0.035
CG8355 : FBan0008355 : CT37068 : FBan0008355 37 0.045
CG15040 : FBan0015040 : CT34906 : FBan0015040 37 0.045
CG11895 : FBan0011895 : CT20776 : FBan0011895 37 0.045

analyse/neurexIIbeta-AAA41705_rat_.na_gadfly

CG7050 : FBan0007050 : CT21808 : FBan0007050 122 5e-28
CG8355 : FBan0008355 : CT37068 : FBan0008355 43 4e-04
CG11895 : FBan0011895 : CT20776 : FBan0011895 43 4e-04
CG8403 : FBan0008403 : CT18665 : FBan0008403 40 0.003
CG7100 : FBan0007100 : CT21941 : FBan0007100 39 0.005
CG7527 : FBan0007527 : CT23007 : FBan0007527 38 0.013
CG15288 : FBan0015288 : CT35236 : FBan0015288 36 0.040
CG10497 : FBan0010497 : CT27296 : FBan0010497 30 3.0
CG4144 : FBan0004144 : CT13694 : FBan0004144 29 6.7
CG13654 : FBan0013654 : CT33070 : FBan0013654 29 6.7
CG8007 : FBan0008007 : CT24060 : FBan0008007 29 8.8
CG14934 : FBan0014934 : CT34762 : FBan0014934 29 8.8

>CG7050 : FBan0007050 : CT21808 : FBan0007050

analyse/neurexinIII_human_-AAF28465.na_gadfly

CG7050 : FBan0007050 : CT21808 : FBan0007050 116 5e-27
CG6827 : FBan0006827 : CT21123 : FBan0006827 92 2e-19
CG8403 : FBan0008403 : CT18665 : FBan0008403 68 3e-12
CG10236 : FBan0010236 : CT28769 : FBan0010236 58 3e-09
CG7749 : FBan0007749 : CT23445 : FBan0007749 50 6e-07
CG7245 : FBan0007245 : CT22349 : FBan0007245 49 1e-06
CG18296 : FBan0018296 : CT41507 : FBan0018296 47 7e-06
CG7100 : FBan0007100 : CT21941 : FBan0007100 43 1e-04
CG15288 : FBan0015288 : CT35236 : FBan0015288 41 4e-04
CG7981 : FBan0007981 : CT23996 : FBan0007981 41 5e-04
CG10275 : FBan0010275 : CT28869 : FBan0010275 39 0.001
CG7527 : FBan0007527 : CT23007 : FBan0007527 38 0.003
CG3352 : FBan0003352 : CT11259 : FBan0003352 35 0.023
CG6383 : FBan0006383 : CT19912 : FBan0006383 32 0.20

analyse/neurexinIIIalpha_rat_-AAA02858.na_gadfly

CG7050 : FBan0007050 : CT21808 : FBan0007050 823 0.0
CG6827 : FBan0006827 : CT21123 : FBan0006827 141 3e-33
CG18296 : FBan0018296 : CT41507 : FBan0018296 115 2e-25
CG10236 : FBan0010236 : CT28769 : FBan0010236 99 1e-20
CG11895 : FBan0011895 : CT20776 : FBan0011895 93 1e-18
CG15288 : FBan0015288 : CT35236 : FBan0015288 91 5e-18
CG7981 : FBan0007981 : CT23996 : FBan0007981 88 3e-17
CG7527 : FBan0007527 : CT23007 : FBan0007527 87 7e-17
CG7100 : FBan0007100 : CT21941 : FBan0007100 85 2e-16
CG8403 : FBan0008403 : CT18665 : FBan0008403 83 1e-15
CG10275 : FBan0010275 : CT28869 : FBan0010275 71 5e-14
CG7245 : FBan0007245 : CT22349 : FBan0007245 70 8e-12
CG7749 : FBan0007749 : CT23445 : FBan0007749 69 2e-11
CG6383 : FBan0006383 : CT19912 : FBan0006383 62 2e-09

analyse/neurexinIV-CAA07258_mouse_.na_gadfly
effective search space: 164962833
effective search space used: 164962833
frameshift window, decay const: 50, 0.1
T: 13
A: 40
X1: 17 (7.3 bits)
X2: 38 (14.8 bits)
X3: 64 (24.9 bits)
S1: 43 (21.6 bits)
S2: 51 (24.3 bits)

analyse/neurexinIalpha_human_-BAA87821.na_gadfly

CG7050 : FBan0007050 : CT21808 : FBan0007050 810 0.0
CG6827 : FBan0006827 : CT21123 : FBan0006827 141 3e-33
CG7100 : FBan0007100 : CT21941 : FBan0007100 110 7e-24
CG7527 : FBan0007527 : CT23007 : FBan0007527 104 3e-22
CG11895 : FBan0011895 : CT20776 : FBan0011895 96 2e-19
CG8403 : FBan0008403 : CT18665 : FBan0008403 91 4e-18
CG7981 : FBan0007981 : CT23996 : FBan0007981 90 7e-18
CG10236 : FBan0010236 : CT28769 : FBan0010236 86 2e-16
CG18296 : FBan0018296 : CT41507 : FBan0018296 73 1e-15
CG6383 : FBan0006383 : CT19912 : FBan0006383 83 1e-15
CG15288 : FBan0015288 : CT35236 : FBan0015288 82 3e-15
CG10275 : FBan0010275 : CT28869 : FBan0010275 79 3e-15
CG7749 : FBan0007749 : CT23445 : FBan0007749 73 2e-12
CG7245 : FBan0007245 : CT22349 : FBan0007245 65 4e-10

analyse/neurexinIalpha_rat_-AAA41704.na_gadfly

CG7050 : FBan0007050 : CT21808 : FBan0007050 796 0.0
CG6827 : FBan0006827 : CT21123 : FBan0006827 142 1e-33
CG7100 : FBan0007100 : CT21941 : FBan0007100 106 1e-22
CG7527 : FBan0007527 : CT23007 : FBan0007527 99 1e-20
CG11895 : FBan0011895 : CT20776 : FBan0011895 94 8e-19
CG8403 : FBan0008403 : CT18665 : FBan0008403 91 4e-18
CG10236 : FBan0010236 : CT28769 : FBan0010236 89 2e-17
CG18296 : FBan0018296 : CT41507 : FBan0018296 73 5e-16
CG6383 : FBan0006383 : CT19912 : FBan0006383 84 5e-16
CG7981 : FBan0007981 : CT23996 : FBan0007981 82 2e-15
CG10275 : FBan0010275 : CT28869 : FBan0010275 79 3e-15
CG15288 : FBan0015288 : CT35236 : FBan0015288 76 2e-13
CG7749 : FBan0007749 : CT23445 : FBan0007749 71 4e-12
CG7245 : FBan0007245 : CT22349 : FBan0007245 65 4e-10

analyse/neuronal_DNAJ_like_.na_gadfly

CG8448 : FBan0008448 : CT37123 : FBan0008448 120 1e-27
CG5001 : FBan0005001 : CT15884 : FBan0005001 95 7e-20
CG10578 : FBan0010578 : CT29670 : FBan0010578 91 8e-19
CG6395 : FBan0006395 : CT35297 : FBan0006395 72 6e-13
CG5504 : FBan0005504 : CT17450 : FBan0005504 69 5e-12
CG8863 : FBan0008863 : CT36737 : FBan0008863 68 7e-12
CG7130 : FBan0007130 : CT22047 : FBan0007130 67 2e-11
CG2790 : FBan0002790 : CT9445 : FBan0002790 64 2e-10
CG2887 : FBan0002887 : CT7106 : FBan0002887 60 3e-09
CG9828 : FBan0009828 : CT27734 : FBan0009828 59 4e-09
CG3061 : FBan0003061 : CT10290 : FBan0003061 58 1e-08
CG8531 : FBan0008531 : CT24915 : FBan0008531 55 5e-08
CG4164 : FBan0004164 : CT13772 : FBan0004164 55 9e-08
CG4599 : FBan0004599 : CT14862 : FBan0004599 51 1e-06

analyse/pallid.na_gadfly

CG2714 : FBan0002714 : CT9231 : FBan0002714 34 0.077
CG7740 : FBan0007740 : CT5671 : FBan0007740 30 0.88
CG10712 : FBan0010712 : CT30015 : FBan0010712 29 1.5
CG18622 : FBan0018622 : CT41279 : FBan0018622 29 1.5
CG2147 : FBan0002147 : CT7012 : FBan0002147 29 1.5
CG18623 : FBan0018623 : CT41314 : FBan0018623 29 1.5
CG2669 : FBan0002669 : CT9051 : FBan0002669 29 2.0
CG10543 : FBan0010543 : CT29580 : FBan0010543 28 3.4
CG2145 : FBan0002145 : CT7008 : FBan0002145 27 5.8
CG7510 : FBan0007510 : CT23039 : FBan0007510 27 5.8
CG7715 : FBan0007715 : CT21017 : FBan0007715 27 5.8
CG4501 : FBan0004501 : CT14645 : FBan0004501 27 7.6
CG12522 : FBan0012522 : CT33746 : FBan0012522 27 7.6

analyse/rab1.na_gadfly

CG3320 : FBan0003320 : CT11153 : FBan0003320 340 5e-94
CG8287 : FBan0008287 : CT24527 : FBan0008287 226 1e-59
CG17060 : FBan0017060 : CT35568 : FBan0017060 221 2e-58
CG9575 : FBan0009575 : CT17720 : FBan0009575 214 3e-56
CG7576 : FBan0007576 : CT23179 : FBan0007576 196 1e-50
CG7062 : FBan0007062 : CT21839 : FBan0007062 192 1e-49
CG2532 : FBan0002532 : CT8469 : FBan0002532 189 9e-49
CG13638 : FBan0013638 : CT33032 : FBan0013638 187 6e-48
CG3269 : FBan0003269 : CT9197 : FBan0003269 185 1e-47
CG5771 : FBan0005771 : CT18112 : FBan0005771 182 2e-46
CG9100 : FBan0009100 : CT26114 : FBan0009100 180 6e-46
CG4921 : FBan0004921 : CT15786 : FBan0004921 178 3e-45
CG4212 : FBan0004212 : CT11521 : FBan0004212 175 2e-44
CG7605 : FBan0007605 : CT23121 : FBan0007605 171 3e-43

analyse/rab10.na_gadfly

CG17060 : FBan0017060 : CT35568 : FBan0017060 302 2e-82
CG8287 : FBan0008287 : CT24527 : FBan0008287 264 3e-71
CG3320 : FBan0003320 : CT11153 : FBan0003320 208 2e-54
CG13638 : FBan0013638 : CT33032 : FBan0013638 192 2e-49
CG7576 : FBan0007576 : CT23179 : FBan0007576 190 5e-49
CG9575 : FBan0009575 : CT17720 : FBan0009575 189 2e-48
CG3269 : FBan0003269 : CT9197 : FBan0003269 175 3e-44
CG2532 : FBan0002532 : CT8469 : FBan0002532 168 3e-42
CG5771 : FBan0005771 : CT18112 : FBan0005771 167 6e-42
CG9100 : FBan0009100 : CT26114 : FBan0009100 165 2e-41
CG7062 : FBan0007062 : CT21839 : FBan0007062 163 9e-41
CG7605 : FBan0007605 : CT23121 : FBan0007605 159 1e-39
CG14791 : FBan0014791 : CT42172 : FBan0014791 152 1e-37
CG4921 : FBan0004921 : CT15786 : FBan0004921 152 2e-37

analyse/rab11.na_gadfly

CG5771 : FBan0005771 : CT18112 : FBan0005771 366 e-102
CG3269 : FBan0003269 : CT9197 : FBan0003269 189 1e-48
CG4212 : FBan0004212 : CT11521 : FBan0004212 187 4e-48
CG3320 : FBan0003320 : CT11153 : FBan0003320 182 1e-46
CG8287 : FBan0008287 : CT24527 : FBan0008287 177 4e-45
CG4921 : FBan0004921 : CT15786 : FBan0004921 173 8e-44
CG17060 : FBan0017060 : CT35568 : FBan0017060 168 2e-42
CG7062 : FBan0007062 : CT21839 : FBan0007062 166 1e-41
CG3664 : FBan0003664 : CT12147 : FBan0003664 162 1e-40
CG9575 : FBan0009575 : CT17720 : FBan0009575 161 5e-40
CG9100 : FBan0009100 : CT26114 : FBan0009100 159 1e-39
CG12156 : FBan0012156 : CT8481 : FBan0012156 159 1e-39
CG7576 : FBan0007576 : CT23179 : FBan0007576 154 5e-38
CG2532 : FBan0002532 : CT8469 : FBan0002532 151 4e-37

analyse/rab14.na_gadfly

CG4212 : FBan0004212 : CT11521 : FBan0004212 366 e-102
CG3269 : FBan0003269 : CT9197 : FBan0003269 251 2e-67
CG4921 : FBan0004921 : CT15786 : FBan0004921 250 5e-67
CG5771 : FBan0005771 : CT18112 : FBan0005771 187 4e-48
CG7062 : FBan0007062 : CT21839 : FBan0007062 171 3e-43
CG8287 : FBan0008287 : CT24527 : FBan0008287 168 3e-42
CG3320 : FBan0003320 : CT11153 : FBan0003320 166 1e-41
CG12156 : FBan0012156 : CT8481 : FBan0012156 164 4e-41
CG9100 : FBan0009100 : CT26114 : FBan0009100 163 9e-41
CG3664 : FBan0003664 : CT12147 : FBan0003664 161 4e-40
CG17060 : FBan0017060 : CT35568 : FBan0017060 159 1e-39
CG2532 : FBan0002532 : CT8469 : FBan0002532 157 5e-39
CG13638 : FBan0013638 : CT33032 : FBan0013638 157 7e-39
CG7576 : FBan0007576 : CT23179 : FBan0007576 155 3e-38

analyse/rab2.na_gadfly

CG3269 : FBan0003269 : CT9197 : FBan0003269 380 e-106
CG4212 : FBan0004212 : CT11521 : FBan0004212 248 2e-66

CG4921 : FBan0004921 : CT15786 : FBan0004921 221 2e-58
CG8287 : FBan0008287 : CT24527 : FBan0008287 188 3e-48
CG5771 : FBan0005771 : CT18112 : FBan0005771 187 4e-48
CG17060 : FBan0017060 : CT35568 : FBan0017060 184 3e-47
CG3320 : FBan0003320 : CT11153 : FBan0003320 181 3e-46
CG12156 : FBan0012156 : CT8481 : FBan0012156 180 8e-46
CG7605 : FBan0007605 : CT23121 : FBan0007605 174 5e-44
CG7062 : FBan0007062 : CT21839 : FBan0007062 171 3e-43
CG9100 : FBan0009100 : CT26114 : FBan0009100 170 7e-43
CG2532 : FBan0002532 : CT8469 : FBan0002532 166 8e-42
CG13638 : FBan0013638 : CT33032 : FBan0013638 154 4e-38
CG3129 : FBan0003129 : CT10657 : FBan0003129 153 8e-38

analyse/rab3.na_gadfly

CG5627 : FBan0005627 : CT17736 : FBan0005627 597 e-170
CG12737 : FBan0012737 : CT39333 : FBan0012737 78 5e-14
CG6939 : FBan0006939 : CT21495 : FBan0006939 73 1e-12
CG7852 : FBan0007852 : CT23804 : FBan0007852 71 5e-12
CG8059 : FBan0008059 : CT8064 : FBan0008059 48 4e-05
CG11936 : FBan0011936 : CT35759 : FBan0011936 34 0.56
CG10979 : FBan0010979 : CT30769 : FBan0010979 34 0.56
CG1070 : FBan0001070 : CT1431 : FBan0001070 32 2.8
CG7832 : FBan0007832 : CT23772 : FBan0007832 32 3.7
CG12485 : FBan0012485 : CT32802 : FBan0012485 31 4.9
CG9806 : FBan0009806 : CT27718 : FBan0009806 31 6.4
CG1794 : FBan0001794 : CT5360 : FBan0001794 31 6.4
CG7147 : FBan0007147 : CT22079 : FBan0007147 31 6.4
CG17378 : FBan0017378 : CT33256 : FBan0017378 31 8.3

analyse/rab3gap.na_gadfly

CG7061 : FBan0007061 : CT37683 : FBan0007061 264 2e-70
CG1818 : FBan0001818 : CT5494 : FBan0001818 32 3.2
CG13213 : FBan0013213 : CT41633 : FBan0013213 31 4.2
CG17917 : FBan0017917 : CT39914 : FBan0017917 31 4.2
CG6315 : FBan0006315 : CT19764 : FBan0006315 31 7.2
CG2212 : FBan0002212 : CT7332 : FBan0002212 30 9.5

>CG7061 : FBan0007061 : CT37683 : FBan0007061
Length = 4337

Score = 264 bits (668), Expect = 2e-70
Identities = 39/581 (6%), Positives = 94/581 (15%), Gaps = 11/581 (1%)

Query: 73
SWLQDCVLSLSPTNDLMVIAREQKAVFLVPKWKYSDKGKEEMQFAVGWSGS
LNVEEGECV 132

analyse/rab3gep.na_gadfly

CG5627 : FBan0005627 : CT17736 : FBan0005627 597 e-170
CG12737 : FBan0012737 : CT39333 : FBan0012737 78 5e-14
CG6939 : FBan0006939 : CT21495 : FBan0006939 73 1e-12
CG7852 : FBan0007852 : CT23804 : FBan0007852 71 5e-12
CG8059 : FBan0008059 : CT8064 : FBan0008059 48 4e-05
CG11936 : FBan0011936 : CT35759 : FBan0011936 34 0.56
CG10979 : FBan0010979 : CT30769 : FBan0010979 34 0.56
CG1070 : FBan0001070 : CT1431 : FBan0001070 32 2.8
CG7832 : FBan0007832 : CT23772 : FBan0007832 32 3.7
CG12485 : FBan0012485 : CT32802 : FBan0012485 31 4.9
CG9806 : FBan0009806 : CT27718 : FBan0009806 31 6.4
CG1794 : FBan0001794 : CT5360 : FBan0001794 31 6.4
CG7147 : FBan0007147 : CT22079 : FBan0007147 31 6.4
CG17378 : FBan0017378 : CT33256 : FBan0017378 31 8.3

analyse/rab4.na_gadfly

CG4921 : FBan0004921 : CT15786 : FBan0004921 331 2e-91
CG4212 : FBan0004212 : CT11521 : FBan0004212 246 1e-65
CG3269 : FBan0003269 : CT9197 : FBan0003269 223 6e-59
CG5771 : FBan0005771 : CT18112 : FBan0005771 173 8e-44
CG3320 : FBan0003320 : CT11153 : FBan0003320 167 6e-42
CG7062 : FBan0007062 : CT21839 : FBan0007062 165 2e-41
CG9100 : FBan0009100 : CT26114 : FBan0009100 164 5e-41
CG8287 : FBan0008287 : CT24527 : FBan0008287 160 6e-40
CG17060 : FBan0017060 : CT35568 : FBan0017060 157 5e-39
CG13638 : FBan0013638 : CT33032 : FBan0013638 156 1e-38
CG2532 : FBan0002532 : CT8469 : FBan0002532 150 7e-37
CG12156 : FBan0012156 : CT8481 : FBan0012156 149 2e-36
CG7576 : FBan0007576 : CT23179 : FBan0007576 148 3e-36
CG14791 : FBan0014791 : CT42172 : FBan0014791 146 1e-35

analyse/rab5.na_gadfly

CG3664 : FBan0003664 : CT12147 : FBan0003664 310 6e-85
CG3320 : FBan0003320 : CT11153 : FBan0003320 168 4e-42
CG6601 : FBan0006601 : CT20524 : FBan0006601 163 9e-41
CG5771 : FBan0005771 : CT18112 : FBan0005771 156 9e-39
CG4212 : FBan0004212 : CT11521 : FBan0004212 155 3e-38
CG17515 : FBan0017515 : CT33382 : FBan0017515 152 1e-37
CG4921 : FBan0004921 : CT15786 : FBan0004921 152 2e-37
CG3269 : FBan0003269 : CT9197 : FBan0003269 150 5e-37
CG8287 : FBan0008287 : CT24527 : FBan0008287 150 7e-37
CG7062 : FBan0007062 : CT21839 : FBan0007062 147 4e-36
CG17060 : FBan0017060 : CT35568 : FBan0017060 144 4e-35
CG3870 : FBan0003870 : CT12899 : FBan0003870 143 7e-35
CG7576 : FBan0007576 : CT23179 : FBan0007576 142 2e-34
CG9100 : FBan0009100 : CT26114 : FBan0009100 139 2e-33

analyse/rab6.na_gadfly

CG6601 : FBan0006601 : CT20524 : FBan0006601 232 9e-62
CG3664 : FBan0003664 : CT12147 : FBan0003664 102 1e-22
CG3269 : FBan0003269 : CT9197 : FBan0003269 100 4e-22
CG7605 : FBan0007605 : CT23121 : FBan0007605 98 2e-21

CG4921 : FBan0004921 : CT15786 : FBan0004921 98 3e-21
CG17060 : FBan0017060 : CT35568 : FBan0017060 98 3e-21
CG8287 : FBan0008287 : CT24527 : FBan0008287 98 3e-21
CG17515 : FBan0017515 : CT33382 : FBan0017515 97 4e-21
CG7062 : FBan0007062 : CT21839 : FBan0007062 95 2e-20
CG7576 : FBan0007576 : CT23179 : FBan0007576 93 8e-20
CG9100 : FBan0009100 : CT26114 : FBan0009100 91 2e-19
CG3320 : FBan0003320 : CT11153 : FBan0003320 90 6e-19
CG4212 : FBan0004212 : CT11521 : FBan0004212 90 7e-19
CG2532 : FBan0002532 : CT8469 : FBan0002532 90 7e-19

analyse/rab7.na_gadfly

CG5915 : FBan0005915 : CT18555 : FBan0005915 336 6e-93
CG9994 : FBan0009994 : CT28167 : FBan0009994 149 1e-36
CG3320 : FBan0003320 : CT11153 : FBan0003320 131 3e-31
CG7062 : FBan0007062 : CT21839 : FBan0007062 128 2e-30
CG5771 : FBan0005771 : CT18112 : FBan0005771 127 4e-30
CG6601 : FBan0006601 : CT20524 : FBan0006601 127 4e-30
CG3664 : FBan0003664 : CT12147 : FBan0003664 126 1e-29
CG14791 : FBan0014791 : CT42172 : FBan0014791 125 2e-29
CG17060 : FBan0017060 : CT35568 : FBan0017060 125 2e-29
CG3269 : FBan0003269 : CT9197 : FBan0003269 125 2e-29
CG8287 : FBan0008287 : CT24527 : FBan0008287 124 4e-29
CG4212 : FBan0004212 : CT11521 : FBan0004212 124 4e-29
CG7605 : FBan0007605 : CT23121 : FBan0007605 124 5e-29
CG9100 : FBan0009100 : CT26114 : FBan0009100 122 1e-28

analyse/rab8.na_gadfly

CG8287 : FBan0008287 : CT24527 : FBan0008287 161 2e-40
CG17060 : FBan0017060 : CT35568 : FBan0017060 131 2e-31
CG13638 : FBan0013638 : CT33032 : FBan0013638 99 7e-22
CG3320 : FBan0003320 : CT11153 : FBan0003320 85 2e-17
CG7576 : FBan0007576 : CT23179 : FBan0007576 85 2e-17
CG7605 : FBan0007605 : CT23121 : FBan0007605 84 3e-17
CG3269 : FBan0003269 : CT9197 : FBan0003269 83 5e-17
CG7062 : FBan0007062 : CT21839 : FBan0007062 76 1e-14
CG1956 : FBan0001956 : CT6117 : FBan0001956 75 2e-14
CG6601 : FBan0006601 : CT20524 : FBan0006601 73 5e-14
CG9575 : FBan0009575 : CT17720 : FBan0009575 73 9e-14
CG2532 : FBan0002532 : CT8469 : FBan0002532 71 2e-13
CG2885 : FBan0002885 : CT6842 : FBan0002885 68 3e-12
CG9100 : FBan0009100 : CT26114 : FBan0009100 68 3e-12

analyse/rab_GDI.na_gadfly

CG4422 : FBan0004422 : CT14400 : FBan0004422 556 e-159
CG8432 : FBan0008432 : CT24497 : FBan0008432 105 7e-23
CG12398 : FBan0012398 : CT26918 : FBan0012398 32 0.73
CG4903 : FBan0004903 : CT15756 : FBan0004903 30 2.8
CG14858 : FBan0014858 : CT34675 : FBan0014858 29 6.4
CG10161 : FBan0010161 : CT28571 : FBan0010161 29 8.3

>CG4422 : FBan0004422 : CT14400 : FBan0004422
Length = 1567

Score = 556 bits (1418), Expect = e-159
Identities = 274/440 (62%), Positives = 336/440 (76%), Gaps = 1/440 (0%)

Query: 1
MDEEYDVIVLGTGLTECILSGIMSVNGKKVLHMDRNPYYGGESSSITPLEELYK
RFQLLE 60

analyse/rabphilin.na_gadfly

CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 326 2e-89
CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 153 3e-37
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 144 2e-34
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 130 3e-30
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 100 4e-21
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 96 7e-20
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 85 2e-16
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 78 2e-14
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 77 3e-14
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 74 3e-13
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 67 4e-11
CG11621 : FBan0011621 : CT41611 : FBan0011621 52 4e-07
CG16976 : FBan0016976 : CT34795 : FBan0016976 50 4e-06
CG7555 : FBan0007555 : CT23113 : FBan0007555 50 6e-06

analyse/ratsec5.na_gadfly

CG8843 : FBan0008843 : CT9189 : FBan0008843 450 e-126
CG11081 : FBan0011081 : CT31011 : FBan0011081 38 0.028
CG15087 : FBan0015087 : CT34962 : FBan0015087 36 0.082
CG2212 : FBan0002212 : CT7332 : FBan0002212 35 0.18
CG7507 : FBan0007507 : CT1433 : FBan0007507 34 0.54
CG7940 : FBan0007940 : CT23942 : FBan0007940 31 2.7
CG10283 : FBan0010283 : CT28883 : FBan0010283 31 2.7
CG12321 : FBan0012321 : CT22227 : FBan0012321 31 2.7
CG16717 : FBan0016717 : CT37199 : FBan0016717 31 4.7

>CG8843 : FBan0008843 : CT9189 : FBan0008843
Length = 2775

Score = 450 bits (1146), Expect = e-126

analyse/rgs7.na_gadfly

CG7095 : FBan0007095 : CT21935 : FBan0007095 66 2e-12
CG9108 : FBan0009108 : CT26134 : FBan0009108 60 1e-10
CG5036 : FBan0005036 : CT16175 : FBan0005036 45 7e-06
CG7050 : FBan0007050 : CT21808 : FBan0007050 25 6.6

>CG7095 : FBan0007095 : CT21935 : FBan0007095
Length = 2169

Score = 66.3 bits (159), Expect = 2e-12
Identities = 29/66 (43%), Positives = 43/66 (64%)

Query: 1
LAVEDLKKRPIREVPSRVQEIWQEFLAPGAPSAINLDSKSYDKTTQNVKEPQRY
TFEDAQ 60
+AV L++ +V +V EI++EFL PGAP IN+D K+ + ++K P R+TF+ A
Sbjct: 1594
IAVNRLRRSAHSQVARKVNEIYEEFLKPGAPCEINIDGKTMESVLKGLKNPSRF
TFDSAS 1773

analyse/rim.na_gadfly

CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 205 2e-52
CG16976 : FBan0016976 : CT34795 : FBan0016976 80 1e-14
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 77 7e-14
CG7301 : FBan0007301 : CT22509 : FBan0007301 73 2e-12
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 71 7e-12
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 68 6e-11
CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 68 6e-11
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 65 3e-10
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 59 3e-08
CG7971 : FBan0007971 : CT41018 : FBan0007971 57 1e-07
CG11621 : FBan0011621 : CT41611 : FBan0011621 54 6e-07
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 53 1e-06
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 51 5e-06
CG7305 : FBan0007305 : CT22513 : FBan0007305 50 1e-05

analyse/rop__sec-18.na_gadfly

CG15811 : FBan0015811 : CT30180 : FBan0015811 712 0.0
CG8228 : FBan0008228 : CT24449 : FBan0008228 99 7e-21
CG3539 : FBan0003539 : CT11906 : FBan0003539 68 2e-11
CG6214 : FBan0006214 : CT37876 : FBan0006214 31 2.9
CG6816 : FBan0006816 : CT20826 : FBan0006816 29 6.6

>CG15811 : FBan0015811 : CT30180 : FBan0015811
Length = 2084

Score = 712 bits (1818), Expect = 0.0
Identities = 355/573 (61%), Positives = 439/573 (75%), Gaps = 14/573 (2%)

Query: 4 IGLKAVVGEKIMHD----------
XXXXXXXXXXXXXXXXDQLSMRMLSSCCKMTD 49
+LK +VG+K+M++ D+L MRM+S+C KM +

analyse/rsec15.na_gadfly

CG7034 : FBan0007034 : CT21769 : FBan0007034 599 e-171
CG14217 : FBan0014217 : CT33830 : FBan0014217 34 0.37
CG17927 : FBan0017927 : CT39920 : FBan0017927 34 0.48
CG3493 : FBan0003493 : CT11783 : FBan0003493 33 0.63
CG6146 : FBan0006146 : CT19284 : FBan0006146 31 4.2
CG7619 : FBan0007619 : CT23251 : FBan0007619 30 5.4
CG9951 : FBan0009951 : CT28015 : FBan0009951 30 5.4

>CG7034 : FBan0007034 : CT21769 : FBan0007034
Length = 2301

Score = 599 bits (1529), Expect = e-171
Identities = 309/777 (39%), Positives = 481/777 (61%), Gaps = 5/777 (0%)

analyse/rsec22.na_gadfly

CG7359 : FBan0007359 : CT22657 : FBan0007359 85 3e-17
CG5794 : FBan0005794 : CT18180 : FBan0005794 32 0.38
CG5252 : FBan0005252 : CT16773 : FBan0005252 31 1.1
CG8585 : FBan0008585 : CT24973 : FBan0008585 30 1.9
CG3680 : FBan0003680 : CT12245 : FBan0003680 28 7.5
CG10076 : FBan0010076 : CT28309 : FBan0010076 28 7.5
CG10718 : FBan0010718 : CT30035 : FBan0010718 27 9.8

>CG7359 : FBan0007359 : CT22657 : FBan0007359
Length = 2073

Score = 85.4 bits (208), Expect = 3e-17
Identities = 50/141 (35%), Positives = 84/141 (59%), Gaps = 5/141 (3%)

analyse/sec10.na_gadfly

CG6159 : FBan0006159 : CT19340 : FBan0006159 570 e-162
CG12047 : FBan0012047 : CT3445 : FBan0012047 36 0.081
CG6057 : FBan0006057 : CT18959 : FBan0006057 34 0.24
CG15792 : FBan0015792 : CT9199 : FBan0015792 32 1.2
CG13777 : FBan0013777 : CT33265 : FBan0013777 32 1.6
CG8609 : FBan0008609 : CT14556 : FBan0008609 31 2.1
CG17100 : FBan0017100 : CT34464 : FBan0017100 31 2.7
CG3872 : FBan0003872 : CT12859 : FBan0003872 30 6.1
CG10543 : FBan0010543 : CT29580 : FBan0010543 30 6.1
CG6129 : FBan0006129 : CT19231 : FBan0006129 30 6.1
CG14109 : FBan0014109 : CT33704 : FBan0014109 29 8.0
CG18242 : FBan0018242 : CT41301 : FBan0018242 29 8.0

>CG6159 : FBan0006159 : CT19340 : FBan0006159

analyse/sec14.na_gadfly

CG9528 : FBan0009528 : CT26960 : FBan0009528 326 e-158
CG13893 : FBan0013893 : CT33427 : FBan0013893 125 1e-28
CG10727 : FBan0010727 : CT30067 : FBan0010727 53 6e-07
CG5958 : FBan0005958 : CT18689 : FBan0005958 53 8e-07
CG2159 : FBan0002159 : CT2650 : FBan0002159 52 2e-06

CG10546 : FBan0010546 : CT29578 : FBan0010546 39 0.013
CG3091 : FBan0003091 : CT9997 : FBan0003091 38 0.028
CG6811 : FBan0006811 : CT21115 : FBan0006811 32 0.94
CG8528 : FBan0008528 : CT14109 : FBan0008528 31 2.1
CG3534 : FBan0003534 : CT11741 : FBan0003534 31 3.6
CG16941 : FBan0016941 : CT37570 : FBan0016941 31 3.6
CG14366 : FBan0014366 : CT34002 : FBan0014366 29 8.2

>CG9528 : FBan0009528 : CT26960 : FBan0009528

analyse/shibire___dynamin.na_gadfly

CG18102 : FBan0018102 : CT40657 : FBan0018102 1021 0.0
CG3210 : FBan0003210 : CT42400 : FBan0003210 448 e-126
CG8479 : FBan0008479 : CT24795 : FBan0008479 115 1e-25
CG4064 : FBan0004064 : CT13502 : FBan0004064 32 1.9
CG8434 : FBan0008434 : CT19706 : FBan0008434 31 4.3
CG11180 : FBan0011180 : CT31238 : FBan0011180 30 7.4

>CG18102 : FBan0018102 : CT40657 : FBan0018102
Length = 3808

Score = 1021 bits (2611), Expect = 0.0
Identities = 509/708 (71%), Positives = 596/708 (83%), Gaps = 5/708 (0%)

Query: 6
MEDLIPLVNRLQDAFSAIGQNADLDLPQIAVVGGQSAGKSSVLENFVGRDFLP
RGSGIVT 65

analyse/snapin.na_gadfly

CG9958 : FBan0009958 : CT28075 : FBan0009958 82 2e-16
CG4126 : FBan0004126 : CT13678 : FBan0004126 34 0.054
CG7507 : FBan0007507 : CT1433 : FBan0007507 31 0.28
CG17785 : FBan0017785 : CT33004 : FBan0017785 30 0.81
CG17866 : FBan0017866 : CT39734 : FBan0017866 29 1.8
CG9892 : FBan0009892 : CT27862 : FBan0009892 28 3.1
CG4356 : FBan0004356 : CT14234 : FBan0004356 26 9.2
CG9384 : FBan0009384 : CT26627 : FBan0009384 26 9.2

>CG9958 : FBan0009958 : CT28075 : FBan0009958
Length = 405

Score = 81.9 bits (199), Expect = 2e-16
Identities = 41/107 (38%), Positives = 66/107 (61%)

analyse/synapsin2.na_gadfly

CG3985 : FBan0003985 : CT13210 : FBan0003985 175 9e-44
CG10501 : FBan0010501 : CT29468 : FBan0010501 30 4.9

>CG3985 : FBan0003985 : CT13210 : FBan0003985
Length = 3666

Score = 175 bits (438), Expect = 9e-44
Identities = 86/191 (45%), Positives = 125/191 (65%), Gaps = 9/191 (4%)

Query: 250
QTYYPNHREMLTLPTFPVVVKIGHAHSGMGKVKVENHYDFQDIASVVAL----
TQTYATA 305
+T++ + FP V+K GH H G+ ++EN QD A+V+ + Y T
Sbjct: 844
ETFFLSVHLQPQFTKFPSVLKAGHCHGGVATARLENQSALQDAAGLVSGAGN
DSHCYCTI 1023

Query: 306
EPFIDAKYDIRVQKIGNNYKAYMRTSISGNWKTNTGSAMLEQIAMSDRYKLW
VDACSEMF 365

analyse/synapsin3.na_gadfly

CG3985 : FBan0003985 : CT13210 : FBan0003985 175 7e-44
CG9660 : FBan0009660 : CT42384 : FBan0009660 33 0.43
CG9734 : FBan0009734 : CT27492 : FBan0009734 32 0.74
CG7177 : FBan0007177 : CT22173 : FBan0007177 31 2.2
CG14106 : FBan0014106 : CT33699 : FBan0014106 30 3.7
CG11203 : FBan0011203 : CT31294 : FBan0011203 30 3.7
CG5520 : FBan0005520 : CT17486 : FBan0005520 30 4.9

>CG3985 : FBan0003985 : CT13210 : FBan0003985
Length = 3666

Score = 175 bits (439), Expect = 7e-44
Identities = 83/179 (46%), Positives = 118/179 (65%), Gaps = 4/179 (2%)

analyse/synapsin1.na_gadfly

CG3985 : FBan0003985 : CT13210 : FBan0003985 174 1e-43
CG5794 : FBan0005794 : CT18180 : FBan0005794 29 7.9

>CG3985 : FBan0003985 : CT13210 : FBan0003985
Length = 3666

Score = 174 bits (437), Expect = 1e-43
Identities = 82/180 (45%), Positives = 119/180 (65%), Gaps = 5/180 (2%)

Query: 249
QTFYPNHKEMLSSTTYPVVVKMGHAHSGMGKVKVDNQHDFQDIASVVAL----
TKTYATA 304
+TF++ T +P V+K GH H G+ +++NQ QD A+V+ + Y T
Sbjct: 844
ETFFLSVHLQPQFTKFPSVLKAGHCHGGVATARLENQSALQDAAGLVSGAGN
DSHCYCTI 1023

Query: 305
EPFIDAKYDVRVQKIGQNYKAYMRTSVSGNWKTNTGSAMLEQIAMSDRYKL
WVDTCSEIF 364

analyse/synapsinJ_2.na_gadfly

CG3985 : FBan0003985 : CT13210 : FBan0003985 174 1e-43
CG5794 : FBan0005794 : CT18180 : FBan0005794 29 7.9

>CG3985 : FBan0003985 : CT13210 : FBan0003985
Length = 3666

Score = 174 bits (437), Expect = 1e-43
Identities = 82/180 (45%), Positives = 119/180 (65%), Gaps = 5/180 (2%)

Query: 249
QTFYPNHKEMLSSTTYPVVVKMGHAHSGMGKVKVDNQHDFQDIASVVAL----
TKTYATA 304
+TF++ T +P V+K GH H G+ +++NQ QD A+V+ + Y T
Sbjct: 844
ETFFLSVHLQPQFTKFPSVLKAGHCHGGVATARLENQSALQDAAGLVSGAGN
DSHCYCTI 1023

Query: 305
EPFIDAKYDVRVQKIGQNYKAYMRTSVSGNWKTNTGSAMLEQIAMSDRYKL
WVDTCSEIF 364

analyse/synaptogyrin2.na_gadfly

CG10808 : FBan0010808 : CT30284 : FBan0010808 114 5e-26
CG2206 : FBan0002206 : CT7298 : FBan0002206 28 6.9
CG8986 : FBan0008986 : CT25838 : FBan0008986 27 9.1
CG9411 : FBan0009411 : CT26700 : FBan0009411 27 9.1

>CG10808 : FBan0010808 : CT30284 : FBan0010808
Length = 1258

Score = 114 bits (283), Expect = 5e-26
Identities = 64/197 (32%), Positives = 103/197 (51%), Gaps = 6/197 (3%)

Query: 24
SFDLRRYVSQPQVVTRLVSMVLALIVFSCIFGEGYINLHSSDQLHCVFNRNEDA
CRYGSA 83
+FD + +PQVV R + + +++VF CI EG+ + +C++N + AC+YG+
Sbjct: 502 AFDPLTFAMKPQVVIRALCWLFSVVVFGCISSEGWTEKDGKE--
YCLYNGDGMACKYGNM 675

analyse/synaptogyrin3.na_gadfly

CG10808 : FBan0010808 : CT30284 : FBan0010808 119 1e-27
CG7507 : FBan0007507 : CT1433 : FBan0007507 30 1.3
CG15603 : FBan0015603 : CT35730 : FBan0015603 28 5.2
CG7129 : FBan0007129 : CT22037 : FBan0007129 27 8.9

>CG10808 : FBan0010808 : CT30284 : FBan0010808
Length = 1258

Score = 119 bits (296), Expect = 1e-27
Identities = 71/214 (33%), Positives = 112/214 (52%), Gaps = 9/214 (4%)

Query: 16
DPVSFARRPQTLLRVVSWVFSIAVFGPIVNEGYVNSDSGPELRCVFNGNAGAC
RPGVVLG 75
DP++FA +PQ ++R + W+FS+ VFG I +EG+ D G E C++NG+ AC++G +G
Sbjct: 508 DPLTFAMKPQVVIRALCWLFSVVVFGCISSEGWTEKD-GKEY-
CLYNGDGMACKYGNMVG 681

analyse/synaptogyrin4.na_gadfly

CG10808 : FBan0010808 : CT30284 : FBan0010808 82 5e-16
CG6967 : FBan0006967 : CT21565 : FBan0006967 32 0.46
CG4114 : FBan0004114 : CT13612 : FBan0004114 30 1.4
CG3001 : FBan0003001 : CT4281 : FBan0003001 29 4.0
CG5445 : FBan0005445 : CT17264 : FBan0005445 28 5.2
CG1609 : FBan0001609 : CT4285 : FBan0001609 28 5.2
CG9665 : FBan0009665 : CT27326 : FBan0009665 28 6.8
CG17902 : FBan0017902 : CT39861 : FBan0017902 27 9.0
CG5735 : FBan0005735 : CT17898 : FBan0005735 27 9.0
CG9660 : FBan0009660 : CT42384 : FBan0009660 27 9.0
CG12138 : FBan0012138 : CT7814 : FBan0012138 27 9.0
CG17450 : FBan0017450 : CT34184 : FBan0017450 27 9.0

>CG10808 : FBan0010808 : CT30284 : FBan0010808

analyse/synaptogyrinI.na_gadfly

CG10808 : FBan0010808 : CT30284 : FBan0010808 101 6e-22
CG3001 : FBan0003001 : CT4281 : FBan0003001 30 1.4
CG9674 : FBan0009674 : CT40689 : FBan0009674 28 6.8

>CG10808 : FBan0010808 : CT30284 : FBan0010808
Length = 1258

Score = 101 bits (248), Expect = 6e-22
Identities = 56/175 (32%), Positives = 85/175 (48%)

Query: 15
FDPYTLVRQPHTILRVVSWVFSIVVFGSIVNEGYLNNPXXXXXPCIYNRNPNAC
SYGVTV 74
FDP T +P ++R + W+FS+VVFG I +EG+ +C+YN + AC YG V
Sbjct: 505 FDPLTFAMKPQVVIRALCWLFSVVVFGCISSEGWTEKDGKE--
YCLYNGDGMACKYGNMV 678

analyse/synaptojanin.na_gadfly

CG6562 : FBan0006562 : CT20209 : FBan0006562 1091 0.0
CG7956 : FBan0007956 : CT23963 : FBan0007956 196 7e-50
CG9128 : FBan0009128 : CT8117 : FBan0009128 180 4e-45
CG3573 : FBan0003573 : CT11908 : FBan0003573 173 5e-43
CG6805 : FBan0006805 : CT21099 : FBan0006805 144 3e-34
CG9784 : FBan0009784 : CT27664 : FBan0009784 139 1e-32
CG17840 : FBan0017840 : CT39638 : FBan0017840 138 3e-32
CG10426 : FBan0010426 : CT29270 : FBan0010426 132 2e-30
CG10625 : FBan0010625 : CT29764 : FBan0010625 40 0.008
CG15021 : FBan0015021 : CT34875 : FBan0015021 40 0.008
CG10309 : FBan0010309 : CT28957 : FBan0010309 38 0.052
CG7875 : FBan0007875 : CT7074 : FBan0007875 37 0.089
CG13214 : FBan0013214 : CT32458 : FBan0013214 37 0.089
CG8677 : FBan0008677 : CT5294 : FBan0008677 36 0.12

analyse/synaptojanin2.na_gadfly

CG6562 : FBan0006562 : CT20209 : FBan0006562 849 0.0
CG7956 : FBan0007956 : CT23963 : FBan0007956 182 2e-45
CG3573 : FBan0003573 : CT11908 : FBan0003573 178 2e-44
CG9128 : FBan0009128 : CT8117 : FBan0009128 164 4e-40
CG6805 : FBan0006805 : CT21099 : FBan0006805 163 9e-40
CG9784 : FBan0009784 : CT27664 : FBan0009784 133 7e-31
CG17840 : FBan0017840 : CT39638 : FBan0017840 127 4e-29
CG10426 : FBan0010426 : CT29270 : FBan0010426 125 2e-28
CG10295 : FBan0010295 : CT40904 : FBan0010295 33 1.3
CG3361 : FBan0003361 : CT11263 : FBan0003361 31 5.0
CG7683 : FBan0007683 : CT23189 : FBan0007683 31 8.5
CG12781 : FBan0012781 : CT36793 : FBan0012781 31 8.5

>CG6562 : FBan0006562 : CT20209 : FBan0006562

analyse/synaptophysin.na_gadfly

CG6562 : FBan0006562 : CT20209 : FBan0006562 467 e-131
CG7956 : FBan0007956 : CT23963 : FBan0007956 157 3e-38
CG9128 : FBan0009128 : CT8117 : FBan0009128 147 3e-35
CG17840 : FBan0017840 : CT39638 : FBan0017840 127 3e-29
CG12781 : FBan0012781 : CT36793 : FBan0012781 31 5.6
CG8226 : FBan0008226 : CT8589 : FBan0008226 31 5.6

>CG6562 : FBan0006562 : CT20209 : FBan0006562
Length = 3858

Score = 467 bits (1190), Expect = e-131
Identities = 242/423 (57%), Positives = 307/423 (72%), Gaps = 14/423 (3%)

Query: 1 MAFSKGFRIYHK-
LDPPPFSLIVETRHKEECLMFESGAVAVLSSAEKEAIKGTYAKVLDA 59

analyse/synaptoporin.na_gadfly

CG6562 : FBan0006562 : CT20209 : FBan0006562 231 1e-60
CG17840 : FBan0017840 : CT39638 : FBan0017840 42 7e-04
CG11561 : FBan0011561 : CT9095 : FBan0011561 37 0.031
CG7956 : FBan0007956 : CT23963 : FBan0007956 35 0.092
CG15104 : FBan0015104 : CT34979 : FBan0015104 29 6.9

>CG6562 : FBan0006562 : CT20209 : FBan0006562
Length = 3858

Score = 231 bits (582), Expect = 1e-60
Identities = 115/210 (54%), Positives = 156/210 (73%), Gaps = 9/210 (4%)

Query: 1 MAFSKGFRIYHK-
LDPPPFSLIVETRHKEECLMFESGAVAVLSSAEKEAIKGTYAKVLDA 59
MA SK R+ K + P P S++E R+K + ++FES AVA+L+ E + I+ Y KV DA

analyse/synaptotagmin10.na_gadfly

CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 253 2e-67
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 215 5e-56
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 174 1e-43
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 155 8e-38
CG10617 : FBan0010617 : CT29744 : FBan0010617 122 4e-28
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 111 8e-25
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 104 1e-22
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 82 9e-16
CG8608 : FBan0008608 : CT14550 : FBan0008608 66 6e-11
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 61 2e-09
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 61 2e-09
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 60 3e-09
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 56 6e-08
CG2999 : FBan0002999 : CT10103 : FBan0002999 50 4e-06

analyse/synaptotagmin11.na_gadfly

CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 234 7e-62
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 225 4e-59
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 137 1e-32
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 136 2e-32
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 110 1e-24
CG10617 : FBan0010617 : CT29744 : FBan0010617 110 1e-24
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 99 6e-21
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 98 8e-21
CG10047 : FBan0010047 : CT8401 : FBan0010047 75 1e-13
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 68 2e-11
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 58 1e-08
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 57 3e-08
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 52 7e-07
CG7555 : FBan0007555 : CT23113 : FBan0007555 49 5e-06

analyse/synaptotagmin2.na_gadfly

CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 404 e-113
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 251 7e-67
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 175 4e-44
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 166 2e-41
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 131 9e-31
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 129 4e-30

CG10617 : FBan0010617 : CT29744 : FBan0010617 125 5e-29
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 118 6e-27
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 78 1e-14
CG11621 : FBan0011621 : CT41611 : FBan0011621 72 8e-13
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 68 1e-11
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 65 7e-11
CG8608 : FBan0008608 : CT14550 : FBan0008608 60 3e-09
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 59 7e-09

analyse/synaptotagmin3.na_gadfly

CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 280 2e-75
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 221 8e-58
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 182 5e-46
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 168 1e-41
CG10617 : FBan0010617 : CT29744 : FBan0010617 138 1e-32
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 130 2e-30
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 127 2e-29
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 99 9e-21
CG8608 : FBan0008608 : CT14550 : FBan0008608 76 6e-14
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 76 7e-14
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 67 3e-11
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 63 4e-10
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 62 1e-09
CG11621 : FBan0011621 : CT41611 : FBan0011621 60 4e-09

analyse/synaptotagmin4.na_gadfly

CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 230 1e-60
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 229 3e-60
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 134 8e-32
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 127 1e-29
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 113 2e-25
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 111 1e-24
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 108 6e-24
CG10617 : FBan0010617 : CT29744 : FBan0010617 95 7e-20
CG10047 : FBan0010047 : CT8401 : FBan0010047 66 4e-11
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 64 2e-10
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 57 2e-08
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 56 4e-08
CG11621 : FBan0011621 : CT41611 : FBan0011621 54 2e-07
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 53 4e-07

analyse/synaptotagmin5.na_gadfly

CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 362 e-100
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 218 6e-57
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 163 2e-40
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 153 2e-37
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 121 7e-28
CG10617 : FBan0010617 : CT29744 : FBan0010617 100 1e-21
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 100 2e-21
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 85 9e-17
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 78 1e-14
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 68 1e-11
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 62 8e-10
CG8608 : FBan0008608 : CT14550 : FBan0008608 58 9e-09
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 55 6e-08
CG6454 : FBan0006454 : CT20106 : FBan0006454 49 6e-06

analyse/synaptotagmin6.na_gadfly

CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 269 3e-72
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 238 6e-63
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 174 1e-43
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 171 7e-43
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 127 1e-29
CG10617 : FBan0010617 : CT29744 : FBan0010617 124 1e-28
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 111 8e-25
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 99 6e-21
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 71 1e-12
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 62 1e-09
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 61 1e-09
CG8608 : FBan0008608 : CT14550 : FBan0008608 61 2e-09
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 59 5e-09
CG11621 : FBan0011621 : CT41611 : FBan0011621 56 6e-08

analyse/synaptotagmin7.na_gadfly

CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 312 3e-85
CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 252 2e-67
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 135 4e-32
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 131 8e-31
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 126 2e-29
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 106 3e-23
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 103 2e-22
CG10617 : FBan0010617 : CT29744 : FBan0010617 92 6e-19
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 77 2e-14
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 69 4e-12
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 69 6e-12
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 68 8e-12
CG7555 : FBan0007555 : CT23113 : FBan0007555 61 2e-09
CG6454 : FBan0006454 : CT20106 : FBan0006454 58 9e-09

analyse/synaptotagmin8.na_gadfly

CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 231 6e-61
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 136 3e-32
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 128 7e-30
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 108 9e-24
CG10617 : FBan0010617 : CT29744 : FBan0010617 99 3e-21
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 84 1e-16
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 76 4e-14
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 62 5e-10
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 44 1e-04
CG10047 : FBan0010047 : CT8401 : FBan0010047 38 0.015

CG14476 : FBan0014476 : CT34183 : FBan0014476 31 1.1
CG16976 : FBan0016976 : CT34795 : FBan0016976 31 1.9
CG5522 : FBan0005522 : CT17188 : FBan0005522 30 3.3
CG4200 : FBan0004200 : CT13842 : FBan0004200 29 4.3

analyse/synaptotagmin9.na_gadfly

CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 342 2e-94
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 203 2e-52
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 149 2e-36
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 141 9e-34
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 109 3e-24
CG10617 : FBan0010617 : CT29744 : FBan0010617 96 4e-20
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 88 8e-18
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 71 2e-12
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 62 4e-10
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 58 1e-08
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 56 3e-08
CG10047 : FBan0010047 : CT8401 : FBan0010047 50 2e-06
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 48 1e-05
CG8608 : FBan0008608 : CT14550 : FBan0008608 47 2e-05

analyse/synaptotagmin1.na_gadfly

CG3139 : FBan0003139 : CT42394 : FBan0003139 404 e-113
CG2381 : FBan0002381 : CT7930 : FBan0002381 236 2e-62
CG3020 : FBan0003020 : CT10124 : FBan0003020 165 5e-41
CG5559 : FBan0005559 : CT17582 : FBan0005559 163 2e-40
CG11556 : FBan0011556 : CT36476 : FBan0011556 127 2e-29
CG7343 : FBan0007343 : CT22617 : FBan0007343 123 2e-28
CG9778 : FBan0009778 : CT27629 : FBan0009778 112 4e-25
CG10617 : FBan0010617 : CT29744 : FBan0010617 111 1e-24
CG6518 : FBan0006518 : CT20233 : FBan0006518 75 9e-14
CG7321 : FBan0007321 : CT22533 : FBan0007321 65 7e-11
CG11621 : FBan0011621 : CT41611 : FBan0011621 64 1e-10
CG6643 : FBan0006643 : CT20638 : FBan0006643 64 2e-10
CG6622 : FBan0006622 : CT42082 : FBan0006622 64 2e-10
CG8608 : FBan0008608 : CT14550 : FBan0008608 59 4e-09

analyse/syncollin.na_gadfly

CG11425 : FBan0011425 : CT21215 : FBan0011425 29 1.3
CG10989 : FBan0010989 : CT28741 : FBan0010989 29 1.3
CG13003 : FBan0013003 : CT32210 : FBan0013003 28 2.9
CG6511 : FBan0006511 : CT20273 : FBan0006511 28 2.9
CG7864 : FBan0007864 : CT23816 : FBan0007864 28 3.8
CG13211 : FBan0013211 : CT41165 : FBan0013211 27 5.0
CG8815 : FBan0008815 : CT41804 : FBan0008815 27 5.0
CG16965 : FBan0016965 : CT34775 : FBan0016965 27 5.0
CG4841 : FBan0004841 : CT15547 : FBan0004841 27 5.0
CG4700 : FBan0004700 : CT42076 : FBan0004700 27 6.5
CG10889 : FBan0010889 : CT14354 : FBan0010889 27 6.5
CG12606 : FBan0012606 : CT34874 : FBan0012606 27 8.5
CG11348 : FBan0011348 : CT31654 : FBan0011348 27 8.5
CG12505 : FBan0012505 : CT33488 : FBan0012505 27 8.5

analyse/syndapin.na_gadfly

CG15694 : FBan0015694 : CT35895 : FBan0015694 340 1e-93
CG10083 : FBan0010083 : CT28375 : FBan0010083 59 8e-09
CG3849 : FBan0003849 : CT12865 : FBan0003849 55 1e-07
CG4684 : FBan0004684 : CT15077 : FBan0004684 52 6e-07
CG3637 : FBan0003637 : CT12161 : FBan0003637 52 1e-06
CG6757 : FBan0006757 : CT20989 : FBan0006757 49 5e-06
CG7129 : FBan0007129 : CT22037 : FBan0007129 49 7e-06
CG4032 : FBan0004032 : CT13380 : FBan0004032 48 9e-06
CG1099 : FBan0001099 : CT1515 : FBan0001099 48 9e-06
CG11316 : FBan0011316 : CT31585 : FBan0011316 48 9e-06
CG8604 : FBan0008604 : CT25009 : FBan0008604 48 1e-05
CG6521 : FBan0006521 : CT20283 : FBan0006521 48 1e-05
CG9749 : FBan0009749 : CT27553 : FBan0009749 46 3e-05
CG5143 : FBan0005143 : CT16345 : FBan0005143 45 1e-04

analyse/syndapin2.na_gadfly

CG15694 : FBan0015694 : CT35895 : FBan0015694 392 e-109
CG10083 : FBan0010083 : CT28375 : FBan0010083 73 5e-13
CG3849 : FBan0003849 : CT12865 : FBan0003849 60 3e-09
CG8604 : FBan0008604 : CT25009 : FBan0008604 57 3e-08
CG3637 : FBan0003637 : CT12161 : FBan0003637 56 4e-08
CG6521 : FBan0006521 : CT20283 : FBan0006521 55 1e-07
CG4040 : FBan0004040 : CT13364 : FBan0004040 54 2e-07
CG4684 : FBan0004684 : CT15077 : FBan0004684 51 1e-06
CG6757 : FBan0006757 : CT20989 : FBan0006757 50 2e-06
CG9749 : FBan0009749 : CT27553 : FBan0009749 47 3e-05
CG7129 : FBan0007129 : CT22037 : FBan0007129 46 5e-05
CG1099 : FBan0001099 : CT1515 : FBan0001099 46 6e-05
CG3727 : FBan0003727 : CT42218 : FBan0003727 46 6e-05
CG7524 : FBan0007524 : CT40878 : FBan0007524 45 8e-05

analyse/syntaphilin.na_gadfly

CG14039 : FBan0014039 : CT33598 : FBan0014039 36 0.046
CG5300 : FBan0005300 : CT16873 : FBan0005300 36 0.079
CG12734 : FBan0012734 : CT2162 : FBan0012734 36 0.079
CG10701 : FBan0010701 : CT5981 : FBan0010701 35 0.10
CG13961 : FBan0013961 : CT33513 : FBan0013961 34 0.23
CG14200 : FBan0014200 : CT33813 : FBan0014200 34 0.31
CG10541 : FBan0010541 : CT25571 : FBan0010541 32 0.69
CG10625 : FBan0010625 : CT29764 : FBan0010625 32 0.90
CG10042 : FBan0010042 : CT28263 : FBan0010042 32 1.2
CG10077 : FBan0010077 : CT28357 : FBan0010077 32 1.2
CG1817 : FBan0001817 : CT4920 : FBan0001817 32 1.2
CG17393 : FBan0017393 : CT38403 : FBan0017393 32 1.2
CG17046 : FBan0017046 : CT37817 : FBan0017046 31 1.5
CG6949 : FBan0006949 : CT21531 : FBan0006949 31 2.0

analyse/syntaxin10.na_gadfly

CG7736 : FBan0007736 : CT41649 : FBan0007736 108 5e-24
CG14084 : FBan0014084 : CT33673 : FBan0014084 32 0.28
CG4898 : FBan0004898 : CT15051 : FBan0004898 31 1.1
CG4831 : FBan0004831 : CT15516 : FBan0004831 30 1.4
CG18408 : FBan0018408 : CT41864 : FBan0018408 29 2.4
CG3064 : FBan0003064 : CT10298 : FBan0003064 28 5.4
CG3445 : FBan0003445 : CT11601 : FBan0003445 28 5.4
CG17466 : FBan0017466 : CT29148 : FBan0017466 28 7.0
CG11278 : FBan0011278 : CT31479 : FBan0011278 27 9.2
CG3410 : FBan0003410 : CT11463 : FBan0003410 27 9.2
CG4433 : FBan0004433 : CT14422 : FBan0004433 27 9.2
CG17732 : FBan0017732 : CT39307 : FBan0017732 27 9.2

>CG7736 : FBan0007736 : CT41649 : FBan0007736

analyse/syntaxin11.na_gadfly

CG5448 : FBan0005448 : CT17276 : FBan0005448 135 4e-32
CG2715 : FBan0002715 : CT9233 : FBan0002715 57 2e-08
CG10609 : FBan0010609 : CT29730 : FBan0010609 33 0.25
CG7452 : FBan0007452 : CT8046 : FBan0007452 32 0.33
CG3532 : FBan0003532 : CT11878 : FBan0003532 31 0.96
CG11776 : FBan0011776 : CT32617 : FBan0011776 30 2.2
CG6210 : FBan0006210 : CT19470 : FBan0006210 30 2.2
CG4144 : FBan0004144 : CT13694 : FBan0004144 28 8.3

>CG5448 : FBan0005448 : CT17276 : FBan0005448
Length = 3661

Score = 135 bits (336), Expect = 4e-32
Identities = 74/271 (27%), Positives = 148/271 (54%)

analyse/syntaxin12.na_gadfly

CG5081 : FBan0005081 : CT16295 : FBan0005081 135 2e-32
CG11278 : FBan0011278 : CT31479 : FBan0011278 106 2e-23
CG1467 : FBan0001467 : CT3578 : FBan0001467 67 1e-11
CG2715 : FBan0002715 : CT9233 : FBan0002715 51 7e-07
CG6129 : FBan0006129 : CT19231 : FBan0006129 39 0.003
CG11850 : FBan0011850 : CT36990 : FBan0011850 36 0.026
CG11448 : FBan0011448 : CT36231 : FBan0011448 36 0.034
CG3532 : FBan0003532 : CT11878 : FBan0003532 34 0.076
CG4013 : FBan0004013 : CT4722 : FBan0004013 33 0.17
CG1842 : FBan0001842 : CT5614 : FBan0001842 33 0.17
CG11915 : FBan0011915 : CT37088 : FBan0011915 33 0.22
CG17387 : FBan0017387 : CT34433 : FBan0017387 32 0.29
CG2839 : FBan0002839 : CT9664 : FBan0002839 32 0.29
CG12213 : FBan0012213 : CT11285 : FBan0012213 32 0.38

analyse/syntaxin13.na_gadfly

CG5081 : FBan0005081 : CT16295 : FBan0005081 139 2e-33
CG11278 : FBan0011278 : CT31479 : FBan0011278 113 1e-25
CG1467 : FBan0001467 : CT3578 : FBan0001467 67 1e-11
CG2715 : FBan0002715 : CT9233 : FBan0002715 51 7e-07
CG6129 : FBan0006129 : CT19231 : FBan0006129 39 0.003
CG11448 : FBan0011448 : CT36231 : FBan0011448 36 0.033
CG11850 : FBan0011850 : CT36990 : FBan0011850 35 0.043
CG3532 : FBan0003532 : CT11878 : FBan0003532 34 0.074
CG4013 : FBan0004013 : CT4722 : FBan0004013 33 0.17
CG1842 : FBan0001842 : CT5614 : FBan0001842 33 0.17
CG11915 : FBan0011915 : CT37088 : FBan0011915 33 0.22
CG17387 : FBan0017387 : CT34433 : FBan0017387 32 0.29
CG2839 : FBan0002839 : CT9664 : FBan0002839 32 0.29
CG3294 : FBan0003294 : CT11045 : FBan0003294 32 0.37

analyse/syntaxin16.na_gadfly

CG1467 : FBan0001467 : CT3578 : FBan0001467 185 3e-47
CG5448 : FBan0005448 : CT17276 : FBan0005448 64 9e-11
CG5081 : FBan0005081 : CT16295 : FBan0005081 62 4e-10
CG2715 : FBan0002715 : CT9233 : FBan0002715 55 4e-08
CG11278 : FBan0011278 : CT31479 : FBan0011278 53 3e-07
CG4214 : FBan0004214 : CT13820 : FBan0004214 43 2e-04
CG1977 : FBan0001977 : CT41026 : FBan0001977 30 1.8
CG18402 : FBan0018402 : CT19952 : FBan0018402 30 1.8
CG6875 : FBan0006875 : CT21290 : FBan0006875 29 4.0
CG11513 : FBan0011513 : CT36381 : FBan0011513 29 4.0
CG1441 : FBan0001441 : CT3453 : FBan0001441 28 6.8

>CG1467 : FBan0001467 : CT3578 : FBan0001467
Length = 1128

analyse/syntaxin17.na_gadfly

CG7452 : FBan0007452 : CT8046 : FBan0007452 87 1e-17
CG11278 : FBan0011278 : CT31479 : FBan0011278 42 4e-04
CG4147 : FBan0004147 : CT5938 : FBan0004147 33 0.20
CG10648 : FBan0010648 : CT5120 : FBan0010648 31 1.3
CG9044 : FBan0009044 : CT25972 : FBan0009044 30 2.3
CG12008 : FBan0012008 : CT1525 : FBan0012008 29 3.0
CG13366 : FBan0013366 : CT40290 : FBan0013366 29 3.0
CG4931 : FBan0004931 : CT15834 : FBan0004931 29 3.0
CG4064 : FBan0004064 : CT13502 : FBan0004064 29 3.9
CG7624 : FBan0007624 : CT23263 : FBan0007624 29 3.9
CG6569 : FBan0006569 : CT20440 : FBan0006569 29 5.1

>CG7452 : FBan0007452 : CT8046 : FBan0007452
Length = 1233

(12)

analyse/syntaxin1A.na_gadfly

CG5448 : FBan0005448 : CT17276 : FBan0005448 368 e-102
CG2715 : FBan0002715 : CT9233 : FBan0002715 88 5e-18
CG1467 : FBan0001467 : CT3578 : FBan0001467 58 6e-09
CG11278 : FBan0011278 : CT31479 : FBan0011278 55 7e-08
CG6392 : FBan0006392 : CT19928 : FBan0006392 42 5e-04
CG4925 : FBan0004925 : CT15754 : FBan0004925 37 0.016
CG13889 : FBan0013889 : CT33422 : FBan0013889 34 0.081
CG8176 : FBan0008176 : CT24387 : FBan0008176 34 0.081
CG9279 : FBan0009279 : CT26433 : FBan0009279 34 0.11
CG18304 : FBan0018304 : CT41547 : FBan0018304 34 0.11
CG15655 : FBan0015655 : CT35839 : FBan0015655 34 0.11
CG3493 : FBan0003493 : CT11783 : FBan0003493 32 0.41
CG11081 : FBan0011081 : CT31011 : FBan0011081 31 0.71
CG5695 : FBan0005695 : CT17772 : FBan0005695 31 0.71

analyse/syntaxin1B.na_gadfly

CG5448 : FBan0005448 : CT17276 : FBan0005448 354 3e-98
CG2715 : FBan0002715 : CT9233 : FBan0002715 83 2e-16
CG1467 : FBan0001467 : CT3578 : FBan0001467 64 1e-10
CG11278 : FBan0011278 : CT31479 : FBan0011278 62 4e-10
CG6392 : FBan0006392 : CT19928 : FBan0006392 38 0.006
CG4925 : FBan0004925 : CT15754 : FBan0004925 38 0.006
CG18304 : FBan0018304 : CT41547 : FBan0018304 38 0.007
CG12213 : FBan0012213 : CT11285 : FBan0012213 38 0.010
CG1931 : FBan0001931 : CT5969 : FBan0001931 38 0.010
CG17177 : FBan0017177 : CT38112 : FBan0017177 36 0.021
CG16711 : FBan0016711 : CT37191 : FBan0016711 36 0.021
CG6582 : FBan0006582 : CT20430 : FBan0006582 34 0.11
CG6340 : FBan0006340 : CT38120 : FBan0006340 32 0.55
CG3064 : FBan0003064 : CT10298 : FBan0003064 32 0.55

analyse/syntaxin2.na_gadfly

CG5448 : FBan0005448 : CT17276 : FBan0005448 291 3e-79
CG2715 : FBan0002715 : CT9233 : FBan0002715 66 3e-11
CG11278 : FBan0011278 : CT31479 : FBan0011278 39 0.003
CG10212 : FBan0010212 : CT28721 : FBan0010212 34 0.11
CG1503 : FBan0001503 : CT3763 : FBan0001503 33 0.25
CG1988 : FBan0001988 : CT6344 : FBan0001988 31 1.3
CG9587 : FBan0009587 : CT27064 : FBan0009587 29 3.7
CG8176 : FBan0008176 : CT24387 : FBan0008176 28 6.4
CG14172 : FBan0014172 : CT33776 : FBan0014172 28 8.4
CG17927 : FBan0017927 : CT39920 : FBan0017927 28 8.4
CG6735 : FBan0006735 : CT20566 : FBan0006735 28 8.4

>CG5448 : FBan0005448 : CT17276 : FBan0005448
Length = 3661

analyse/syntaxin2_2.na_gadfly

CG5448 : FBan0005448 : CT17276 : FBan0005448 291 3e-79
CG2715 : FBan0002715 : CT9233 : FBan0002715 66 3e-11
CG11278 : FBan0011278 : CT31479 : FBan0011278 39 0.003
CG10212 : FBan0010212 : CT28721 : FBan0010212 34 0.11
CG1503 : FBan0001503 : CT3763 : FBan0001503 33 0.25
CG1988 : FBan0001988 : CT6344 : FBan0001988 31 1.3
CG9587 : FBan0009587 : CT27064 : FBan0009587 29 3.7
CG8176 : FBan0008176 : CT24387 : FBan0008176 28 6.4
CG14172 : FBan0014172 : CT33776 : FBan0014172 28 8.4
CG17927 : FBan0017927 : CT39920 : FBan0017927 28 8.4
CG6735 : FBan0006735 : CT20566 : FBan0006735 28 8.4

>CG5448 : FBan0005448 : CT17276 : FBan0005448
Length = 3661

analyse/syntaxin3.na_gadfly

CG5448 : FBan0005448 : CT17276 : FBan0005448 310 6e-85
CG2715 : FBan0002715 : CT9233 : FBan0002715 80 1e-15
CG17927 : FBan0017927 : CT39920 : FBan0017927 41 6e-04
CG15792 : FBan0015792 : CT9199 : FBan0015792 37 0.013
CG7821 : FBan0007821 : CT23680 : FBan0007821 36 0.037
CG7243 : FBan0007243 : CT22339 : FBan0007243 35 0.063
CG18076 : FBan0018076 : CT39520 : FBan0018076 34 0.11
CG18637 : FBan0018637 : CT42252 : FBan0018637 34 0.11
CG7028 : FBan0007028 : CT21738 : FBan0007028 33 0.19
CG6239 : FBan0006239 : CT19556 : FBan0006239 33 0.24
CG11397 : FBan0011397 : CT31815 : FBan0011397 32 0.32
CG13676 : FBan0013676 : CT33112 : FBan0013676 32 0.55
CG17604 : FBan0017604 : CT15287 : FBan0017604 32 0.55
CG6214 : FBan0006214 : CT37876 : FBan0006214 31 0.72

analyse/syntaxin4.na_gadfly

CG5448 : FBan0005448 : CT17276 : FBan0005448 212 2e-55
CG2715 : FBan0002715 : CT9233 : FBan0002715 96 3e-20
CG3493 : FBan0003493 : CT11783 : FBan0003493 48 9e-06
CG5886 : FBan0005886 : CT18475 : FBan0005886 46 3e-05
CG7821 : FBan0007821 : CT23680 : FBan0007821 43 3e-04
CG5020 : FBan0005020 : CT15940 : FBan0005020 41 7e-04
CG2919 : FBan0002919 : CT7744 : FBan0002919 40 0.002
CG6392 : FBan0006392 : CT19928 : FBan0006392 38 0.008
CG7831 : FBan0007831 : CT7226 : FBan0007831 37 0.013
CG10212 : FBan0010212 : CT28721 : FBan0010212 36 0.022
CG4831 : FBan0004831 : CT15516 : FBan0004831 36 0.029
CG17177 : FBan0017177 : CT38112 : FBan0017177 36 0.029
CG9774 : FBan0009774 : CT27613 : FBan0009774 36 0.029
CG10915 : FBan0010915 : CT30561 : FBan0010915 35 0.066

analyse/syntaxin5.na_gadfly

CG4214 : FBan0004214 : CT13820 : FBan0004214 303 1e-82
CG1467 : FBan0001467 : CT3578 : FBan0001467 47 1e-05
CG15260 : FBan0015260 : CT35204 : FBan0015260 35 0.20
CG7821 : FBan0007821 : CT23680 : FBan0007821 33 0.26
CG13161 : FBan0013161 : CT32402 : FBan0013161 31 0.77
CG5080 : FBan0005080 : CT16297 : FBan0005080 30 1.7
CG7388 : FBan0007388 : CT13674 : FBan0007388 30 2.3
CG7477 : FBan0007477 : CT22979 : FBan0007477 29 3.0
CG12359 : FBan0012359 : CT23932 : FBan0012359 29 3.0
CG9425 : FBan0009425 : CT26683 : FBan0009425 29 5.1
CG18252 : FBan0018252 : CT41346 : FBan0018252 29 5.1
CG6961 : FBan0006961 : CT21378 : FBan0006961 28 6.6
CG18259 : FBan0018259 : CT41379 : FBan0018259 28 6.6
CG5690 : FBan0005690 : CT8721 : FBan0005690 28 8.7

analyse/syntaxin6.na_gadfly

CG7736 : FBan0007736 : CT41649 : FBan0007736 112 2e-25
CG11173 : FBan0011173 : CT31220 : FBan0011173 34 0.13
CG9018 : FBan0009018 : CT25924 : FBan0009018 34 0.13
CG9474 : FBan0009474 : CT26836 : FBan0009474 31 0.63
CG3213 : FBan0003213 : CT10803 : FBan0003213 29 3.2
CG7025 : FBan0007025 : CT21646 : FBan0007025 28 7.2

>CG7736 : FBan0007736 : CT41649 : FBan0007736
Length = 1071

Score = 112 bits (278), Expect = 2e-25
Identities = 4/107 (3%), Positives = 12/107 (10%), Gaps = 35/107 (32%)

Query: 1 MSMEDPFFVVK----------GEVQKAVNTAQGLP 25

analyse/syntaxin7.na_gadfly

CG5081 : FBan0005081 : CT16295 : FBan0005081 152 2e-37
CG11278 : FBan0011278 : CT31479 : FBan0011278 76 2e-14
CG1467 : FBan0001467 : CT3578 : FBan0001467 74 1e-13
CG5448 : FBan0005448 : CT17276 : FBan0005448 62 5e-10
CG7821 : FBan0007821 : CT23680 : FBan0007821 36 0.019
CG13882 : FBan0013882 : CT33409 : FBan0013882 33 0.22
CG10648 : FBan0010648 : CT5120 : FBan0010648 31 0.65
CG4124 : FBan0004124 : CT37912 : FBan0004124 31 0.85
CG10911 : FBan0010911 : CT30551 : FBan0010911 31 0.85
CG11451 : FBan0011451 : CT36233 : FBan0011451 29 2.5
CG12359 : FBan0012359 : CT23932 : FBan0012359 29 4.3
CG7462 : FBan0007462 : CT13989 : FBan0007462 29 4.3
CG6226 : FBan0006226 : CT19512 : FBan0006226 28 7.4
CG8242 : FBan0008242 : CT24455 : FBan0008242 28 7.4

analyse/syntaxin7_2.na_gadfly

CG5081 : FBan0005081 : CT16295 : FBan0005081 152 2e-37
CG11278 : FBan0011278 : CT31479 : FBan0011278 76 2e-14
CG1467 : FBan0001467 : CT3578 : FBan0001467 74 1e-13
CG5448 : FBan0005448 : CT17276 : FBan0005448 62 5e-10
CG7821 : FBan0007821 : CT23680 : FBan0007821 36 0.019
CG13882 : FBan0013882 : CT33409 : FBan0013882 33 0.22
CG10648 : FBan0010648 : CT5120 : FBan0010648 31 0.65
CG4124 : FBan0004124 : CT37912 : FBan0004124 31 0.85
CG10911 : FBan0010911 : CT30551 : FBan0010911 31 0.85
CG11451 : FBan0011451 : CT36233 : FBan0011451 29 2.5
CG12359 : FBan0012359 : CT23932 : FBan0012359 29 4.3
CG7462 : FBan0007462 : CT13989 : FBan0007462 29 4.3
CG6226 : FBan0006226 : CT19512 : FBan0006226 28 7.4
CG8242 : FBan0008242 : CT24455 : FBan0008242 28 7.4

analyse/syntaxin8.na_gadfly

CG4109 : FBan0004109 : CT13642 : FBan0004109 64 1e-10
CG7736 : FBan0007736 : CT41649 : FBan0007736 43 2e-04
CG5933 : FBan0005933 : CT18635 : FBan0005933 27 8.7
CG3241 : FBan0003241 : CT10903 : FBan0003241 27 8.7

>CG4109 : FBan0004109 : CT13642 : FBan0004109
Length = 755

Score = 63.6 bits (152), Expect = 1e-10
Identities = 45/212 (21%), Positives = 92/212 (43%), Gaps = 2/212 (0%)

Query: 4
DPWFSTYDSTCQIAQEIAEKIQERNQCERRGEKTPKLTLTIRTXXXXXXXXXX
XXXXXXX 63
D W Y+ ++ ++ ++R Q R + +LT +I+T
Sbjct: 75
DSWDIEYEGCERLRHQLLVYLNQRQQLNPRTSQFVQLTSSIQTGIEQLAKDMK
HLKVVLD 254

analyse/lomosynb.na_gadfly

CG17762 : FBan0017762 : CT39363 : FBan0017762 640 0.0
CG2205 : FBan0002205 : CT7224 : FBan0002205 244 3e-64
CG2671 : FBan0002671 : CT9059 : FBan0002671 242 1e-63
CG13440 : FBan0013440 : CT32798 : FBan0013440 46 9e-05
CG6400 : FBan0006400 : CT19962 : FBan0006400 43 8e-04
CG12325 : FBan0012325 : CT22289 : FBan0012325 43 8e-04
CG6053 : FBan0006053 : CT18975 : FBan0006053 41 0.003
CG4063 : FBan0004063 : CT13462 : FBan0004063 40 0.007
CG2261 : FBan0002261 : CT7500 : FBan0002261 39 0.012
CG14722 : FBan0014722 : CT34514 : FBan0014722 39 0.016
CG10724 : FBan0010724 : CT30041 : FBan0010724 39 0.016
CG10064 : FBan0010064 : CT28331 : FBan0010064 39 0.021
CG4532 : FBan0004532 : CT14694 : FBan0004532 38 0.035
CG2863 : FBan0002863 : CT9790 : FBan0002863 38 0.046

analyse/unc18A.na_gadfly

CG15811 : FBan0015811 : CT30180 : FBan0015811 712 0.0
CG8228 : FBan0008228 : CT24449 : FBan0008228 99 7e-21
CG3539 : FBan0003539 : CT11906 : FBan0003539 68 2e-11
CG6214 : FBan0006214 : CT37876 : FBan0006214 31 2.9
CG6816 : FBan0006816 : CT20826 : FBan0006816 29 6.6

>CG15811 : FBan0015811 : CT30180 : FBan0015811
Length = 2084

Score = 712 bits (1818), Expect = 0.0
Identities = 355/573 (61%), Positives = 439/573 (75%), Gaps = 14/573 (2%)

Query: 4 IGLKAVVGEKIMHD----------
XXXXXXXXXXXXXXXDQLSMRMLSSCCKMTD 49
+LK +VG+K+M++ D+L MRM+S+C KM +

analyse/unc18B.na_gadfly

CG15811 : FBan0015811 : CT30180 : FBan0015811 605 e-173
CG8228 : FBan0008228 : CT24449 : FBan0008228 111 9e-25
CG3539 : FBan0003539 : CT11906 : FBan0003539 77 3e-14
CG12230 : FBan0012230 : CT12981 : FBan0012230 47 3e-05
CG10562 : FBan0010562 : CT29420 : FBan0010562 31 2.2
CG12136 : FBan0012136 : CT7794 : FBan0012136 31 2.9
CG5394 : FBan0005394 : CT17114 : FBan0005394 30 3.8
CG10716 : FBan0010716 : CT30033 : FBan0010716 30 3.8
CG6816 : FBan0006816 : CT20826 : FBan0006816 29 6.6
CG12391 : FBan0012391 : CT26076 : FBan0012391 29 8.6

>CG15811 : FBan0015811 : CT30180 : FBan0015811
Length = 2084

analyse/unc18C.na_gadfly

CG15811 : FBan0015811 : CT30180 : FBan0015811 488 e-138
CG8228 : FBan0008228 : CT24449 : FBan0008228 137 2e-32
CG3539 : FBan0003539 : CT11906 : FBan0003539 78 1e-14
CG5935 : FBan0005935 : CT18411 : FBan0005935 33 0.58
CG6686 : FBan0006686 : CT20738 : FBan0006686 30 3.8
CG18069 : FBan0018069 : CT40499 : FBan0018069 29 6.6
CG11838 : FBan0011838 : CT33128 : FBan0011838 29 8.6
CG7207 : FBan0007207 : CT22237 : FBan0007207 29 8.6

>CG15811 : FBan0015811 : CT30180 : FBan0015811
Length = 2084

Score = 488 bits (1243), Expect = e-138
Identities = 254/552 (46%), Positives = 382/552 (69%), Gaps = 10/552 (1%)

No replies as of October 20th, 2000

From [redacted] Wed Oct 11 13:12:28 2000
From: Rachel Drysdale (Genetics) [redacted]
To: [redacted]
Cc: [redacted]
Subject: Re: blast search results for synaptic vesicle cycle proteins
Date: Wed, 11 Oct 2000 13:12:30 +0100

OurRefs: rd3900.h and rd3963.h

Dear Patrik and Hugo,

Many thanks for the data table (which I will refer to below as 'Patrik's table') about the synaptic vesicle cycle proteins. It was very helpful indeed and we will have fewer 'orphan' genes in FlyBase as a result of your help. This mail is to let you see the correlations I made based on your mail, thus giving you a chance to correct me where I have erred.

The genes mentioned in Lloyd et al., 2000, Neuron 26(1): 45--50 and Patrik's table fall into several groups

Group 1: Those genes in Patrik's table where FlyBase already knew the correlation between the named gene and a CG gene.

Group 2. Those genes where Patrik's table allowed us to make a correlation that we couldn't have known simply from the Lloyd paper.

Group 3. Genes in Table 1 of Lloyd et al. that are new to FlyBase, but not accounted for in Patrik's table (there are three guesses of mine for you to check in this file).

Group 4. Genes that appear in Patrik's table that I have not attached to anything from Table 1 of Lloyd et al.

It may be that more correlations can be made between genes in group 3 and 4 - I have made comments in the relevent files.

There are only two real problems (i.e. explicit conflicts between data FlyBase already has and info in Lloyd Table 1 or Patrik's table).

1. CASK/CAKI in Lloyd Table 1:

>From Lloyd Table 1

>CASK 93F
>CAKI 42D-E

Patrik's table has the following lines:

```
>analyse/CASK.na_gadfly
>CG6703 : FBan0006703 : CT20820 : FBan0006703                    614  e-176
>
>analyse/CASK_A.na_gadfly
>CG13412 : FBan0013412 : CT32768 : FBan0013412                   478  e-135
>
>analyse/CASK_B.na_gadfly
>CG6703 : FBan0006703 : CT20820 : FBan0006703                    598  e-171
```

suggesting that the CASK and CAKI of Lloyd Table 1 may be CG6703 and CG13412 (or vice versa).

FlyBase has CG6703 AND CG13412 as both corresponding to Caki (FBgn0013759) which maps to 93F, however you present the map location of CAKI (though maybe you didn't mean FBgn0013759) as 42D-E.

I will presume that the CAKI and CASK in Lloyd Table 1 got reversed, and that you have not given me the CG correspondence for CASK (hence Cask appears in Group 3 list) unless you tell me otherwise.

2. dsec8 from Lloyd Table 1:

>desc8 .....60E

Patrik's table included

```
>analyse/Rsec8.na_gadfly
>CG2095 : FBan0002095 : CT6770 : FBan0002095                     496  e-140
```

Re: blast search results for synaptic vesicle cycle proteins

but our records for CG2095 claim it is at 83C1. So I have to presume that CG2095 is not dsec8, hence sec8 appears in Group 3 and CG2095 in Group4. If you can shed any light on this I would be grateful.

This is great - there will only be a handful of new genes going into FlyBase that will not have a CG association - a huge improvement over the situation before you helped me out.

With my thanks,

Rachel.

<This message contains 4 attachments (not printed)>

Group 1

Gene symbol	Corresponding annotation
Caki	CG6703
AP-50	CG7057
sec10	CG6159
Snap	CG6625
&ggr;Snap	CG3988
unc-13	CG2999
Rop	CG15811
Nsf2	CG9931
Pp2B-14D	CG9842
CanB2	CG11217
Caps	CG17881
Csp	CG6395
Frq	CG5907
Snap24	CG9474
syt	CG3139
syx1A	CG5448
Sed5	CG4214
n-syb	CG17248
Syb	CG12210
Rab1	CG3320
Rab10	CG17060
Rab11	CG5771
Rab14	CG4212
Rab2	CG3269
Gdi	CG4422
Scamp	CG9195
Syn	CG3985
AP-47	CG9388
&agr;-Adaptin	CG4260
AP-2	CG7807
Bap	CG12532
rb	CG11427
g	CG10986
cm	CG3035
lap	CG2520
amphiphysin	CG8604
Arf51F	CG8156
Chc	CG9012
Clc	CG6948
shi	CG18102
Dap160	CG1099
lqf	CG8532
Stam	CG6521

Group 2

Gene symbol	Corresponding annotation
exo70	CG7127
Mint	CG5678
sec5	CG8843
sec6	CG5341
sec15	CG7034
Hrs	CG2903
unc-13-4A	CG8608
snapin	CG9958
tomosyn	CG17762
Vap-33-1	CG5014
Cirl	CG8639
Syt7	CG2381
Syx7	CG7736
Syx6/10	CG5081
Syx16	CG1467
rab3-GAP	CG7061
rab3-GEF	CG5627
rabphilin-3A	CG11556
Rim	CG7321
synaptogyrin	CG10808
AP-1[&ggr;]	CG9113
AP-1[&sgr;]	CG5864
AP-3&sgr;	CG3029
auxillin	CG1107
endophilin	CG14296
Eps-15	CG16932
synaptojanin	CG6562
syndapin	CG15694

Group 3

Genes from Lloyd Table 1 for which I cannot yet make a CG correspondence - symbol given is the symbol (and synonym, where applicable) it will have once the record has been processed into the FlyBase database:

Cask (CASK)

exo84

P71

sec8 (dsec8)

&ggr;Snap-2 (&ggr;SNAP-2)

unc-13-4B (dunc-13-4B)

Vps45 (VPS45)

Vap-33-2 (VAP-33-2)

Syt3 (SYT3) [might this be CG5559?]

AP-2&sgr; [might this be CG6056 from Group 4?]

dynamin-2 [might this be CG3210?]

epsin-2

Group 4

analyse/AP-17.na_gadfly
CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 273 3e-74

analyse/AP17_delta.na_gadfly
CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 184 2e-47

analyse/AP17_small_sub_unit.na_gadfly
CG6056 : FBan0006056 : CT18999 : FBan0006056 273 3e-74
==========
analyse/ARF-GEF.na_gadfly
CG11628 : FBan0011628 : CT7581 : FBan0011628 495 e-140
==========
analyse/ARP.na_gadfly
CG7039 : FBan0007039 : CT21767 : FBan0007039 269 1e-72
==========
analyse/DNAJ2.na_gadfly
CG8863 : FBan0008863 : CT36737 : FBan0008863 432 e-121

analyse/DNAJ3.na_gadfly
CG8863 : FBan0008863 : CT36737 : FBan0008863 339 2e-93
==========
analyse/DNAJ7.na_gadfly
CG5001 : FBan0005001 : CT15884 : FBan0005001 97 1e-20
==========
analyse/Rsec8.na_gadfly
CG2095 : FBan0002095 : CT6770 : FBan0002095 496 e-140
==========
analyse/VAMP4.na_gadfly
CG1599 : FBan0001599 : CT4201 : FBan0001599 63 1e-10

analyse/VAMP8_endobrevin.na_gadfly
CG1599 : FBan0001599 : CT4201 : FBan0001599 58 2e-09
==========
analyse/arf-1.na_gadfly
CG6025 : FBan0006025 : CT18906 : FBan0006025 273 4e-74
==========
analyse/arf-2.na_gadfly
CG7435 : FBan0007435 : CT22853 : FBan0007435 291 2e-79
==========
analyse/arf-3.na_gadfly
CG6560 : FBan0006560 : CT20357 : FBan0006560 212 1e-55
==========
analyse/arf-4.na_gadfly
CG11027 : FBan0011027 : CT30867 : FBan0011027 315 1e-86
==========
analyse/arf-5.na_gadfly
CG7197 : FBan0007197 : CT22219 : FBan0007197 285 2e-77
==========
analyse/cdk5.na_gadfly
CG8203 : FBan0008203 : CT21909 : FBan0008203 480 e-136

analyse/cdk5_catalytic_su.na_gadfly
CG8203 : FBan0008203 : CT21909 : FBan0008203 477 e-135
==========
analyse/cdk5_regulatory_su2.na_gadfly

CG5387 : FBan0005387 : CT17100 : FBan0005387 201 4e-52
CG2051 : FBan0002051 : CT6633 : FBan0002051 30 3.0

>CG5387 : FBan0005387 : CT17100 : FBan0005387
Length = 1845

Score = 201 bits (507), Expect = 4e-52
Identities = 95/156 (60%), Positives = 122/156 (77%)

Query: 175 RRVIVQASTGELLRCLRDFVCRSCYRLKELSPGELVGWFRGVDRSLLLQGWQDQAFITPA 234
R+ ++QAST ELL+CL F+ C RL G+ V W R VDRSLLLQGWQD AFI PA
Sbjct: 1139 RKTVIQASTSELLKCLGMFLHCRCQRLNNFDAGDAVMWLRAVDRSLLLQGWQDVAFINPA 1318

Query: 235 NLVFVYLLCRESLSGDELASAAELQAAFLTCLYLAYSYMGNEISYPLKPFLVEPDKERFW 294
==========
analyse/hsc_70.na_gadfly
CG4264 : FBan0004264 : CT13958 : FBan0004264 1005 0.0
==========
analyse/mso1.na_gadfly

CG9018 : FBan0009018 : CT25924 : FBan0009018 29 2.6
CG14366 : FBan0014366 : CT34002 : FBan0014366 29 3.4

>CG9018 : FBan0009018 : CT25924 : FBan0009018

Length = 1369

Score = 29.0 bits (63), Expect = 2.6
Identities = 21/72 (29%), Positives = 31/72 (42%)

```
Query: 58  ENQHPFQGFPGWLGEKEDLPNERKILDTQVKHDMKKQNSRHFSPSFSNRRKASSEDPMGT 117
           E  H   G P    EK +   +RK  D   +H   K++  H   S +N    + E+ +
Sbjct: 562 EKDHGGSGKP----EKSERREKRKHED---RHSKSKRSRHHVQGSSANSAPPT-EEVVSV 717

Query: 118 PSSNGNTPEYTP 129
```

analyse/neuronal_DNAJ_like_.na_gadfly		
CG8448 : FBan0008448 : CT37123 : FBan0008448	120	1e-27
analyse/pallid.na_gadfly		
CG2714 : FBan0002714 : CT9231 : FBan0002714	34	0.077
analyse/rab4.na_gadfly		
CG4921 : FBan0004921 : CT15786 : FBan0004921	331	2e-91
analyse/rab5.na_gadfly		
CG3664 : FBan0003664 : CT12147 : FBan0003664	310	6e-85
analyse/rab6.na_gadfly		
CG6601 : FBan0006601 : CT20524 : FBan0006601	232	9e-62
analyse/rab7.na_gadfly		
CG5915 : FBan0005915 : CT18555 : FBan0005915	336	6e-93
analyse/rab8.na_gadfly		
CG8287 : FBan0008287 : CT24527 : FBan0008287	161	2e-40
analyse/rgs7.na_gadfly		
CG7095 : FBan0007095 : CT21935 : FBan0007095	66	2e-12
CG9108 : FBan0009108 : CT26134 : FBan0009108	60	1e-10
CG5036 : FBan0005036 : CT16175 : FBan0005036	45	7e-06
CG7050 : FBan0007050 : CT21808 : FBan0007050	25	6.6

>CG7095 : FBan0007095 : CT21935 : FBan0007095
Length = 2169

Score = 66.3 bits (159), Expect = 2e-12
Identities = 29/66 (43%), Positives = 43/66 (64%)

```
Query: 1    LAVEDLKKRPIREVPSRVQEIWQEFLAPGAPSAINLDSKSYDKTTQNVKEPGRYTFEDAQ 60
           +AV  L++    +V  +V EI++EFL PGAP  IN+D K+ +   + +K P R+TF+ A
Sbjct: 1594 IAVNRLRRSAHSQVARKVNEIYEEFLKPGAPCEINIDGKTMESVLKGLKNPSRFTFDSAS 1773
```

analyse/rsec22.na_gadfly		
CG7359 : FBan0007359 : CT22657 : FBan0007359	85	3e-17
analyse/sec14.na_gadfly		
CG9528 : FBan0009528 : CT26960 : FBan0009528	326	e-158
analyse/syncollin.na_gadfly		
CG11425 : FBan0011425 : CT21215 : FBan0011425	29	1.3
analyse/syntaphilin.na_gadfly		
CG14039 : FBan0014039 : CT33598 : FBan0014039	36	0.046